

بررسی تأثیر تیمارهای بیولوژیک بذر بر عملکرد و برخی خصوصیات بیوشیمیایی ژنوتیپ‌های کلزا تحت تنش خشکی

علی نعمتی^۱، علی اصغر علیلو^{۲*} و محمد صدقی^۳

(تاریخ دریافت: ۱۴۰۰/۴/۲۶؛ تاریخ پذیرش: ۱۴۰۰/۷/۱۴)

چکیده

کمبود آب رشد و نمو گیاهان زراعی را به‌طور گسترده در مناطق نیمه‌خشک تهدید می‌کند. همزیستی گیاهان با میکروارگانیسم‌های مفید خاک یکی از راهکارهای سازگاری آنها با تنش‌های محیطی است. در این پژوهش اثر تلقیح بذر ژنوتیپ‌های کلزا با قارچ شبه‌میکوریزا (*Piriformospora indica*) و باکتری محرک رشد (*Arthrobacter siccitolerans*) روی برخی شاخص‌های عملکردی و فیزیولوژیکی در شرایط بدون تنش و تنش خشکی طی دو سال بررسی شد. نتایج نشان داد، تنش خشکی باعث کاهش عملکرد دانه (۱۹/۵٪) و روغن کلزا (۲۳٪) شد. درحالی‌که فعالیت و مقدار شاخص‌های فیزیولوژیکی (آنزیم‌های کاتالاز، سوپراکسید دیسموتاز، آسکوربات پراکسیداز و مالون دی آلدئید و پرولین) را افزایش داد. تیمار بذر با قارچ *P. indica* و باکتری *A. siccitolerans* تحت شرایط تنش باعث کاهش فعالیت آنزیم‌ها و مقدار پرولین و بهبود عملکرد دانه و روغن در مقایسه با آبیاری نرمال شد. هر چند اثر تعدیلی باکتری و قارچ روی صفات مورد مطالعه شبیه بود ولی اثر قارچ روی پرولین و عملکرد روغن بارزتر بود. همچنین تحت شرایط آبیاری نرمال نیز کاربرد این میکروارگانیسم‌ها باعث کاهش فعالیت آنزیم‌ها و مقدار پرولین شد. نکته قابل توجه اینکه تغییرپذیری زیاد محتوی پرولین استفاده از آن را به‌عنوان شاخص ارزیابی تنش در تیمارهای زیستی نیز معرفی می‌کند. در کل نتایج نشان داد که با وجود تفاوت در پاسخ ژنوتیپ‌ها به تیمارها، کاربرد هر دو میکروارگانیسم باعث افزایش عملکرد دانه و عملکرد روغن تحت هر دو شرایط آبیاری نرمال و تنش خشکی شد و می‌توان از این تیمارهای زیستی، بویژه قارچ *P. indica*، جهت تعدیل اثر تنش خشکی ژنوتیپ‌های کلزا استفاده کرد.

واژه‌های کلیدی: آنزیم، تلقیح، پرولین، مالون دی آلدئید

۱ و ۲. به‌ترتیب دانشجوی دکتری فیزیولوژی گیاهان زراعی و دانشیار گروه مهندسی تولید و ژنتیک گیاهی، دانشگاه مراغه، مراغه، ایران

۳. استاد گروه مهندسی تولید و ژنتیک گیاهی دانشگاه محقق اردبیلی، ایران

*: مسئول مکاتبات: پست الکترونیکی: aliasghar.aliloo@gmail.com

مقدمه

کلزا (*Brassica napus*.L.) از مهم‌ترین گیاهان روغنی دنیاست که به دلیل دارا بودن صفات زراعی مناسب، عملکرد بالا و کیفیت روغن مناسب، از اهداف پژوهشی علوم زراعت و اصلاح نباتات به شمار می‌رود. برخی از ژنوتیپ‌های این گیاه مناسب برای کاشت در نواحی خشک و نیمه‌خشک هستند. ولی در این مناطق، اثرات بازدارندگی تنش‌های محیطی روی فرایندهای بیوشیمیایی و فیزیولوژی گیاه که منجر به کاهش رشد آن می‌شود، بیشتر مشهود است (۳). برخی از محققان به انتخاب ژنوتیپ‌ها با عملکرد بالا در شرایط مطلوب و برخی در شرایط تنش اعتقاد دارند، اما گزارش‌های دیگری نشان می‌دهد که انتخاب ژنوتیپ‌هایی با عملکرد دانه بالا تحت هر دو شرایط مطلوب و تنش در شناسایی ژنوتیپ‌های مناسب و مقاوم مؤثرتر است (۷). خانی و همکاران (۱۶) عنوان کردند که تنش خشکی در مراحل گلدهی و خورجین‌دهی بر عملکرد دانه و اجزای آن در ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تأثیر زیادی داشته و مقادیر آنها را به شدت کاهش داد. اما پارامتر اصلی تعیین‌کننده درصد روغن دانه کلزا، عوامل ژنتیکی بوده و تأثیر عوامل محیطی بر درصد روغن دانه کم است (۳۳). ژانگ و همکاران (۴۰) گزارش کردند که کمبود آب از مرحله گلدهی تا پایان پر شدن دانه، عملکرد دانه را تحت تأثیر قرار می‌دهد و در شرایط تنش خشکی، ژنوتیپ‌هایی که آب بیشتری را حفظ کنند، دارای عملکرد دانه و در نتیجه روغن بیشتری هستند. تاکنون روش‌های متعدد به‌زراعی و اصلاحی جهت تعدیل اثرات تنش خشکی معرفی شده است (۳۲). یکی از اهداف پژوهشی در ارتباط با تنش‌ها، مربوط به مطالعه مکانسیم‌های دفاعی گیاهان است. شاید بتوان گفت یکی از مهم‌ترین این مکانسیم‌ها، فعالیت آنزیم‌ها و ترکیب‌های آنتی‌اکسیدان گیاهی است که در گیاه کلزا تحمل به تنش کم‌آبی را افزایش می‌دهد (۲۶).

همراه با تحقیقات اصلاحی، روش‌های زیستی مبتنی بر استفاده از میکروارگانیسم با در نظر گرفتن هزینه کم آنها می‌تواند راهکار مناسبی برای مقابله با تنش‌ها، به‌ویژه تنش خشکی باشند

(۳۸). اهمیت برقراری ارتباط همزیستی قارچ *P. indica* با گیاهان مختلف در تحریک رشد گیاه گندم و در نتیجه افزایش توان تحمل گیاه به تنش‌های اسمزی نسبت به حالت بدون همزیستی توسط رویز-لوزانو گزارش شده است (۳۰). کومار و همکاران (۱۸) عنوان کردند که تلقیح بذور ذرت با قارچ *P. indica* باعث کاهش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان و افزایش عملکرد دانه شد. خو و همکاران (۳۷) نیز بیان کردند که قارچ *P. indica* در شرایط بدون تنش خشکی اثر معنی‌داری بر فعالیت‌های آنزیم آنتی‌اکسیدان گیاه ذرت نداشت، اما در شرایط اعمال تنش خشکی باعث افزایش بیش از ۲۰ درصدی فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان و افزایش مقاومت گیاه به تنش خشکی شد. این قارچ از راه‌های مختلف نظیر افزایش سطوح آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان، اسمولیت‌ها به‌خصوص پرولین و حفظ رنگیزه‌های کلروفیلی موجب افزایش تحمل به شوری و خشکی در گیاه میزبان می‌شود (۳۹). پاداشی و همکاران (۲۷) گزارش کردند همزیستی گیاه کاهو تلقیح شده با قارچ، نقش مهمی در افزایش شاخص‌های رشدی و تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان داشت. کاهش در میزان مالون دی‌آلدهید برگ‌های گیاه گندم تلقیح شده با قارچ *P. indica* نیز گزارش شده است (۱). اثر مثبت تلقیح بذور با قارچ‌های میکوریزی بر افزایش عملکرد و کاهش مالون دی‌آلدهید گیاه هندوانه نسبت به شرایط بدون تلقیح توسط مو و همکاران ارائه شده است (۲۲). همچنین اثر مثبت مشابهی از باکتری‌های محرک رشد نیز در تعادل متابولیک و کاهش اثر تنش خشکی تحت شرایط کم‌آبیاری در گندم توسط نوید و همکاران (۲۴) و استفاده از گونه‌های *Arthrobacter* در یونجه و فلفل توسط آنتونیو و همکاران (۴) گزارش شده است. نتایج کوهلر و همکاران (۱۷) بر روی کاهو نشان داد که در شرایط بدون اعمال تنش خشکی گیاهچه‌های تلقیح شده با باکتری سودوموناس میزان فعالیت آنزیم کاتالاز کمتری نسبت به تیمار بدون تلقیح داشتند. اردوگان و همکاران (۱۰) نیز اظهار داشتند که بته‌های تلقیح شده با باکتری‌های محرک رشد، از فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیداتی بالاتری برخوردار بودند و در مقابل میزان بیومارکر

مالون دی آلدئید و پراکسید هیدروژن آنها پایین بود. با توجه به مطالب ذکر شده یافتن ژنوتیپ و تیمار زیستی مناسب در گیاه کلزا که بتواند اثرات تنش خشکی را تعدیل کند، می‌تواند به صورت کاربرد در مزارع کشاورزی مناطق نیمه‌خشک مؤثر واقع شود. در این راستا، اثر تلقیح بذر با قارچ *Piriformospora indica* و باکتری *Arthrobacter siccitolerans* در شرایط تنش خشکی و شرایط نرمال در دو سال زراعی متوالی روی برخی از صفات عملکردی و فیزیولوژیکی ژنوتیپ‌های مختلف کلزا بررسی شد.

مواد و روش‌ها

این آزمایش طی دو سال زراعی ۹۷-۱۳۹۶ و ۹۸-۱۳۹۷ در مزرعه تحقیقاتی دانشگاه محقق اردبیلی واقع در ۱۰ کیلومتری شهرستان اردبیل با طول جغرافیایی ۴۸ درجه و ۲۰ دقیقه و عرض جغرافیایی ۳۸ درجه و ۱۹ دقیقه اجرا شد. محل آزمایش از نظر آب و هوا و طبقه‌بندی اقلیمی جزو مناطق نیمه‌خشک سرد محسوب و میزان بارندگی و شرایط دمایی محل، طی دو سال آزمایش به شرح جدول ۱ است. بعد از مشخص شدن محل اجرای آزمایش، یک نمونه مرکب از عمق ۰ تا ۳۰ سانتی‌متری خاک تهیه و پس از انتقال به آزمایشگاه و خشک شدن از الک ۲ میلی‌متری عبور داده شد. از آنجایی که برای انجام توصیه کودی بهینه و صحیح، انجام آزمون خاک از اقدامات ضروری بود، خصوصیات فیزیکی و شیمیایی معمول در آزمایشگاه اندازه‌گیری شدند. خاک محل آزمایش از نوع لومی - رسی و مواد آلی آن ۰/۸ درصد بود. مقدار فسفر و پتاسیم خاک به ترتیب ۱۳ و ۱۵۰ میلی‌گرم بر کیلوگرم، مقدار نیتروژن خاک برابر با ۰/۱۲ درصد، هدایت الکتریکی آن ۱/۲ میلی‌موس بر سانتی‌متر و pH خاک منطقه در حدود ۷/۴ بود. این آزمایش به صورت کرت‌های دو بار خرد شده در قالب طرح پایه بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار طی دو سال اجرا شد. تیمارهای آزمایشی شامل دو سطح آبیاری به‌عنوان فاکتور اصلی (شامل آبیاری معمول بر اساس ۸۰ میلی‌متر تبخیر از سطح تشتک تبخیر کلاس A (شاهد) و دیگری تنش خشکی بر اساس روش سیلوستر - برادلی (۳۴) به صورت قطع

