

## ارزیابی ترکیب پذیری ارقام برنج از طریق روش های دوم و چهارم گریفینگ

مهدی رحیمی، بابک ربیعی\*، حبیب اله سمیع زاده لاهیجی و علی کافی قاسمی<sup>۱</sup>

(تاریخ دریافت: ۱۳۸۶/۱/۵؛ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۶/۵/۹)

## چکیده

برای ارزیابی ترکیب پذیری عمومی و خصوصی ارقام برنج، شش رقم برنج در سال ۱۳۸۴ به صورت یک طرح دای آیل یک طرفه با یکدیگر تلاقی داده شدند. در سال ۱۳۸۵ والد ها و نتاج آنها در قالب طرح بلوک های کامل تصادفی با سه تکرار کشت و ۱۰ صفت در آنها اندازه گیری شد. نتایج تجزیه واریانس حاکی از وجود تفاوت های ژنتیکی معنی دار بین ارقام و همچنین ترکیب پذیری عمومی و خصوصی والد ها و هیبریدها بود. بدین ترتیب وجود اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن ها در کنترل صفات مورد مطالعه محرز گردید. بر اساس نتایج حاصل از تجزیه دای آیل به روش های دوم و چهارم گریفینگ، سهم اثر افزایشی ژن ها در کنترل صفات دوره رشد رویشی، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد خوشه در بوته و طول دانه قهوه ای بیشتر از اثر غیرافزایشی ژن ها بود، در حالی که سایر صفات مورد مطالعه بیشتر تحت کنترل اثر غیرافزایشی ژن ها قرار داشتند. همچنین مقایسه روش های دوم و چهارم گریفینگ در ارزیابی صفات حاکی از تفاوت سهم واریانس افزایشی و غیرافزایشی در دو روش بود. به علاوه، ترکیب پذیری عمومی و خصوصی حاصل از دو روش در مورد بسیاری از صفات مانند دوره رشد رویشی و زایشی، ارتفاع بوته، تعداد دانه پر در خوشه و عملکرد دانه متفاوت و معنی دار بود، به طوری که می توان گفت استفاده از نسل های والدی در تجزیه دای آیل در روش دوم گریفینگ سبب می شود که برآورد واریانس های ترکیب پذیری دارای اربب باشند. بنابراین روش چهارم گریفینگ به دلیل عدم استفاده از والد ها از نظر صرفه جویی در زمان، هزینه و امکانات، مناسب تر از سایر روش های گریفینگ بوده و به عنوان یک روش کاربردی پیشنهاد می شود.

واژه های کلیدی: برنج، اثر ژن، ترکیب پذیری، تلاقی دای آیل

## مقدمه

وارد می گردد. برای رفع کمبود و جلوگیری از واردات لازم است که میزان تولید را افزایش داد. یکی از راه کارهای مهم در افزایش تولید، استفاده از واریته های اصلاح شده بر اساس دورگ گیری است (۲). در اصلاح نباتات ترکیب ژنتیکی بعضی ژنوتیپ ها می تواند منجر به ایجاد نتاج برتر از نظر بعضی

برنج (*Oryza sativa* L.) یکی از محصولات است که حدود دو سوم کالری مورد نیاز مردم آسیا از آن تأمین می شود و یکی از غذاهای اصلی مردم ایران نیز می باشد. تولید این محصول در کشور برای نیاز سالانه کافی نبوده و هر ساله مقداری از خارج

۱. به ترتیب دانشجوی سابق کارشناسی ارشد، استادیاران و مربی زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان، رشت

\*: مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: rabiei@guilan.ac.ir

دانه تحت کنترل اثر غالبیت ناقص ژن‌ها قرار دارند و در کنترل آنها اثر افزایشی بیشتر از اثر غیرافزایشی ژن‌ها بود. نتایج وی هم‌چنین نشان داد که صفاتی مانند زمان رسیدن کامل دانه‌ها، وزن شلتوک در بوته، شاخص برداشت و عرض دانه تحت تأثیر اثر فوق غالبیت ژن‌ها قرار دارند و بدین ترتیب سهم اثر غیرافزایشی ژن‌ها در شکل دهی این صفات بیش از اثر افزایشی و وراثت‌پذیر ژن‌ها بود.

کاروس (۸) از یک طرح دای‌آلل  $5 \times 5$  برای ارزیابی وراثت‌پذیری خصوصی طول دوره رشد، نسبت طول به عرض دانه، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد خوشه‌چه در خوشه و عملکرد دانه در برنج استفاده کرد. نتایج وی نشان داد که وراثت‌پذیری خصوصی صفات طول دوره رشد و نسبت طول به عرض دانه زیاد و نشان دهنده وجود اثر افزایشی در کنترل این صفات بود. در مقابل صفات ارتفاع بوته، طول خوشه و تعداد خوشه‌چه در خوشه شدیداً تحت کنترل اثر غیرافزایشی ژن‌ها بودند. شارما و مانی (۲۰) با انجام یک تلاقی نیمه دای‌آلل نشان دادند که سهم اثر غیرافزایشی ژن‌ها برای صفات تعداد روز تا  $50\%$  گل‌دهی، ارتفاع بوته، سطح برگ پرچم، تعداد پنجه‌های بارور، طول خوشه، تعداد دانه در خوشه، وزن دانه‌های یک خوشه، وزن صد دانه و عملکرد دانه در بوته بیشتر بود. در مقابل، برای شاخص برداشت و نسبت طویل شدن دانه سهم اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها تقریباً یکسان بود. ورما و سریوستاوا (۲۱) با بررسی بر روی نتایج  $F_1$  و  $F_2$  یک طرح نیمه دای‌آلل  $7 \times 7$  نشان دادند که هر دو اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها برای صفات تعداد روز تا  $50\%$  گل‌دهی، دوره پر شدن دانه، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد پنجه‌های بارور در بوته، تعداد خوشه‌چه در خوشه، وزن صد دانه و شاخص برداشت معنی‌دار بود. هم‌چنین نتایج حاکی از سهم بیشتر عمل غیرافزایشی ژن‌ها در کنترل صفات عملکرد و اجزای عملکرد بود.

هدف از این تحقیق، ارزیابی ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی و اثر ژن‌ها در کنترل صفات مختلف در والد‌ها و تلاقی‌های

صفات گردد و به این دلیل بررسی ژنتیکی محصولات زراعی از اهمیت ویژه‌ای برخوردار است. نتایج این بررسی‌ها به عنوان عوامل اصلی و پایه‌ای برای موفقیت در برنامه‌های اصلاح نباتات محسوب می‌شود. این اطلاعات از روش‌های مختلفی قابل تحصیل خواهد بود. یکی از این روش‌ها دای‌آلل می‌باشد که دسترسی به اطلاعاتی نظیر ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی، اثر تقریبی ژن‌ها، اثر هتروزیس و اثر سیتوپلاسمی را فراهم می‌آورد (۱۰). روش مذکور در دهه ۱۹۵۰ میلادی توسط جینکز (۱۴)، جینکز و هیمن (۱۵)، هیمن (۱۲) و (۱۳) و گریفینگ (۹ و ۱۰) ارائه و در سال‌های بعد توسط پونی و همکاران (۱۹) و رایت (۲۲) تکمیل گردید. اگرچه در مورد تحقق کامل شرایط