آبیاری در مرحله رشد زایشی (از مرحله خورجین‌دهی، کد شده به شماره ۵/۵ از جدول سیلوستر - برادلی) تا مرحله رسیدگی فیزیولوژیک (کد شماره ۶/۹) و سه سطح تلقیح میکروبی (بدون تلقیح، تلقیح قارچ *P. indica* و تلقیح باکتری *A. siccitolerans* به‌عنوان فاکتور فرعی و ۱۰ ژنوتیپ کلزای پاییزه (کرج ۱، کرج ۲، کرج ۳، طلایه، زرفام، Licord، SLM-046، Opera، Modena، Okapi) به‌عنوان فاکتور فرعی فرعی، مجموعاً با ۶۰ تیمار طراحی و اجرا شد. در این پژوهش پس از آماده‌سازی بستر کشت، بذر گواهی شده ارقام کلزا از موسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج تهیه شد. سپس به‌منظور تلقیح بذور، جدایه قارچ اندوفایت *P. indica* به روش دش‌موخ و کوزل (۹) و سوسپانسیون باکتری به روش سیدیگویی و شائوکات (۳۱) جهت بیوپرایمینگ بذرها آماده و با استفاده از روش قبولی و همکاران (۱۱) عمل تلقیح انجام گرفت. بر اساس نقشه طرح آزمایش، کرت‌ها به ابعاد ۵ × ۲/۴ متر، شامل ۶ ردیف و فاصله ردیف‌ها از هم ۳۰ سانتی‌متر جهت کشت کلزا ایجاد و عملیات کشت بذرها با قارچ *P. indica* و باکتری *A. siccitolerans* با تراکم ۸۰ بوته در مترمربع انجام شد، تیمار عدم تلقیح بذر با باکتری و قارچ در آب مقطر استریل جوانه‌دار و در کرت‌های مشخص شده کشت شد. نیم متر از ابتدا و انتهای ردیف کشت و دو خط کناری به‌منظور حذف اثر حاشیه در نتیجه برداشت حذف و اندازه‌گیری معیارها و شاخص‌های رشد و عملکرد از مساحت ۵/۶ مترمربع صورت گرفت. مرحله داشت این پژوهش شامل آبیاری، کوددهی سرک و مبارزه با علف‌های هرز بود. در طول دوره کشت، آبیاری در دو سطح، شامل آبیاری معمول و دیگری تنش خشکی به‌صورت قطع آبیاری در مرحله رشد زایشی صورت گرفت. مقدار آب مصرفی در هر دور آبیاری ۸۰ درصد آب تبخیر شده بود. در طول دوره کاشت تا برداشت تمامی عملیات به غیر از آبیاری، به صورت یکسان برای تمامی تیمارها اعمال شد. در انتها به‌منظور تعیین عملکرد دانه از هر کرت آزمایشی به‌طور جداگانه بوته‌ها کف بر شده و جهت خشک شدن نهایی و رسیدن رطوبت به ۱۲ درصد، به مدت یک

جدول ۱. میزان بارندگی (میلی‌متر) و دمای محل (سانتی‌گراد) آزمایش طی سال زراعی ۹۷-۱۳۹۶ و ۹۸-۱۳۹۷

معیارها	ماه‌ها									
	شهریور	مهر	آبان	آذر	دی	بهمن	اسفند	فروردین	اردیبهشت	خرداد
بارندگی ۹۷-۱۳۹۶	۶/۴	۴/۸	۴۰/۲	۲۸/۹	۳/۴	۳۵/۲	۹/۴	۲۳/۸	۳۲/۹	۲/۴
بارندگی ۹۸-۱۳۹۷	۰/۱	۴۳/۶	۹/۷	۶/۵	۱۶/۵	۵۴/۷	۲۶/۵	۹/۳	۶۰/۳	۲/۲۸
حداکثر دما ۹۷-۱۳۹۶	۲۷/۲	۱۹	۱۷	۱۰	۱۱/۹	۶	۱۵/۱	۱۷	۲۳/۵	۲۸
حداقل دما ۹۷-۱۳۹۶	۱۴	۹/۲	۳	-۴	-۷	-۱۳	-۶	۱/۳	۶/۵	۱۳/۸
حداکثر دما ۹۸-۱۳۹۷	۲۸	۱۶/۵	۱۴/۴	۸	۱۰/۱	۴/۵	۱۳/۱	۱۶/۶	۲۴	۲۷/۷
حداقل دما ۹۸-۱۳۹۷	۱۳/۵	۱۱/۸	۴/۴	-۲	-۵/۵	-۱۱	-۴/۲	۱	۸/۸	۱۳

استفاده از نرم‌افزارهای SAS و SPSS انجام و نتایج تجزیه واریانس به‌دست آمد. سپس با استفاده از آزمون LSD، میانگین داده‌ها در سطح احتمال پنج درصد با یکدیگر مقایسه شدند.

نتایج و بحث

عملکرد دانه، درصد و عملکرد روغن

نتایج نشان داد اثرات ساده میکروارگانیزم و ژنوتیپ بر عملکرد دانه، درصد روغن و عملکرد روغن دانه کلزا در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار بود (جدول ۲) و اثرات متقابل ترکیب تیماری تنش خشکی در ژنوتیپ و تنش در ژنوتیپ در میکروارگانیزم اثر معنی‌داری بر عملکرد دانه، درصد روغن و عملکرد روغن دانه در سطح احتمال یک درصد داشتند. مقایسات میانگین ترکیب تیماری ژنوتیپ و میکروارگانیزم‌ها نشان داد که ژنوتیپ طلایه تحت شرایط تیمار با باکتری *A. siccitolerans* و قارچ *P. indica* به‌ترتیب با میانگین ۳۰۹۹ و ۳۰۹۲ کیلوگرم در هکتار با بیشترین عملکرد در یک گروه آماری قرار گرفتند (جدول ۳). از آنجایی که هدف اصلی از کشت کلزا استحصال روغن است بنابراین عملکرد روغن از اهمیت بیشتری برخوردار است که نتایج تأثیر این ترکیب تیماری بر عملکرد روغن دانه نیز نشان داد که ژنوتیپ‌های مودنا، اکاپی و طلایه تحت شرایط تلقیح با باکتری *A. siccitolerans* به‌ترتیب با عملکردهای ۱۳۴۱، ۱۳۹۷ و ۱۳۷۸ کیلوگرم در هکتار و ژنوتیپ‌های اکاپی و طلایه تحت شرایط تلقیح با قارچ *P. indica* به‌ترتیب با

هفته در هوای آزاد نگهداری و پس از جداسازی دانه‌ها از خورجین، وزن دانه‌ها با ترازوی دقیق توزین و عملکرد دانه برحسب کیلوگرم در هکتار محاسبه شد. درصد روغن دانه‌های هر کرت آزمایشی هم توسط دستگاه NMR (Nuclear Magnetic Resonance) در آزمایشگاه تعیین و از حاصلضرب درصد روغن دانه در عملکرد دانه، عملکرد روغن محاسبه شد.

سنجش‌های آنزیمی

در مرحله شروع پر شدن دانه، از برگ‌های توسعه یافته انتهایی نمونه‌برداری انجام و از روش گینوپولیتیس و رایس (۱۳) برای اندازه‌گیری فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز استفاده شد و فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز با استفاده از روش ناکانو و اسادا (۲۳)، فعالیت آنزیم کاتالاز براساس روش کاکماک و هورست (۸) و فعالیت آنزیم پراکسیداز طبق روش گانتی و همکاران (۱۲) اندازه‌گیری و قرائت شد. جهت اندازه‌گیری غلظت مالون دی‌آلدهید از روش والتووویک و همکارانش (۳۶) استفاده شد و به‌منظور تعیین غلظت پرولین برگ از روش باتیز و همکاران (۶) استفاده شد.

روش‌های آماری و تجزیه داده‌ها

برای ارزیابی یکنواختی واریانس خطاهای آزمایشی آزمون بارلت انجام یافت که نتایج نشان‌دهنده یکنواختی واریانس خطاهای آزمایشی در طی دو سال بود. تجزیه‌های آماری با

جدول ۲. تجزیه مرکب واریانس عملکرد و فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تحت شرایط تنش و بدون تنش و استفاده از میکروارگانیزم‌ها طی دو سال زراعی

مالون‌دی آلدئید	پروئین	پروکسیداز	کاتالاز	آسکوربات پراکسیداز	سوپراکسید دیسموتاز	عملکرد روغن	درصد روغن دانه	عملکرد دانه	درجه آزادی	منبع تغییر
۲/۹۹ ^{NS}	۳۱/۴ ^{NS}	۵۶/۲ ^{NS}	۴/۲۸ ^{NS}	۹/۱۵ ^{NS}	۱۰/۸ ^{NS}	۲۹۷۷۳۵ ^{NS}	۴۱/۱۴ ^{NS}	۸۵۰۹۸۶ ^{NS}	۱	سال
۰/۱	۱/۲۹	۱/۶۷	۰/۲۵۵	۳/۴۷	۱/۰۵	۳۳۰۲	۱/۵۴	۶۷۴۰	۴	تکرار (سال)
۱۲۶ ^{NS}	۲۹۷۶*	۱۳۰۷*	۸۹/۹ ^{NS}	۵۸۸*	۱۹۲۳*	۶۵۹۳۱۶۹ ^{NS}	۲۲۹/۶ ^{NS}	۲۵۸۷۸۶۲۰*	۱	تنش
۱/۲۷ ^{NS}	۸/۴۶ ^{NS}	۷/۶ ^{NS}	۰/۸۴۵*	۱/۷۳ ^{NS}	۳/۵ ^{NS}	۵۳۲۶۵ ^{NS}	۹/۹ ^{NS}	۱۵۸۴۶۶ ^{NS}	۱	تنش در سال
۰/۱۵	۱/۷	۲/۵۷	۰/۶۳	۱/۴	۰/۱۷۴	۸۶۰۲	۰/۶۳۲	۱۵۰۲۴	۴	خطا (a)
۷/۲**	۵۹۵**	۱۱۱**	۲۷/۳**	۹۱/۲**	۱۰۱**	۴۹۱۱۱۵**	۱۲/۴ ^{NS}	۲۳۲۶۶۰۸**	۲	میکروارگانیزم‌ها
۰/۰۱۴ ^{NS}	۰/۲۵۴ ^{NS}	۰/۴۴۸ ^{NS}	۰/۰۷ ^{NS}	۰/۰۵۵ ^{NS}	۰/۰۴ ^{NS}	۷۰۸ ^{NS}	۰/۷۸۹ ^{NS}	۱۸۳ ^{NS}	۲	سال × میکروارگانیزم
۰/۹۱۷ ^{NS}	۷/۶۵**	۱/۲ ^{NS}	۲/۷۳ ^{NS}	۱۳/۱۱*	۳/۳۹*	۵۵۹۳ ^{NS}	۱/۸۸ ^{NS}	۴۲۹۰۸ ^{NS}	۲	تنش × میکروارگانیزم
۰/۰۱۳ ^{NS}	۰/۱۱۴ ^{NS}	۰/۰۸۱ ^{NS}	۰/۰۸۵ ^{NS}	۰/۱۴۷ ^{NS}	۰/۰۳۷ ^{NS}	۲۷۱۳ ^{NS}	۰/۴۱۴ ^{NS}	۲۵۷۸ ^{NS}	۲	سال × تنش × میکروارگانیزم
۰/۰۵۲	۱/۲۳	۰/۷۵۶	۰/۷۷۶	۱/۵۲	۰/۶۶۳	۲۵۰۷	۰/۶۷۱	۵۸۸۲	۱۶	خطا (b)
۱۰/۷۸**	۹۸۳**	۵۶۱۷**	۶۶۱**	۱۰۸۱**	۲۵۱**	۸۹۸۳۵**	۲۵۹**	۲۳۲۶۲۷۳**	۹	ژنوتیپ
۰/۰۶۸**	۰/۶۳۰ ^{NS}	۱/۰۳ ^{NS}	۲/۷۸ ^{NS}	۰/۱۱۴ ^{NS}	۰/۲۹۱ ^{NS}	۱۶۳۹ ^{NS}	۰/۷۸۵ ^{NS}	۱۱۰۷۸**	۹	سال × ژنوتیپ
۱۳/۳**	۳۷۳**	۱۵۲۳**	۲۳/۳**	۴۹/۶**	۵۹/۱۶**	۳۱۵۴۹**	۳۷/۳۶**	۶۷۲۶۳**	۹	تنش × ژنوتیپ
۰/۰۳۷ ^{NS}	۰/۵۸۸ ^{NS}	۱/۲۴ ^{NS}	۰/۰۳۸ ^{NS}	۰/۰۶۸ ^{NS}	۰/۱۷۳ ^{NS}	۵۴۷/۹ ^{NS}	۰/۲۲ ^{NS}	۱۷۸۶ ^{NS}	۹	سال × تنش × ژنوتیپ
۰/۵۷**	۴۳/۵**	۱۱/۲۶**	۳/۸۶**	۶/۳**	۶/۱۸**	۶۷۰۴**	۰/۷۵۱ ^{NS}	۲۹۰۱۱**	۱۸	میکروارگانیزم × ژنوتیپ
۰/۰۲۷ ^{NS}	۰/۵۲۶ ^{NS}	۰/۷۳ ^{NS}	۰/۰۳۴ ^{NS}	۰/۱۲۷ ^{NS}	۰/۳ ^{NS}	۵۲۵ ^{NS}	۰/۱۱۹ ^{NS}	۲۴۹ ^{NS}	۱۸	سال × میکروارگانیزم × ژنوتیپ
۰/۱۵۸**	۲۰/۸**	۳/۶۷**	۱/۲**	۶/۵۳**	۰/۸۴۵**	۳۳۵۱**	۰/۵۹۶**	۱۴۶۶۰**	۱۸	تنش × میکروارگانیزم × ژنوتیپ
۰/۰۲ ^{NS}	۰/۵۷۱ ^{NS}	۰/۹۸ ^{NS}	۰/۰۳۴ ^{NS}	۰/۱۶۶ ^{NS}	۰/۲۱ ^{NS}	۴۴۷ ^{NS}	۰/۱۲۷ ^{NS}	۲۷۶۴ ^{NS}	۱۸	سال × تنش × میکروارگانیزم × ژنوتیپ
۰/۰۶۸	۰/۹۱۷	۱/۲	۰/۸۷۳	۰/۸۸	۰/۴۱	۳۱۴۳	۰/۸۵	۳۱۴۹	۲۱۶	خطای کل

NS و ** و * به ترتیب بیانگر عدم وجود اختلاف معنی‌دار و معنی‌دار در سطح احتمال یک و پنج درصد

جدول ۳. مقایسه میانگین ترکیبات تیماری میکروارگانیسم‌ها و ژنوتیپ بر عملکرد دانه و روغن و فعالیت آنزیم‌های سوپراکسید دیسموتاز و آسکوربات پراکسیداز، کاتالاز، پراکسیداز، پرولین و مالون دی آلدئید ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تحت شرایط تنش و بدون تنش و استفاده از میکروارگانیسم‌ها طی دو سال زراعی

میکروارگانیسم‌ها	ژنوتیپ	عملکرد دانه (کیلوگرم بر هکتار)	عملکرد روغن (واحد بر میلی‌گرم پروتئین)	سوپراکسید دیسموتاز (واحد بر میلی‌گرم پروتئین)	آسکوربات پراکسیداز
بدون تلقیح	مودنا	۲۶۸۱ ^j	۱۱۹۰ ^{bc}	۱۸/۶۵۸ ^{abc}	۲۲/۴۶ ^{bc}
	کرج - ۱	۲۴۵۷ ^l	۹۴۲ ^{ef}	۱۲/۲۴ ^{ij}	۴۰/۹۵ ^{gh}
	کرج - ۲	۲۳۷۶ ^{mn}	۸۸۸ ^f	۱۳/۲۳ ^{hij}	۴۴/۳۵ ^{cd}
	کرج - ۳	۲۳۰۲ ^o	۹۳۷ ^{ef}	۱۳/۷۵ ^{g-j}	۴۴/۷۶ ^{bcd}
	اکاپی	۲۶۱۳ ^{hi}	۱۱۸۸ ^{bc}	۱۲/۱۳ ^{ij}	۳۰/۲۹ ^{lm}
	لیکورد	۲۶۵۳ ^{gh}	۱۱۶۲ ^{bcd}	۱۷/۴۷ ^{bcd}	۴۸/۰۸ ^a
	اپرا	۲۳۸۶ ^{mn}	۹۶۰ ^{ef}	۱۹/۳۱ ^{ab}	۴۳/۵ ^{de}
	زرغام	۲۲۴۰ ^p	۹۸۹ ^{ef}	۱۸/۶۲ ^{abc}	۴۱/۷۴ ^{efg}
	SLM-046	۲۱۲۴ ^q	۸۹۱ ^f	۲۰/۹۲ ^a	۴۱/۴۱ ^{fgh}
	طلایه	۲۸۸۵ ^e	۱۲۶۶ ^{ab}	۱۶/۲۹ ^{c-g}	۳۳/۹۷ ^k
<i>Arthrobacter siccitolerans</i>	مودنا	۳۰۰۸ ^b	۱۳۴۱ ^a	۱۶/۶۳ ^{cde}	۴۵/۷۴ ^{bc}
	کرج - ۱	۲۷۷۲ ^f	۱۰۴۱ ^{cde}	۱۱/۷ ^j	۳۹/۷ ^{hi}
	کرج - ۲	۲۶۰۳ ^{hij}	۹۹۰ ^{ef}	۱۲/۸۹ ^{hij}	۴۱/۵ ^{fgh}
	کرج - ۳	۲۵۳۳ ^k	۱۰۲۵ ^{def}	۱۳/۰۷ ^{hij}	۴۲/۹ ^{def}
	اکاپی	۳۰۵۰ ^{ab}	۱۳۹۷ ^a	۱۱/۷۳ ^j	۲۸/۷۷ ^m
	لیکورد	۲۹۵۳ ^c	۱۲۸۷ ^{ab}	۱۴/۶۵ ^{e-i}	۴۶/۰۴ ^{bc}
	اپرا	۲۵۳۲ ^k	۱۰۱۳ ^{ef}	۱۵/۱۵ ^{d-h}	۴۳/۷۴ ^d
	زرغام	۲۴۰۹ ^{lmn}	۱۰۷۶ ^{cde}	۱۶/۲۹ ^{c-g}	۴۰/۶ ^{ghi}
	SLM-046	۲۳۶۴ ⁿ	۹۹۶ ^{ef}	۱۹/۲۷ ^{ab}	۳۷/۸۷ ^j
	طلایه	۳۰۹۹ ^a	۱۳۷۸ ^a	۱۳/۲۹ ^{hij}	۳۰/۹۵ ^l
<i>Piriformospora indica</i>	مودنا	۲۹۱۰ ^{cde}	۱۳۰۰ ^{ab}	۱۷/۳۵ ^{bcd}	۴۵/۸۰ ^{bc}
	کرج - ۱	۲۶۱۲ ^{hi}	۱۰۱۴ ^{ef}	۱۲/۰۷ ^{ij}	۳۹/۹۵ ^{ghi}
	کرج - ۲	۲۵۴۹ ^{ijk}	۹۹۲ ^{ef}	۱۳/۱۲ ^{hij}	۴۲/۹۸ ^{def}
	کرج - ۳	۲۵۵۱ ^{jk}	۱۰۵۹ ^{cde}	۱۳/۹۵ ^{f-j}	۴۳/۵ ^{de}
	اکاپی	۲۹۴۵ ^{cd}	۱۳۶۴ ^a	۱۱/۹۳ ^{ij}	۲۹/۷۲۵ ^{lm}
	لیکورد	۲۸۹۴ ^{cde}	۱۲۷۲ ^{ab}	۱۵/۳۱ ^{d-h}	۴۶/۴۵ ^{ab}
	اپرا	۲۵۹۰ ^{ij}	۱۰۵۲ ^{cde}	۱۶/۱۸ ^{c-f}	۴۳/۱ ^{def}
	زرغام	۲۴۲۶ ^{lm}	۱۰۸۸ ^{cde}	۱۶/۵۵ ^{c-f}	۴۰/۹ ^{gh}
	SLM-046	۲۲۸۹ ^{op}	۹۷۱ ^{ef}	۱۹/۴۸ ^{ab}	۳۸/۹۱ ^{ij}
	طلایه	۳۰۹۲ ^a	۱۳۷۷ ^a	۱۴/۱۸ ^{e-j}	۳۴/۳۷ ^k

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد هستند (LSD).

ادامه جدول ۳.

مالون دی آلدئید (نانومول بر گرم وزن تر)	پرولین (میلی گرم بر گرم وزن تر)	پرکسیداز (واحد بر میلی گرم پروتئین)	کاتالاز	ژنوتیپ	میکروارگانیسیم‌ها
۴/۶۴bcd	۴۱/۱۱ab	۲۱/۷۷ghi	۳۴/۹۷ ^b	مودنا	بدون تلقیح
۴/۲۴def	۳۲/۰۸efg	۳۱/۴a	۲۷/۴۹g	کرج - ۱	
۴/۶۶bcd	۳۵/۱cde	۲۲/۸۴fg	۲۷/۱۷gh	کرج - ۲	
۴/۴۸cde	۳۳/۵۲de	۲۷/۳۸ ^{b-e}	۲۵/۵۱ ^{kl}	کرج - ۳	
۵/۱۵۸ ^{abc}	۳۱/۷۹efg	۲۵/۹۱de	۲۴/۲۴ ^m	اکاپی	
۴/۵۴bcd	۳۹/۲۶ab	۳۲/۲۵a	۳۶/۴۲a	لیکورد	
۵/۵۳ ^{ab}	۲۷/۶۴gh	۲۰/۹۶g-j	۳۳/۸۸ ^{cd}	اپرا	
۳/۶۳ ^{ef}	۲۵/۰۲hi	۲۹/۵۳ ^{abc}	۳۱/۴۲ ^e	زرغام	
۵/۸۸ ^a	۲۷/۷۶gh	۲۰/۰۶g-j	۳۱/۴۱ ^e	SLM-046	
۴/۷ ^{bcd}	۴۲/۴۹a	۲۱/۰۶g-j	۲۵/۵۶ ^{kl}	طلایه	
۴/۴ ^{cde}	۳۱/۶۶efg	۲۰/۰۳g-j	۳۳/۲۳ ^d	مودنا	<i>Arthrobacter siccitolerans</i>
۴/۱۵ ^{def}	۳۱/۱۵ ^{efg}	۲۹/۵۵ ^{abc}	۲۶/۵۴ ^{hi}	کرج - ۱	
۴/۴۵ ^{cde}	۳۲/۳۵ ^{ef}	۲۲/۸۳ ^{fg}	۲۵/۳۵ ^{kl}	کرج - ۲	
۴/۲ ^{def}	۳۲/۴ ^{ef}	۲۶/۸۵ ^{cde}	۲۴/۱۵ ^m	کرج - ۳	
۴/۲ ^{def}	۲۸/۰۲ ^{efg}	۲۵/۷۴ ^{de}	۲۳/۳۵ ⁿ	اکاپی	
۴/۲ ^{def}	۳۷/۷۷ ^{bc}	۲۷/۶۵ ^{bcd}	۳۴/۵۲ ^{bc}	لیکورد	
۴/۷۲ ^{bcd}	۲۶/۳hi	۲۱/۲۲ ^{g-j}	۳۴/۱۷ ^c	اپرا	
۳/۳۶ ^f	۲۰/۳۷j	۲۷/۱۵ ^{b-e}	۳۰/۷ ^f	زرغام	
۵/۳۶ ^{ab}	۲۴/۴ ^{hij}	۱۹/۸۱ ^{hij}	۳۱/۰۴ ^{ef}	SLM-046	
۴/۳۸ ^{cde}	۳۳/۰۸ ^e	۱۹/۹g-j	۲۶/۱۷ ^{ij}	طلایه	
۴/۳۷۵ ^{cde}	۳۴/۹۵ ^{cde}	۱۹/۰۷ij	۳۴/۰۳ ^{bcd}	مودنا	<i>Piriformospora indica</i>
۴/۱۵ ^{def}	۳۱/۴۴ ^{efg}	۲۹/۹۳ ^{ab}	۲۵/۴ ^{kl}	کرج - ۱	
۴/۴۸ ^{cde}	۳۲/۷۸ ^e	۲۲/۵۳ ^{fgh}	۲۵/۸۸ ^{ijk}	کرج - ۲	
۴/۲ ^{def}	۳۱/۷۶ ^{efg}	۲۵/۹۹ ^{de}	۲۵/۰۶ ^l	کرج - ۳	
۴/۲۲ ^{def}	۲۸/۲ ^h	۲۴/۵۹ ^{ef}	۲۳/۸ ^{mn}	اکاپی	
۴/۰۵ ^{def}	۳۷/۳ ^{bcd}	۲۷/۵۲ ^{bcd}	۳۴/۲۲ ^c	لیکورد	
۴/۱۸ ^{def}	۲۶/۰۵ ^{hi}	۲۱/۶۵ ^{g-j}	۳۴/۴ ^{bc}	اپرا	
۳/۳۹ ^f	۲۰/۴۱j	۲۵/۱۳ ^{def}	۳۱/۱۲ ^{ef}	زرغام	
۵/۷۱ ^a	۲۲/۵۷ ^{ij}	۱۹/۷۶ ^{hij}	۳۰/۹۴ ^{ef}	SLM-046	
۴/۲۵ ^{def}	۳۱/۴۱ ^{efg}	۱۸/۶۹j	۲۵/۷۷ ^{jk}	طلایه	

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد هستند (LSD).

عملکردهای ۱۳۶۴ و ۱۳۷۷ کیلوگرم روغن دانه در هکتار ضمن قرارگیری در یک گروه آماری بیشترین عملکرد روغن را داشتند (جدول ۳). اهمیت برقراری ارتباط همزیستی قارچ *P. indica* با گیاهان مختلف در تحریک رشد گیاه گندم نسبت به حالت بدون همزیستی توسط زارع و همکاران گزارش شده است (۳۹). اعمال تنش آبی روی ژنوتیپ‌ها نشان داد که ژنوتیپ طلایه در شرایط آبیاری کامل با عملکرد ۳۳۲۳/۵ کیلوگرم در هکتار دارای بیشترین عملکرد دانه و ژنوتیپ SLM-046 با عملکرد ۲۰۴۲ کیلوگرم در هکتار، کمترین عملکرد دانه را داشت (جدول ۴). ژانگ و همکاران (۴۰) گزارش کردند که عملکرد دانه به‌وسیله کمبود آب از گل‌دهی تا پایان پر شدن دانه تحت تأثیر قرار می‌گیرد و در شرایط تنش خشکی، ژنوتیپ‌هایی از کلزا که قادر باشند مقدار آب بیشتری را حفظ کنند، دارای عملکرد دانه بیشتری خواهند بود. نتایج مقایسات میانگین ترکیب تیماری تنش و ژنوتیپ بر درصد روغن دانه نشان داد که ژنوتیپ اکاپی تحت شرایط بدون اعمال تنش خشکی دارای بیشترین درصد روغن دانه با مقدار ۴۸/۴ درصد بود (جدول ۴). به‌طور کلی عوامل ژنتیکی از پارامترهای اصلی تعیین‌کننده درصد روغن دانه کلزا بوده و تأثیر عوامل محیطی بر درصد روغن دانه کم است (۳۳). در کل، نتایج نشان داد که تنش خشکی ضمن افزایش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان باعث کاهش عملکرد دانه و عملکرد روغن دانه به‌ترتیب به میزان ۱۹/۵ و ۲۳ درصد شد (جدول ۶). در مقابل استفاده از باکتری *A. siccitolerans* ضمن تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان، به‌طور میانگین باعث افزایش عملکرد دانه و عملکرد روغن دانه به‌ترتیب به میزان ۱۰/۹۲ و ۱۲ درصد تحت شرایط تنش خشکی شد (جدول ۶). استفاده از قارچ *P. indica* نیز ضمن تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان، به‌طور میانگین باعث افزایش عملکرد دانه و عملکرد روغن دانه به‌ترتیب به میزان ۱۰/۶ و ۱۲/۹ درصد تحت شرایط تنش خشکی شد (جدول ۶). نتایج ضریب همبستگی بین صفات عملکرد دانه، روغن و درصد روغن دانه نشان داد که بین عملکرد دانه و روغن همبستگی بالایی بوده و همچنین بین عملکرد دانه و درصد

روغن دانه نیز همبستگی مثبت و معنی‌داری وجود داشت (جدول ۷). این نتایج با یافته‌های خانی و همکاران (۱۶) که بیان کردند، تنش خشکی در مراحل گلدهی و خورجین‌دهی عملکرد دانه و اجزای آن را در ژنوتیپ‌های مختلف کلزا به شدت کاهش داد، مطابقت داشت. تحت شرایط تنش خشکی، جذب آب و مواد غذایی از طریق ریشه به‌دلیل کاهش حجم آب خاک و همچنین کاهش توزیع عناصر غذایی در بافت خاک کاهش می‌یابد، اما استفاده از میکروارگانیسم‌های همزیست با گیاه، به‌دلیل سطح ویژه جذب بالا و همچنین گسترش هیف قارچ‌ها در خاک، ضمن بهبود وضعیت تغذیه‌ای گیاه با ایجاد چرخه مواد غذایی و قابل دسترس ساختن آنها باعث افزایش جذب آب و عناصر غذایی شده و از این طریق موجب افزایش رشد و عملکرد گیاه می‌شود.

فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدانی

بر اساس مقایسات میانگین ترکیبات تیماری تنش در میکروارگانیسم در ژنوتیپ، بیشترین فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز (SOD) مربوط به ژنوتیپ مودنا، اپرا و SLM-046 تحت شرایط تنش خشکی و بدون استفاده از میکروارگانیسم به‌ترتیب با میانگین ۲۳/۳، ۲۳/۶ و ۲۲/۹ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) بوده و کمترین فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز (SOD) نیز مربوط به ژنوتیپ طلایه تحت شرایط بدون تنش خشکی و استفاده از میکروارگانیسم *A. siccitolerans* با میانگین ۹/۹۵ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) بود (جدول ۶). در کل فعالیت این آنزیم در سلول‌ها در پاسخ به تنش‌های مختلف محیطی و تنش‌های غیرزیستی مانند خشکی افزایش می‌یابد (۲). افزایش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان در شرایط تنش خشکی در کلزا توسط توحیدی مقدم و همکاران (۳۵) و امید (۲۶) گزارش شده است. اثرات تنش روی فعالیت آنزیم کاتالاز در ۱۰ ژنوتیپ مورد استفاده نشان داد که بیشترین فعالیت این آنزیم مربوط به ژنوتیپ لیکورد با میانگین ۳۷/۴ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) تحت شرایط تنش بوده و کمترین فعالیت نیز مربوط به ژنوتیپ

جدول ۴. مقایسه میانگین ترکیبات تیماری شرایط رطوبتی و ژنوتیپ بر درصد ژنوتیپ بر درصد روغن، عملکرد دانه، روغن دانه، فعالیت آنزیمهای سوپراکسید دیسموتاز، آسکوربات پراکسیداز، کاتالاز پراکسیداز پروتئین، سید، پراکسیداز، دیسموتاز (واحد بر میلی گرم پروتئین) و نانومول بر گرم وزن تر)

مالوندی آلدئید (نانومول بر گرم وزن تر)	پروتئین (میلی گرم بر گرم وزن تر)	پراکسیداز کاتالاز پراکسیداز پروتئین	آسکوربات پراکسیداز پروتئین	عملکرد روغن		عملکرد دانه		شرایط رطوبتی	
				سید دیسموتاز (برهکتار)	(کیلوگرم برهکتار)	روغن دانه (درصد)	عملکرد دانه (کیلوگرم برهکتار)		
۴/۰۷gh	۲۷/۵۷g	۱۴/۹۶k	۳۴/۱۹b	۴۵/۴۹bc	۱۳/۰۳gh	۱۳۳۳bc	۴۵/۸۹b	۳۱۱۸ ^b	مودنا
۳/۹۳h	۳۰/۹۹de	۳۰/۳۹bc	۲۵/۹g	۳۸/۵۷b	۱۱/۸۵i	۱۱۲۰efg	۳۸/۸i	۲۸۹۰ ^c	کرج - ۱
۴/۱۹fgh	۳۱/۷de	۲۱/۵۴hi	۲۵/۵۰g	۴۲/۱gh	۱۲/۱۲i	۱۰۸۳fg	۳۸j	۲۸۵۶ ^c	کرج - ۲
۳/۸۷ijk	۳۲/۶۵d	۲۴/۳۲	۲۳/۹۹i	۴۲/۴fgh	۱۲/۴۹hi	۱۱۳۳ef	۴۰/۶۷g	۲۷۸۵ ^d	کرج - ۳
۳/۶۳kl	۲۷/۳g	۲۶/۹۵d	۲۲/۹۹j	۲۸/۵n	۱۰/۸۰j	۱۵۱۱a	۴۸/۴۴e	۳۱۱۳ ^b	اکامی
۴/۳fg	۳۸/۹۹b	۲۶/۵de	۳۲/۶۴c	۴۳/۲۸def	۱۲/۳۳ghi	۱۴۰۳c	۴۵/۶۷b	۳۰۴۷ ^b	لیکورد
۳/۴lm	۲۵/۹۸g	۲۱/۲۴i	۳۴/۳b	۴۲/۹۴efg	۱۳/۳۹fg	۱۱۰۵fg	۴۰/۶g	۲۷۲۲ ^c	اپرا
۳/۲۵m	۱۸/۱۳h	۲۲/۱fg	۳۰/۷۵e	۴۰/۷۰i	۱۴/۵e	۱۱۷۵de	۴۴/۸c	۲۶۲۳ ^f	زرغام
۳/۸۹jk	۲۰/۰۰h	۱۷/۶۰j	۳۱/۵d	۳۶/۳۹k	۱۷/۸۶d	۱۰۵۷g	۴۲/۶e	۲۴۷۶g	SLM-046
۴/۲۶fg	۲۷/۹fg	۱۷/۵j	۲۵/۸g	۳۳/۱i	۱۱/۲۹l	۱۴۸۳ab	۴۴/۷۵c	۳۳۲۳ ^a	طلایه
۴/۸۷d	۴۴/۲۵ ⁿ	۲۵/۶e	۳۳/۹fb	۴۶/۳۵b	۲۲/۰۶a	۱۱۲۰efg	۴۲/۸۰e	۲۶۱۵ ^f	مودنا
۴/۴۴ef	۳۲/۱۲d	۳۰/۳c	۲۷/۰۴f	۴۱/۸h	۱۲/۸۶ghi	۸۸۲hi	۳۷/۷۰h	۲۳۳۵ ^h	کرج - ۱
۴/۸۸d	۳۵/۱۲c	۲۳/۹f	۲۶/۸f	۳۳/۸۰de	۱۴/۰۴ef	۸۳۰i	۳۸/۳۰h	۲۱۶۳ ⁱ	کرج - ۲
۴/۷۰e	۳۲/۴۷d	۲۹/۲۷c	۲۵/۸g	۴۵/۰۸c	۱۴/۶۹e	۸۸۲hi	۴۱/۲fg	۲۱۳۹ ^j	کرج - ۳
۵/۴۰c	۳۱/۳۸de	۳۳/۸۷f	۲۴/۶h	۳۰/۶۷m	۱۳/۰۶gh	۱۱۲۱۰efg	۴۲/۶۷e	۲۶۲۶ ^f	اکامی
۴/۲۰fg	۳۷/۲۴b	۳۱/۸۶a	۳۷/۴۷a	۵۰/۴۰a	۱۸/۸۹c	۱۰۷۷fg	۴۱/۵۴f	۲۵۹۳ ^f	لیکورد
۶/۲۰b	۲۷/۳۵g	۲۱/۳۳hi	۳۳/۹۹b	۴۳/۹۹d	۲۰/۳۷b	۹۱۲h	۳۹/۹۰h	۲۲۸۳ ⁱ	اپرا
۳/۶۷kl	۲۵/۷۵g	۳۱/۴ab	۳۱/۴d	۴۱/۲۷hi	۱۹/۸b	۹۲۷h	۴۴/۲۸cd	۲۰۹۴ ^g	زرغام
۷/۵۰a	۲۹/۷ef	۲۲/۵gh	۳۰/۷۵f	۴۲/۴۰fgh	۲۱/۹۲a	۸۴۹i	۴۱/۵۶f	۲۰۴۲ ⁱ	SLM-046
۴/۶۴c	۴۳/۴a	۲۲/۲gh	۲۵/۸۴g	۳۳/۰۶i	۱۷/۸۸d	۱۱۹۷d	۴۳/۸۹d	۲۷۲۷ ^e	طلایه

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد می‌باشند (LSD).

جدول ۵. مقایسه میانگین ترکیبات تیماری شرایط رطوبتی و میکروارگانیسم‌ها بر فعالیت آنزیم‌های سوپراکسید دیسموتاز، آسکوربات پراکسیداز، پرولین و مالون دی آلدئید ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تحت شرایط تنش و بدون تنش و استفاده از میکروارگانیسم‌ها طی دو سال زراعی

شرایط رطوبتی	میکروارگانیسم‌ها	سوپراکسید دیسموتاز (واحد بر میلی‌گرم پروتئین)	آسکوربات پراکسیداز (میلی‌گرم بر گرم وزن تر)	پرولین (نانومول بر گرم وزن تر)	مالون دی آلدئید (نانومول بر گرم وزن تر)
بدون تنش	بدون تلقیح	۱۳/۷۷ ^c	۴۰/۱۲ ^{bc}	۳۱/۵ ^b	۴/۰۵ ^c
	<i>Arthrobacter siccitolerans</i> <i>Piriformospora indica</i>	۱۲/۱۹ ^d	۳۸/۲۸ ^c	۲۶/۱ ^c	۳/۸ ^c
تنش	بدون تلقیح	۱۸/۷۶ ^a	۴۲/۹۴ ^a	۳۵/۶۴ ^a	۵/۴۴ ^a
	<i>Arthrobacter siccitolerans</i>	۱۶/۷۵ ^b	۴۱/۳ ^{ab}	۳۳/۴ ^{ab}	۴/۹ ^b
	<i>Piriformospora indica</i>	۱۷/۱۷ ^b	۴۱/۴۹ ^{ab}	۳۲/۶ ^b	۴/۸ ^b

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد هستند (LSD).

جدول ۶. مقایسه میانگین ترکیبات تیماری شرایط رطوبتی، ژنوتیپ و میکروارگانیسم بر عملکرد دانه، سوپراکسید دیسموتاز، پرولین و مالون دی آلدئید ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تحت شرایط تنش و بدون تنش و میکروارگانیسم‌ها طی دو سال زراعی

شرایط رطوبتی	میکروارگانیسم‌ها	ژنوتیپ	عملکرد دانه (کیلوگرم بر هکتار)	سوپراکسید دیسموتاز (واحد بر میلی‌گرم پروتئین)	پرولین (میلی‌گرم بر گرم وزن تر)	مالون دی آلدئید (نانو مول بر گرم وزن تر)
بدون تنش	بدون تلقیح	مودنا	۲۹۹۵ ^d	۱۳/۹۵ ^{lmn}	۳۴/۵ ^h	۴/۳۰ ^{e-h}
		کرج-۱	۲۷۶۲ ^{ej}	۱۱/۲۵ ^{vwx}	۳۱/۸۸ ^{klm}	۳/۹۰ ^{l-o}
		کرج-۲	۲۷۱۷ ^{g-l}	۱۲/۲۸ ^{r-v}	۳۴/۰ ^{hi}	۴/۲۵ ^{fgh}
		کرج-۳	۲۶۳۷ ^{klm}	۱۲/۹۳ ^{o-s}	۳۳/۱۸ ^j	۴/۰۰ ^{i-m}
		اکاپی	۲۸۵۰ ^{ef}	۱۰/۹۰ ^{wx}	۲۹/۳۷ ^o	۴/۰۰ ^{i-m}
		لیکورد	۲۸۳۵ ^{ef}	۱۳/۹۵ ^{lmn}	۳۹/۱۵ ^e	۴/۴۸ ^{d-g}
		اپرا	۲۵۷۶ ^{mno}	۱۵/۳۷ ^j	۲۸/۰۰ ^p	۳/۹۰ ^{l-o}
	<i>Arthrobacter siccitolerans</i>	زرفام	۲۴۹۵ ^{no}	۱۵/۵۸ ^j	۲۲/۵۳ ^{tuv}	۳/۳۷ ^{o-s}
		SLM-046	۲۳۳۷ ^{qrs}	۱۸/۹۳ ^{de}	۲۳/۷۰ ^{rs}	۳/۸۳ ^{l-o}
		طلایه	۳۱۸۷ ^b	۱۲/۵۷ ^{p-u}	۳۸/۸۸ ^f	۴/۵۲ ^{d-g}
		مودنا	۳۲۰۴ ^b	۱۲/۱۲ ^{s-w}	۲۱/۳۸ ^u	۴/۰۰ ^{i-m}
		کرج-۱	۳۰۷۲ ^{cd}	۱۰/۹۸ ^{wx}	۳۰/۲۵ ^{no}	۳/۹۵ ^{j-n}
		کرج-۲	۲۹۷۹ ^d	۱۲/۰۲ ^w	۳۰/۲۵ ^{no}	۴/۱۷ ^{g-j}
		کرج-۳	۲۸۵۴ ^{ef}	۱۱/۷۸ ^{vwx}	۳۲/۲۷ ^{jkl}	۳/۸۵ ^{l-o}

ادامه جدول ۶.

مالون دی آلدئید (نانومول بر گرم وزن تر)	پرولین (میلی گرم بر گرم وزن تر)	سوپراکسید دیسموتاز (واحد بر میلی گرم پروتئین)	عملکرد دانه (کیلوگرم بر هکتار)	ژنوتیپ	میکروارگانیزم‌ها	
۳/۹۲ ^{j-n}	۲۶/۸۲ ^p	۱۳/۰۳ ^{o-r}	۳۱۵۴ ^{bc}	مودنا	<i>Piriformospora indica</i>	بدون تنش
۳/۹۳ ^{j-n}	۳۰/۸۵ ^{mn}	۱۱/۲۲ ^{vwx}	۲۸۳۶ ^{ef}	کرج-۱		
۴/۱۵ ^{g-k}	۳۰/۸۸ ^{mn}	۱۲/۰۷ ^{t-w}	۲۸۷۳ ^e	کرج-۲		
۳/۷۸ ^{mn}	۳۲/۵۰ ^{jk}	۱۲/۷۵ ^{p-s}	۲۸۶۴ ^e	کرج-۳		
۳/۵۱ ^{n-r}	۲۶/۹۵ ^p	۱۰/۹۲ ^{wx}	۳۱۵۰ ^{bc}	اکاپی		
۴/۱۳ ^{g-k}	۳۸/۷۳ ^f	۱۲/۶۳ ^{p-t}	۳۱۶۵ ^{bc}	لیکورد		
۳/۱۰ ^s	۲۴/۴۰ ^{qr}	۱۲/۷۰ ^{p-s}	۲۷۹۸ ^{e-h}	اپرا		
۳/۳۳ ^{p-s}	۱۶/۶۰ ^w	۱۴/۱۷ ^{lm}	۲۶۷۸ ^{j-m}	زرفام		
۳/۸۵ ^{l-o}	۱۷/۸۸ ^v	۱۷/۱۷ ^{hi}	۲۴۷۲ ^{op}	SLM-046		
۴/۰۸ ^{h-l}	۲۲/۲۲ ^{tu}	۱۱/۳۷ ^{vwx}	۳۳۶۱ ^a	طلایه		
۴/۹۸ ^{cde}	۴۷/۷۳ ^a	۲۳/۳۷ ^a	۲۳۶۷ ^{pqr}	مودنا	<i>Arthrobacter siccitolerans</i>	تنش
۴/۵۸ ^{d-g}	۳۲/۲۸ ^{ijkl}	۱۳/۲۲ ^{n-q}	۲۱۴۵ ^{uvw}	کرج-۱		
۵/۰۸ ^{cd}	۳۶/۲۲ ^q	۱۴/۱۸ ^{lm}	۲۰۳۶ ^{xy}	کرج-۲		
۴/۹۷ ^{cde}	۳۳/۸۷ ^{hi}	۱۴/۵۷ ^{kl}	۱۹۶۷ ^z	کرج-۳		
۶/۳۲ ^c	۳۴/۲۲ ^{ij}	۱۳/۳۷ ^{m-p}	۲۳۷۶ ^{pq}	اکاپی		
۴/۶۰ ^{d-g}	۳۹/۳۸ ^e	۲۱/۰۰ ^b	۲۴۷۱ ^{op}	لیکورد		
۷/۱۷ ^b	۲۷/۲۸ ^p	۲۳/۶۷ ^a	۲۱۹۵ ^{t-w}	اپرا		
۳/۹۰ ^{k-n}	۲۷/۵۰ ^p	۲۱/۶۷ ^b	۱۹۸۵ ^z	زرفام		
۷/۹۰ ^a	۳۱/۸۳ ^{klm}	۲۲/۹۲ ^a	۱۹۱۰ ^z	SLM-046		
۴/۸۸ ^{c-f}	۴۶/۱۰ ^b	۲۰/۰۲ ^c	۲۵۸۲ ^{mn}	طلایه		
۴/۸۰ ^{c-f}	۴۱/۹۳ ^d	۲۱/۱۵ ^b	۲۸۱۳ ^{efg}	مودنا	<i>Piriformospora indica</i>	بدون تنش
۴/۳۷ ^{efg}	۳۲/۰۵ ^{j-m}	۱۲/۴۳ ^{q-w}	۲۴۷۲ ^{op}	کرج-۱		
۴/۷۵ ^{c-f}	۳۴/۴۷ ⁱ	۱۳/۷۷ ^{l-o}	۲۲۲۷ ^{tuv}	کرج-۲		
۴/۵۷ ^{d-g}	۳۲/۵۵ ^{jk}	۱۴/۳۷ ^{kl}	۲۲۱۲ ^{t-w}	کرج-۳		
۵/۰۵ ^{cd}	۳۰/۴۷ ^{no}	۱۲/۸۸ ^{p-s}	۲۷۶۰ ^{e-j}	اکاپی		
۴/۰۸ ^{h-l}	۳۶/۴۷ ^g	۱۷/۶۷ ^{gh}	۲۶۸۵ ^m	لیکورد		
۴/۱۸ ^c	۲۷/۰۷ ^p	۱۸/۲۰ ^{efg}	۲۲۷۲ st	اپرا		
۳/۵۵ ^{n-q}	۲۵/۵۰ ^q	۱۸/۸۰ ^{ef}	۲۱۲۳ ^{vwx}	زرفام		
۷/۰۵ ^b	۳۰/۰۸ ^{no}	۲۱/۵۸ ^b	۲۱۱۱ ^{wx}	SLM-046		
۴/۵۸ ^{d-g}	۴۳/۵۳ ^c	۱۶/۶۳ ⁱ	۲۷۷۷ ^{e-j}	طلایه		
۴/۸۳ ^{c-f}	۴۳/۱۰ ^c	۲۱/۶۷ ^b	۲۶۶۷ ^{j-m}	مودنا	<i>Piriformospora indica</i>	بدون تنش
۴/۳۶ ^{efg}	۳۲/۰۳ ^{j-m}	۱۲/۹۲ ^{o-t}	۲۳۸۹ ^{pq}	کرج-۱		
۴/۸۱ ^{c-f}	۳۴/۶۸ ^h	۱۴/۱۸ ^{lm}	۲۲۲۵ ^{tuv}	کرج-۲		
۴/۶۱ ^{d-g}	۳۱/۰۲ ^{lmn}	۱۵/۱۵ ^{jk}	۲۲۳۹ ^{stu}	کرج-۳		
۴/۹۳ ^{cde}	۲۹/۴۶ ^o	۱۲/۹۵ ^{o-s}	۲۷۴۱ ^{f-k}	اکاپی		
۳/۹۸ ⁱ⁻ⁿ	۳۵/۸۷ ^h	۱۸/۰۴ ^{fg}	۲۶۲۳ ^{lm}	لیکورد		
۵/۲۷ ^c	۲۷/۷۰ ^p	۱۹/۶۷ ^{cd}	۲۳۸۲ ^{pq}	اپرا		
۳/۵۸ ^{n-q}	۲۴/۲۳ ^r	۱۸/۹۵ ^{de}	۲۱۷۳ ^{t-w}	زرفام		
۷/۵۸ ^{ab}	۲۷/۲۵ ^p	۲۱/۲۷ ^b	۲۱۰۵ ^{wx}	SLM-046		
۴/۴۲ ^{e-h}	۴۰/۶۲ ^d	۱۷/۰۰ ^{hi}	۲۸۲۳ ^{efg}	طلایه		

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد است. (LSD).

ادامه جدول ۶. مقایسه میانگین ترکیبات تیماری شرایط رطوبتی، میکروارگانیسم و ژنوتیپ بر درصد روغن دانه، عملکرد روغن، آسکوربات پراکسیداز، کاتالاز و پراکسیداز ژنوتیپ‌های مختلف کلزا تحت شرایط تنش و بدون تنش و میکروارگانیسم‌ها طی دو سال زراعی

پراکسیداز	کاتالاز	آسکوربات پراکسیداز	عملکرد روغن دانه	روغن دانه	ژنوتیپ	میکروارگانیسم‌ها	شرایط رطوبتی
	(واحد بر میلی‌گرم پروتئین)		(کیلوگرم برهکتار)	(درصد)			
۱۶/۲۷ ^q	۳۴/۵۶ ^{cd}	۴۵/۹۶ ^{bcd}	۱۳۷۷ ^{fg}	۴۶/۰۰ ^b	مودنا		
۳۰/۸۸ ^{bcd}	۲۶/۷۰ ^{lm}	۳۹/۴۵ ^{l-n}	۱۰۸۶ ^{n-q}	۳۹/۱۶ ^{p-s}	کرج-۱		
۲۱/۶۵ ^{no}	۲۶/۲۶ ^{l-o}	۴۳/۶۰ ^{e-h}	۱۰۱۴ ^{qrs}	۳۷/۳۳ ^{vw}	کرج-۲		
۲۵/۰۸ ^{ijk}	۲۴/۴۵ ^{stu}	۴۳/۰۶ ^{f-i}	۱۰۷۶ ^{opq}	۴۰/۸۳ ^{m-p}	کرج-۳		
۲۷/۸۵ ^{gh}	۲۳/۴۳ ^{vw}	۲۹/۲۸ ^{vw}	۱۳۶۶ ^{fg}	۴۷/۶۶ ^{ab}	اکایی	بدون تلقیح	
۳۰/۶۳ ^{bcd}	۳۳/۵۵ ^{ef}	۴۵/۲۶ ^{c-f}	۱۳۰۴ ^{fg}	۴۶/۰۰ ^b	لیکورد		
۲۰/۶۸ ^o	۳۴/۴۰ ^{de}	۴۲/۹۰ ^{f-i}	۱۰۴۷ ^{pqr}	۴۰/۶۶ ^{m-p}	اپرا		
۲۵/۱۱ ^{ijk}	۳۱/۱۳ ^{ijk}	۴۱/۲۳ ^{i-m}	۱۱۰۶ ^{nop}	۴۴/۳۳ ^{efg}	زرفام		
۱۷/۲۶ ^{pq}	۳۱/۵۳ ^{h-k}	۳۷/۴۸ ^{no}	۹۹۳ ^{r-u}	۴۲/۵۰ ^{g-i}	SLM-046		
۱۸/۱۷ ^p	۲۵/۴۱ ^{o-t}	۳۲/۹۶ ^s	۱۴۰۸ ^{ef}	۴۴/۵۸ ^{c-g}	طلایه		
۱۴/۵۶ ^r	۳۳/۶۵ ^{ef}	۴۵/۰۱ ^{c-g}	۱۴۷۸ ^{cde}	۴۵/۸۳ ^{bc}	مودنا		
۳۰/۵۵ ^{bcd}	۲۶/۳۶ ^{l-o}	۳۸/۱۵ ^{mno}	۱۱۶۲ ^{hij}	۳۸/۳۳ ^{s-w}	کرج-۱		
۲۱/۹۱ ^{no}	۲۴/۸۱ ^{g-t}	۴۰/۵۱ ^{j-n}	۱۱۲۱ ^{k-o}	۳۷/۸۳ ^{t-w}	کرج-۲		
۲۴/۰۰ ^{kl}	۲۴/۰۱ ^{vw}	۴۱/۸۰ ^{ij}	۱۱۴۲ ^{jkl}	۴۰/۰۰ ^{nop}	کرج-۳		
۲۷/۳۵ ^h	۲۲/۹۶ ^{vw}	۲۷/۵۶ ^x	۱۶۲۰ ^a	۴۸/۵۰ ^a	اکایی	<i>Arthrobacter</i>	
۲۴/۳۶ ^{i-l}	۳۲/۵۰ ^{fg}	۴۲/۰۱ ^{hij}	۱۴۶۰ ^{c-f}	۴۵/۳۳ ^{b-e}	لیکورد	<i>siccitolerans</i>	
۲۱/۵۱ ^{no}	۳۴/۱۸ ^{de}	۴۲/۹۱ ^{f-i}	۱۱۲۶ ^{klm}	۴۰/۳۳ ^{nop}	اپرا		بدون تنش
۲۲/۹۱ ^{lmn}	۳۰/۴۶ ^{kl}	۳۹/۸۵ ^{k-n}	۱۲۰۸ ^{ghi}	۴۴/۸۳ ^{b-f}	زرفام		
۱۷/۸۰ ^p	۳۱/۵۶ ^{h-k}	۳۵/۳۵ ^{qr}	۱۱۱۷ ^{l-o}	۴۲/۶۶ ^{bc}	SLM-046		
۱۷/۶۵ ^{pq}	۲۵/۹۷ ^{l-p}	۲۹/۶۵ ^{uvw}	۱۵۳۴ ^{bc}	۴۴/۸۳ ^{b-f}	طلایه		
۱۴/۰۵ ^r	۳۴/۳۶ ^{de}	۴۵/۵۰ ^{b-e}	۱۴۴۵ ^{def}	۴۵/۸۳ ^{bc}	مودنا		
۲۹/۷۵ ^{def}	۲۴/۶۸ ^{t-u}	۳۸/۱۱ ^{mno}	۱۱۱۳ ^{mno}	۳۹/۰۰ ^{q-t}	کرج-۱		
۲۱/۰۵ ^o	۲۵/۵۵ ^{m-t}	۴۲/۲۰ ^{g-j}	۱۱۱۵ ^{l-o}	۳۸/۸۳ ^{q-u}	کرج-۲		
۲۳/۵۸ ^{klm}	۲۴/۵۰ ^{rst}	۴۲/۳۵ ^{g-j}	۱۱۷۷ ^{ijk}	۴۱/۱۶ ^{l-o}	کرج-۳		
۲۵/۶۶ ⁱ	۲۲/۵۶ ^w	۲۸/۷۱ ^w	۱۵۴۹ ^{ab}	۴۹/۱۶ ^a	اکایی	<i>Piriformospora</i>	
۲۴/۵۸ ^{ijk}	۳۱/۸۶ ^{ghi}	۴۲/۵۶ ^{g-j}	۱۴۴۶ ^{def}	۴۵/۶۶ ^{bcd}	لیکورد	<i>ra indica</i>	
۲۱/۵۱ ^{no}	۳۴/۳۰ ^{de}	۴۳/۰۱ ^{f-i}	۱۱۴۳ ^{jkl}	۴۰/۸۳ ^{m-p}	اپرا		
۲۱/۲۶ ^o	۳۰/۶۵ ^{i-l}	۴۱/۰۱ ^{i-m}	۱۲۱۲ ^{ghi}	۴۵/۲۵ ^{b-f}	زرفام		
۱۷/۸۰ ^p	۳۱/۴۵ ^{ijk}	۳۶/۳۵ ^{pq}	۱۰۶۲ ^{o-r}	۴۲/۶۶ ^{gkl}	SLM-046		
۱۶/۷۵ ^{pq}	۲۶/۱۰ ^{l-p}	۳۶/۷۸ ^o	۱۵۰۷ ^{cd}	۴۴/۸۳ ^{b-f}	طلایه		
۲۷/۲۶ ^h	۳۵/۳۷ ^c	۴۶/۴۸ ^{bc}	۱۰۰۲ ^{q-t}	۴۲/۳۳ ^{g-n}	مودنا		
۳۱/۹۳ ^b	۲۸/۲۸ ^{klm}	۴۲/۴۵ ^{g-j}	۷۹۷ ^{wxy}	۳۷/۱۶ ^w	کرج-۱	بدون تلقیح	تنش
۲۴/۰۳ ^{ikl}	۲۸/۰۷ ^{klm}	۴۵/۱۱ ^{c-g}	۷۶۳/۳۳ ^y	۳۷/۵۰ ^{ab}	کرج-۲		

ادامه جدول ۶

پراکسیداز	کاتالاز	آسکوربات پراکسیداز	عملکرد روغن دانه	روغن دانه (درصد)	ژنوتیپ	میکروارگانسیم‌ها	شرایط رطوبتی
(واحد بر میلی گرم پروتئین)			(کیلوگرم بر هکتار)				
۲۹/۶۸ ^{def}	۲۶/۵۸ ^{lmn}	۴۶/۴۶ ^{bc}	۷۹۷ ^{wxy}	۴۰/۵۰ ^{m-p}	کرج-۳		
۲۳/۹۸ ^{jkl}	۲۵/۰۶ ^{p-t}	۳۱/۳۰ ^{tu}	۱۰۱۱ ^{qrs}	۴۲/۵۰ ^{g-m}	اکاپی		
۳۳/۸۸ ^a	۳۹/۳۰ ^a	۵۰/۹۰ ^a	۱۰۲۱ ^{p-s}	۴۱/۳۰ ^{l-o}	لیکورد		
۲۱/۲۵ ^o	۳۳/۳۷ ^{ef}	۴۴/۱۶ ^{d-h}	۸۷۳ ^{t-w}	۳۹/۷۵ ^{opq}	اپرا		
۳۳/۹۵ ^a	۳۱/۷۱ ^{g-k}	۴۲/۲۵ ^{g-j}	۸۷۳ ^{t-w}	۴۴/۰۰ ^{f-i}	زرفام		
۲۳/۹۶ ^{kl}	۳۱/۳۰ ^{i-l}	۴۵/۳۳ ^{b-f}	۷۸۹ ^{wx}	۴۱/۳۳ ^{l-o}	SLM-046		
۲۳/۹۶ ^{kl}	۲۵/۷۱ ^{l-r}	۳۴/۹۷ ^r	۱۱۲۳ ^{k-n}	۴۳/۵۰ ^{ghi}	طلایه		
۲۵/۵۰ ^{ij}	۳۲/۸۱ ^f	۴۶/۴۶ ^{bc}	۱۲۰۵ ^{hi}	۴۲/۸۳ ^{ijk}	مودنا		
۲۸/۵۵ ^{fgh}	۲۶/۷۱ ^{lm}	۴۱/۲۶ ^{i-l}	۹۳۲ ^{stu}	۳۷/۶۶ ^{u-w}	کرج-۱		
۲۳/۷۵ ^{kl}	۲۵/۸۸ ^{l-q}	۴۲/۵۸ ^{g-j}	۸۵۸ ^{vwx}	۳۸/۵۰ ^{f-v}	کرج-۲		
۲۹/۷۱ ^{def}	۲۵/۳۰ ^{o-t}	۴۴/۰۶ ^{d-h}	۹۰۹ ^{s-v}	۴۱/۱۶ ^{l-o}	کرج-۳		
۲۴/۱۳ ^{jkl}	۲۳/۷۳ ^{uv}	۲۹/۹۸ ^{uv}	۱۱۷۳ ^{hij}	۴۲/۵۰ ^{g-m}	اکاپی	<i>Arthrobacter siccitolerans</i>	تنش
۳۰/۹۳ ^{bcd}	۳۶/۵۵ ^b	۵۰/۰۶ ^a	۱۱۱۴ ^{mno}	۴۱/۵۰ ^{lmn}	لیکورد		
۲۰/۹۳ ^o	۳۴/۱۰ ^{def}	۴۴/۵۶ ^{d-g}	۹۰۱ ^{tuv}	۳۹/۶۶ ^{o-r}	اپرا		
۳۱/۳۸ ^{bc}	۳۰/۹۳ ^{ijk}	۴۱/۳۵ ^{i-l}	۹۴۵ ^{stu}	۴۴/۵۰ ^{d-g}	زرفام		
۲۱/۸۳ ^{no}	۳۰/۵۱ ^{kl}	۴۰/۳۸ ^{l-n}	۸۷۶ ^{t-w}	۴۱/۵۰ ^{lmn}	SLM-046		
۲۲/۱۸ ^{mno}	۲۶/۳۷ ^{l-p}	۳۲/۲۷ st	۱۲۲۲ ^{gh}	۴۴/۰۰ ^{f-i}	طلایه		
۲۴/۱۰ ^{jkl}	۳۳/۷۰ ^{ef}	۴۶/۱۱ ^{bcd}	۱۱۵۵ ^{ijk}	۴۳/۳۳ ^{ghi}	مودنا		
۳۰/۱۱ ^{cde}	۲۶/۱۳ ^{l-p}	۴۱/۷۸ ^{ijk}	۹۱۶ ^{s-v}	۳۸/۳۳ ^{s-w}	کرج-۱		
۲۴/۰۰ ^{ijkl}	۲۶/۲۱ ^{l-o}	۴۳/۷۶ ^{e-h}	۸۶۸ ^{vwx}	۳۹/۰۰ ^{q-t}	کرج-۲		
۲۸/۴۰ ^{fgh}	۲۵/۶۱ ^{l-s}	۴۴/۷۱ ^{d-g}	۹۴۰ ^{stu}	۴۲/۰۰ ^{k-n}	کرج-۳		
۲۳/۵۱ ^{klm}	۲۵/۰۵ ^{l-t}	۳۰/۷۳ ^{uv}	۱۱۷۹ ^{hij}	۴۳/۰۰ ^{h-k}	اکاپی	<i>Piriformospora indica</i>	
۳۰/۴۶ ^{b-e}	۳۶/۵۸ ^b	۵۰/۳۳ ^a	۱۰۷۹ ^{nop}	۴۱/۸۳ ^{lmn}	لیکورد		
۲۱/۸۰ ^{no}	۳۴/۵۱ ^{cd}	۴۳/۲۵ ^{e-i}	۹۶۳ st	۴۰/۳۳ ^{nop}	اپرا		
۲۹/۰۰ ^{efg}	۳۱/۶۰ ^{h-k}	۴۰/۸۰ ^{j-m}	۹۶۳ st	۴۴/۳۳ ^{efg}	زرفام		
۲۱/۷۳ ^{no}	۳۰/۴۳ ^{ijkl}	۴۱/۴۸ ^{i-l}	۸۸۱ ^{t-w}	۴۱/۸۳ ^{lmn}	SLM-046		
۲۰/۶۳ ^o	۴۵/۲۵ ^{n-t}	۳۱/۹۵ st	۱۲۴۶ ^{gh}	۴۴/۱۷ ^{e-h}	طلایه		

میانگین‌های دارای حرف مشترک در یک ستون فاقد اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال پنج درصد هستند (LSD).

بر میلی گرم پروتئین) بود (جدول ۴). فعالیت این آنزیم نیز همانند فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز (SOD) در سلول‌ها در پاسخ به تنش‌های غیرزیستی، مانند خشکی افزایش می‌یابد. پراکسیدازها خانواده‌ای از آنزیم‌ها هستند که برای بسیاری از آنزیم‌ها، سوبسترای پراکسید هیدروژن (H₂O₂) خواهند بود. نتایج

اکاپی با میانگین ۲۲/۹ (واحد بر میلی گرم پروتئین) تحت شرایط آبیاری معمول بود. بیشترین فعالیت آنزیم پراکسیداز نیز مربوط به ژنوتیپ لیکورد تحت شرایط تنش آبیاری با میانگین ۳۱/۷ (واحد بر میلی گرم پروتئین) بوده و کمترین فعالیت این آنزیم مربوط به ژنوتیپ مودنا تحت شرایط آبیاری معمول با میانگین ۱۴/۹ (واحد

جدول ۷. ضرایب همبستگی بین صفات اندازه‌گیری شده طی دو سال آزمایش

مالون دی آلدهید	پرولین	پراکسیداز	کاتالاز	آسکوربات پراکسیداز	سوپراکسید دیسموتاز	عملکرد روغن	درصد روغن دانه	عملکرد دانه	ردیف
								۱	عملکرد دانه
							۱	۰/۴۱**	درصد روغن دانه
						۱	۰/۷۲**	۰/۸۸**	عملکرد روغن
					۱	-۰/۱۸**	۰/۰۸ ^{NS}	-۰/۲۸**	سوپراکسید دیسموتاز
				۱	۰/۵**	-۰/۳۷**	-۰/۲۴**	-۰/۳۶**	آسکوربات پراکسیداز
			۱	۰/۷۲**	۰/۶۲**	-۰/۰۳ ^{NS}	۰/۰۹ ^{NS}	-۰/۱ ^{NS}	کاتالاز
		۱	۰/۱ ^{NS}	۰/۰۳ ^{NS}	-۰/۱۴*	-۰/۰۸ ^{NS}	۰/۱ ^{NS}	-۰/۱ ^{NS}	پراکسیداز
	۱	۰/۰۷ ^{NS}	-۰/۰۶ ^{NS}	۰/۰۱ ^{NS}	۰/۰۳ ^{NS}	۰/۳۷**	۰/۱۱*	۰/۴۸**	پرولین
۱	۰/۰۴ ^{NS}	۰/۴**	-۰/۰۲ ^{NS}	۰/۰۲ ^{NS}	۰/۲**	-۰/۰۹ ^{NS}	-۰/۱۴*	-۰/۰۷ ^{NS}	مالون دی آلدهید

** و * به ترتیب معنی‌دار در سطح احتمال یک و پنج درصد

کاربرد قارچ *p. indica* و باکتری *A. siccitolerans* تحت شرایط بدون تنش به ترتیب باعث کاهش ۱/۹ و ۲/۱ درصدی میانگین فعالیت آنزیم کاتالاز ژنوتیپ‌های مختلف کلزا شد. تحت شرایط تنش خشکی نیز کاربرد قارچ *p. indica* و باکتری *A. siccitolerans* به ترتیب باعث کاهش ۳/۰۲ و ۳/۷۹ درصدی فعالیت آنزیم کاتالاز شد (جدول ۶) که نشان‌دهنده تأثیر میکروآگانیسم‌های محرک رشد گیاه تحت هر دو شرایط تنش و بدون تنش در تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان بود. البته فعالیت این آنزیم بسته به حساسیت ژنوتیپ‌های مختلف به تنش خشکی و همچنین پتانسیل ژنتیکی گونه‌های مختلف متفاوت است (۲۰). همچنین نتایج مقایسات نتایج میانگین ترکیب تیماری کاربرد قارچ *P. indica* و باکتری *A. siccitolerans* تحت شرایط بدون تنش و تنش نشان داد که کمترین فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX) مربوط به ترکیب تیماری شرایط آبیاری معمول و کاربرد باکتری *A. siccitolerans* با میانگین ۳۸/۲۸ و بیشترین فعالیت این آنزیم مربوط به ترکیب تیماری شرایط تنش رطوبتی بدون تلقیح با میانگین ۴۲/۹ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) بود (جدول ۵). افزایش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان در شرایط تنش خشکی به‌عنوان یک مکانیسم دفاعی برای کاهش اثرات مخرب رادیکال‌های آزاد بوده و از این طریق باعث حذف و یا

دیگری نیز تأثیر معنی‌دار تنش خشکی بر میزان فعالیت آنزیم‌ها در گیاه کلزا را گزارش کردند (۱۹). نتایج مقایسات میانگین اثرات متقابل ژنوتیپ و میکروآگانیسم بر میزان فعالیت آسکوربات پراکسیداز نشان داد که ژنوتیپ لیکورد تحت شرایط بدون استفاده از میکروآگانیسم (شاهد) با میانگین ۴۸/۸ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) بیشترین میانگین فعالیت آنزیم آسکوربات پراکسیداز (APX) و کمترین میانگین فعالیت این آنزیم مربوط به ژنوتیپ اکاپی تحت شرایط تلقیح با باکتری *A. siccitolerans* با میانگین ۲۸/۷ (واحد بر میلی‌گرم پروتئین) بود (جدول ۳). این آنزیم نیز نقش کلیدی در پاکسازی گونه‌های فعال اکسیژن و حفاظت از سلول‌ها در مقابل اثرهای مخرب آن در جلبک و گیاهان عالی دارند (۲۱). نتایج این تحقیق با یافته‌های عمر و همکاران (۲۵) که کاهش فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز گیاهچه‌های جو تلقیح شده با باکتری‌های محرک رشد را گزارش کردند، مطابقت داشت. کاربرد قارچ *p. indica* و باکتری *A. siccitolerans* تحت شرایط بدون تنش به ترتیب باعث کاهش ۶/۶۸ و ۱۱/۴ درصدی فعالیت آنزیم سوپراکسید دیسموتاز (SOD) شد. تحت شرایط تنش خشکی نیز کاربرد قارچ *p. indica* و باکتری *A. siccitolerans* به ترتیب باعث کاهش ۸/۴۷ و ۱۰/۷ درصدی فعالیت این آنزیم شد (جدول ۵). همچنین

احتمال یک درصد بود (جدول ۲). مقایسات میانگین ترکیب تیماری شرایط رطوبتی و ژنوتیپ نیز نشان داد که ژنوتیپ مودنا و طلایه تحت شرایط اعمال تنش آبی دارای بیشترین مقدار پرولین به ترتیب با میانگین ۴۴/۲ و ۴۳/۴ (میلی گرم بر گرم وزن تر) بوده و کمترین مقدار مربوط به ارقام زرفام و SLM-046 به ترتیب با میانگین ۱۸/۱ و ۲۰ (میلی گرم بر گرم وزن تر) بود (جدول ۴). با توجه به اینکه تحت شرایط تنش خشکی بیشترین مقدار پرولین و عملکرد دانه و روغن دانه در ژنوتیپ‌های مودنا و طلایه مشاهده شد، بالا بودن مقدار پرولین این دو ژنوتیپ تحت شرایط تنش خشکی می‌تواند نشان‌دهنده مقاومت این دو ژنوتیپ نسبت به تنش خشکی باشد. لطفی و همکاران (۱۹) نیز بیان کردند که مقدار پرولین در بوته‌های کلزا تحت شرایط تنش خشکی در مقایسه با شرایط نرمال و بین ژنوتیپ‌های مورد بررسی تفاوت معنی‌داری مشاهده شد. نتایج مقایسات میانگین ترکیب تیماری ژنوتیپ و میکروارگانیزم این تحقیق نشان داد که بیشترین مقدار پرولین با میانگین ۴۲/۴۹ (میلی گرم بر گرم وزن تر) مربوط به ژنوتیپ طلایه تحت شرایط بدون استفاده از میکروارگانیزم و کمترین مقدار مربوط به ژنوتیپ زرفام تحت هر دو شرایط تلقیح با قارچ *P. indica* و باکتری *A. siccitolerans* به ترتیب با میانگین ۲۰/۴۱ و ۲۰/۳۷ (میلی گرم بر گرم وزن تر) بود (جدول ۳). معمولاً گیاهان دارای همزیستی با مایکوریزا با استفاده از روابط آبی و تغذیه بهتر نسبت به گیاهان بدون همزیستی با مایکوریزا در شرایط تنش خشکی، کمتر دچار آسیب می‌شوند و در نتیجه با تغییر در میزان پرولین، گیاه را از صدمات تنش خشکی محافظت می‌کنند (۳۳).

مالون دی آلدئید

نتایج نشان داد اثر ساده میکروارگانیزم و ژنوتیپ بر میزان مالون دی آلدئید (MDA) در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار شد. همچنین اثر متقابل ترکیب تیماری تنش در ژنوتیپ، میکروارگانیزم در ژنوتیپ و تنش در میکروارگانیزم در ژنوتیپ نیز در سطح احتمال یک درصد

کم کردن اثرات تنش می‌شود، اما به نظر می‌رسد استفاده از باکتری *A. siccitolerans* از طریق ترشح هورمون و فاکتورهای تحریک‌کننده رشد، با افزایش سطح و گسترش ریشه گیاه، باعث بهبود جذب آب و عناصر معدنی شده و ضمن کم کردن اثرات تنش و افزایش رشد و عملکرد گیاه، باعث تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان شد. قارچ *P. indica* نیز به واسطه انشعابات میسلیمی خود سطحی اضافه را برای جذب آب و عناصر غذایی به وجود می‌آورد و در نتیجه دریافت آب و مواد معدنی افزایش یافته، و این میکروارگانیزم نیز ضمن افزایش عملکرد کلزا، باعث تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان شد. این نتایج با یافته‌های پاداشی و همکاران (۲۷) که گزارش کردند همزیستی گیاه کاهو تلقیح شده با قارچ، نقش مهمی در تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان دارد و یافته‌های کومار و همکاران (۱۸) که عنوان کردند تلقیح بذور ذرت با قارچ *P. indica* باعث کاهش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان می‌شود، مطابقت داشت. همچنین با یافته‌های نوید و همکاران (۲۴) که اثر مثبت مشابهی از باکتری‌های محرک رشد در تعادل متابولیک و کاهش اثر تنش خشکی تحت شرایط کم آبیاری در گندم را گزارش کردند، مطابقت داشت. نتایج این تحقیق با یافته‌های بنی‌عقیل و همکاران (۵) که بیان داشتند تنش خشکی باعث افزایش فعالیت آنزیم کاتالاز گیاه کلزا شد اما تیمارهای باکتریایی نیاز به فعالیت آنزیم را کاهش داد، مطابقت داشت. پایین بودن فعالیت آنزیم در تیمارهای حاوی باکتری، احتمالاً نشان‌دهنده این موضوع است که باکتری گیاه را در شرایط مناسب‌تری قرار داده است.

مقدار پرولین

نتایج تجزیه واریانس اثرات ساده میکروارگانیزم و ژنوتیپ نشان‌دهنده اختلاف معنی‌دار مقدار پرولین در سطح احتمال یک درصد بود (جدول ۲). همچنین اثر متقابل ترکیب تیماری شرایط رطوبتی در میکروارگانیزم، شرایط رطوبتی در ژنوتیپ، میکروارگانیزم در ژنوتیپ و شرایط رطوبتی در میکروارگانیزم در ژنوتیپ نیز نشان‌دهنده تفاوت معنی‌دار مقدار پرولین در سطح

پژوهش مطابقت دارد. ایسلام و همکاران (۱۵) نیز با بررسی اثر باکتری‌های محرک رشد گیاه بر تحمل گیاه ماش به تنش شوری از طریق تنظیم دفاع آنتی‌اکسیدانتی نتیجه گرفتند که تحت شرایط تنش، بوته‌های تلقیح شده، بیومارکر مالون دی آلدئید کمتری داشتند. همچنین گزارش شده که بوته‌های تیمار شده با باکتری‌های محرک رشد نقش مهمی در بالا بردن تحمل آنها نسبت به تنش‌های مختلف از جمله خشکی و شوری ایفا می‌کنند (۱۴).

نتیجه‌گیری کلی

نتایج نشان داد تلقیح بذور با باکتری *A. siccitolerans* و قارچ *P. indica* عملکرد دانه و عملکرد روغن دانه ژنوتیپ‌های مورد استفاده را افزایش و در مقابل باعث تعدیل فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان، مالون دی آلدئید و پرولین شد. احتمالاً کاربرد باکتری‌های محرک رشد و قارچ‌های میکوریزا با توجه به شرایط مناسب‌تری که برای جذب آب و عناصر غذایی برای گیاه فراهم می‌آورند موجب افزایش عملکرد و کاهش فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان می‌شوند. به نظر می‌رسد استفاده از باکتری *A. siccitolerans* و قارچ *P. indica* ضمن کاهش اثرات تنش خشکی باعث بهبود عملکرد دانه و روغن دانه تحت هر دو شرایط تنش خشکی و بدون تنش خشکی شدند که در این میان ژنوتیپ طلایه تحت شرایط تنش و کاربرد قارچ *P. indica* بیشترین عملکرد روغن دانه را داشت و تحت شرایط آبیاری کامل و کاربرد قارچ *P. indica* نیز ژنوتیپ اکاپی بیشترین عملکرد روغن دانه را داشت. ضمناً با توجه به اینکه تحت شرایط تنش خشکی بیشترین مقدار پرولین، عملکرد دانه و روغن دانه در ژنوتیپ‌های مودنا و طلایه مشاهده شد بنابراین بالا بودن مقدار پرولین می‌تواند نشان‌دهنده مقاومت این دو ژنوتیپ نسبت به تنش خشکی باشد که می‌توان این دو ژنوتیپ را به‌عنوان ژنوتیپ‌های مقاوم و با عملکرد بالا در منطقه شمال غربی کشور معرفی کرد

معنی‌دار شد (جدول ۲). مقایسات میانگین اثرات متقابل تنش در میکروارگانیزم در ژنوتیپ نشان داد که بیشترین مقدار بیومارکر مالون دی آلدئید مربوط به ژنوتیپ SLM-046 تحت شرایط تنش خشکی و بدون استفاده از میکروارگانیزم با میانگین $7/9$ (نانومول بر گرم وزن تر) بود و کمترین مقدار بیومارکر مالون دی آلدئید نیز مربوط به ژنوتیپ زرفام تحت شرایط بدون اعمال تنش خشکی و استفاده از میکروارگانیزم *P. indica* با میانگین $3/1$ (نانومول بر گرم وزن تر) بود (جدول ۶). بالا بودن مقدار بیومارکر MDA در ژنوتیپ SLM-046 نشان‌دهنده پایین بودن توان آنتی‌اکسیدانتی آنزیمی این ژنوتیپ در برابر تنش اکسیداتیو و کاهش میزان تخریب اکسیداتیو غشاءهای زیستی بوده و در نهایت باعث شد تا علاوه بر پایین بودن تحمل این ژنوتیپ نسبت به دیگر ژنوتیپ‌ها، عملکرد دانه و روغن دانه کمتری داشته باشد. ضمناً این موضوع بیانگر رابطه منفی میان مقدار مالون دی آلدئید با عملکرد دانه و روغن دانه بود (جدول ۷). بررسی‌های رشیدی و همکاران (۲۹) نیز نشان داد قطع آبیاری در مرحله گلدهی باعث افزایش چشمگیر MDA در کلزا به‌ویژه ارقام حساس شد. همچنین نتایج نشان داد در شرایط تنش خشکی، تلقیح بذور با قارچ *p. indica* و باکتری *A. siccitolerans* باعث کاهش مقدار بیومارکر مالون دی آلدئید به ترتیب به میزان $11/7$ و $9/9$ درصد نسبت به شرایط بدون استفاده از میکروارگانیزم شد (جدول ۵). کاهش مقدار بیومارکر MDA تحت شرایط تلقیح بذور با قارچ *P. indica* و باکتری *A. siccitolerans* می‌تواند نشان‌دهنده بهبود رشد ریشه و افزایش قابلیت جذب آب و عناصر غذایی توسط ریشه گیاه باشد. کاهش در میزان مالون دی آلدئید برگ‌های گیاه گندم تلقیح شده با قارچ *P. indica* توسط عبادی و سپهری (۱) و همچنین اثر مثبت تلقیح بذور با قارچ‌های میکوریزی بر افزایش عملکرد و کاهش مالون دی آلدئید گیاه هندوانه نسبت به شرایط بدون تلقیح توسط مو و همکاران (۲۲) گزارش شده است، که با یافته‌های این

منابع مورد استفاده

1. Abadi, V. A. J. M. and M. Sepehri. 2015. Effect of *Piriformospora indica* and *Azotobacter chroococcum* on mitigation of zinc deficiency stress in wheat (*Triticum aestivum* L.). *Symbiosis* 69(1): 9-19.
2. Alscher, R. G., N. Erturk and L. S. Heath. 2002. Role of superoxide dismutases (SOD) in controlling oxidative stress in plant. *Journal of Experimental Botany* 53(372): 1331-1341.
3. Anjum, S. A., U. Ashraf, A. Zohai, M. Tanveer, M. Naeem, I. Ali, T. Tabassum and U. Nazir. 2017. Growth and developmental responses of crop plants under drought stress: a review. *Zemdirbyste Agriculture* 104(3): 267-276.
4. Antonio, J., F. Gonzale, P. Martinez, F. Jose, C. Diaz, J. Pablo, E. Martínez-Molina, N. Toro, G. Susanna and L. Manuel Fernandez. 2017. The rhizosphere microbiome of burned holm-oak: potential role of the genus *Arthrobacter* in the recovery of burned soils. *Scientific reports. Scientific reports* 7 (1): 1-12.
5. Baniaghil, N., M. H. Arzanesh, M. Ghorbanli and M. Shahbazi. 2013. The effect of plant growth promoting rhizobacteria on growth parameters, antioxidant enzymes and microelements of canola under drought stress. *Biological and Environmental Science* 3(4): 17-27.
6. Bates, L. S., R. P. Waldren and L. D. Teare. 1973. Rapid determination of free proline for water-stress studies. *An International Journal on Plant-Soil Relationships* 39: 205-207.
7. Betran, F. J., D. Beck, M. Banziger and G. O. Edmeades. 2003. Genetic analysis of inbred and hybrid grain yield under stress and nonstress environments in tropical maize. *Crop Science* 43(3): 807-817.
8. Cakmak, I. and W. Horst. 1991. Effect of aluminium on lipid peroxidation, superoxide dismutase, catalase and pe-roxidase activities in root tip of soybean (*Glysin max*). *Physiologia Plantarum* 83(3): 463-468.
9. Deshmukh, S. and K. H. Kogel. 2007. *Piriformospora indica* protects barley from root rot caused by *Fusarium graminearum*. *Journal of Plant Diseases and Protection* 114(6): 263-268.
10. Erdogan, U., R. Cakmakci, A. Varmazyari, M. Turan, Y. Erdogan and N. Kitir. 2016. Role of inoculation with multi-trait rhizobacteria on strawberries under water deficit stress. *Scientific Journal Zemdirbyste-Agriculture* 103(1): 67-76.
11. Ghabooli, M., B. Khatabi, S. A. Farajolah, M. Sepehri, M. Mirzaei, A. Amirkhani, J. V. Jorrn-Novo and G. Hosseini Salekdeh. 2013. Proteomics study reveals the molecular mechanisms underlying water stress tolerance induced by *Piriformospora indica* in barley. *Journal of proteomics* 6(94): 289-301.
12. Ghanati, F., A. Morita and H. Yokota. 2002. Induction of suberin and increase of lignin content by excess Boron in tobacco cell. *Soil Science and Plant Nutrition* 48(3): 357-364.
13. Giannopolitis, C. N. and S. K. Ries. 1977. Superoxide dismutases I. occurrence in higher plants. *Plant Physiology* 59(2): 309-314.
14. Gururani, M. A., C. P. Upadhyaya, V. Baskar, J. Venkatesh, A. Nookaraju and S. W. Park. 2013. Plant growth-promoting *rhizobacteria* enhance abiotic stress tolerance in *Solanum tuberosum* through inducing changes in the expression of ROS-scavenging enzymes and improved photosynthetic performance. *Journal of Plant Growth Regulation* 32(2): 245-258.
15. Islam, F., T. Yasmeen, Q. Ali, S. Ali, M. S. Arif, S. Hussain and H. Rizvi. 2015. Influence of *Pseudomonas aeruginosa* as PGPR on oxidative stress tolerance in wheat under Zn stress. *Ecotoxicology and Environmental Safety* 1(104): 285-293.
16. Khani, R., A. R. Sadeghi Bakhtyari, B. Pasban Eslam and V. Sarabi. 2018. Effects of drought stress on canola (*Brassica napus* L.) genotypes yield and yield components. *Iranian Journal of Field Crops Research* 15(4): 914-924. (In Farsi).
17. Kohler, J., J. Antonio Hernandez, F. Caravaca and A. Roldan. 2009. Induction of antioxidant enzymes is involved in the greater effectiveness of a PGPR versus AM fungi with respect to increasing the tolerance of lettuce to severe salt stress. *Environmental and Experimental Botany* 65(2): 245-252.
18. Kumar, K., V. Yadav, N. Tuteja and A. K. Johri. 2009. Antioxidant enzyme activities in maize plants colonized with *Piriformospora indica*. *Microbiology* 155(3): 780-790.
19. Lotfi, R., P. Gharavi-Kuochebagh and H. Khoshvaghti. 2015. Biochemical and physiological responses of *Brassica napus* plants to humic acid under water stress. *Russian Journal of Plant Physiology* 62 (4): 480-486.
20. Masoumi, H., M. Masoumi, F. Darvish, J. Daneshian, G. Nourmohammadi and D. Habibi. 2010. Change in several antioxidant enzymes activity and seed yield by water deficit stress in soybean cultivars. *Notulae Botanicae Horti Agrobotanici Cluj-Napoca* 38(3): 86-97.
21. Mishra, A. and B. Jha. 2011. Antioxidant response of the microalga *Dunaliella salina* under salt stress. *Botanica Marina* 54(1): 195-199.
22. Mo, Y., Y. Wang, R. Yang, J. Zheng, C. Liu, H. Li, J. Ma, Y. Zhang, C. Wei and X. Zhang. 2016. Regulation of plant growth, photosynthesis, antioxidation and osmosis by an arbuscular mycorrhizal fungus in watermelon

- seedlings under well-watered and drought conditions. *Frontiers in Plant Science* 7(11): 1-15.
23. Nakano, Y. and K. Asada. 1981. Hydrogen peroxide is scavenged by ascorbate-specific peroxidase in spinach chloroplast. *Plant and Cell Physiology* 22(5): 867-80.
 24. Naveed, M., M. B. Hussain, Z. A. Zahir, B. Mitter and A. Sessitsch. 2014. Drought stress amelioration in wheat through inoculation with *Burkholderia phytofirmans* strain PsJN. *Plant Growth Regulation* 73(2): 121-131.
 25. Omar, M. N. A., M. E. H. Osman, W. A. Kasim and L. A. Abd El-Daim. 2009. Improvement of salt tolerance mechanisms of barley cultivated under salt stress using *Azospirillum brasilense*. *Salinity and Water Stress* 44(1): 133-147.
 26. Omidi, H. 2010. Changes of proline content and activity of antioxidative enzymes in two canola genotype under drought stress. *American Journal of Plant Physiology* 5 (6): 338-349.
 27. Padashi, A., S. Shahabivand, F. Behtash, A. Aghaee and A. A. Aliloo. 2019. The changes in antioxidant enzymes activity of lettuce under *Piriformospora indica* and zinc treatments. *Journal of Plant Process And Function* 7(27): 75-86.
 28. Porcel, R. and J. M. Ruiz-Lozano. 2004. Arbuscular mycorrhizal influence on leaf water potential, solute accumulation, and oxidative stress in soybean plants subjected to drought stress. *Journal of Experimental Botany* 55(403): 1743-1750.
 29. Rashidi, S., A. H. ShiraniRad, A. Ayene Band, F. Javidfar and S. Lak. 2012. Study of relationship between droughts stresses tolerances with some physiological parameters in canola genotypes (*B. napus* L.). *Annals of Biological Research* 3 (1): 564-569.
 30. Ruiz-Lozano, J. M. 2003. Arbuscular mycorrhizal symbiosis and alleviation of osmotic stress, new perspectives for molecular studies. *Mycorrhiza* 13(6): 309-317.
 31. Siddiqui, I. A. and S. S. Shaikat. 2002. Mixtures of plant disease suppressive bacteria enhance biological control of multiple tomato pathogens. *Biology and Fertility of Soils* 36(4): 260-268.
 32. Sio-Se Mardeh, A., A. Ahmadi, K. Poustini and V. Mohammadi. 2006. Evaluation of drought resistance indices under various environmental conditions. *Field Crops Research* 98 (2): 222-229.
 33. Soleymani, A., M. Moradi and L. Naranjani. 2011. Effects of the irrigation cut-off time in different growth stages on grain and oil yield components of autumn's canola cultivars in isfahan region. *Journal of Water and Soil* 25(3): 426-435.
 34. Sylvester-Bradley, R. and R. J. Makepeace. 1984. A code for stages of development in oilseed rape (*Brassica napus* L.). *Aspects of applied biology* 4(6): 398-418.
 35. Tohidi-Moghaddam, H. R., A. R. Shirani-Rad, G. Noormohammadi, D. Habibi and M. M. A. Boojar. 2009. Effect of super absorbent application on antioxidant enzyme activities in canola (*Brassica napus* L.) cultivars under water stress conditions. *American Journal of Agricultural and Biological Science* 4(3): 215-223.
 36. Valentovic, P., M. Luxova, L. Kolarovi and O. Gasparikora. 2006. Effect of osmotic stress on compatible solutes content, membrane stability and water relations in two maize cultivars. *Plant Soil and Environment* 52 (4): 186-191.
 37. Xu, L., A. Wang, J. Wang, Q. Wei and W. Zhang. 2016. *Piriformospora indica* confers drought tolerance on *Zea mays* L. through enhancement of antioxidant activity and expression of drought-related genes. *The crop journal* 5(1): 251-258.
 38. Zali, H., O. Sofalian, T. Hasanloo, A. Asgharii and M. Zeinalabedini. 2016. Drought stress effect on physiological parameter and amino acids accumulations in canola. *Journal of Crop Breeding* 8(2): 191-203.
 39. Zarea, M. J., S. Hajinia, N. Karimi, E. Mohammadi Goltapeh, F. Rejali and A. Varma. 2012. Effect of *Piriformospora indica* and *Azospirillum* strains from saline or non-saline soil on mitigation of the effects of NaCl. *Soil Biology and Biochemistry* 45(1): 139-146.
 40. Zhang, J., A. S. Mason, J. Wu, S. Liu, X. Zhang, T. Luo and G. Yan. 2015. Identification of putative candidate genes for water stress tolerance in canola (*Brassica napus*). *Frontiers in plant science* 6(27): 1058-1069.

Study on the Effects of Seed Biological Treatments on Yield and Some Biochemical Parameters of Rapeseed Genotypes under Water Stress Conditions

A. Nemat¹, A. A. Aliloo^{2*} and M. Sedghi³

(Received: July 17-2021; Accepted: October 6-2021)

Abstract

Water shortage seriously threatens crop growth and development especially in semi-arid areas. Association of plants with beneficial soil microorganisms is a strategy for plant adaptation to environmental stresses. In this study, the effect of seed inoculation of rapeseed genotypes with mycorrhiza-like fungus (*Piriformospora indica*) and growth-promoting bacterium (*Arthrobacter siccitolerans*) was investigated on some yield and physiological indices under non-stress and drought stress conditions. The results showed that the stress reduces grain yield (19.5%) and oil concentration (23%) while physiological attributes including activity of anti-oxidant enzymes (catalase, superoxide dismutase, ascorbate peroxidase and malondialdehyde) and content of proline increased. Seed treatment with *P. indica* and *A. siccitolerans* under stress condition reduced the activity of enzymes and content of proline whereas improved grain and oil yields compared to the non-stress condition. Although the alleviation effect of bacteria and fungi on the studied traits was similar, the effect of fungi on proline content and oil yield became more noticeable. Also, under non-stress condition, the use of these microorganisms reduced the activity of enzymes and content of proline. It is noteworthy that due to the high variability of the proline content, it can also be introduced as an indicator of stress in biological treatments assessment. Overall, the results showed that despite the differences in the response of genotypes to treatments, the application of both microorganisms increases grain yield and oil yield under both non-stress and water stress conditions, and the biological treatments, particularly *P. indica* could be used to alleviate water stress effects on rapeseed genotypes.

Keywords: Enzyme, Inoculation, Proline, Malondialdehyde

1, 2. PhD Student in Crop Physiology and Associate Professor Department of Plant Production and Genetic Engineering, Respectively, Maragheh University, Maragheh, Iran

3. Professor, Department of Plant Production and Genetics Engineering, Mohaghegh Ardabili University, Ardabil, Iran

*: Corresponding Author, Email: aliasghar.aliloo@gmail.com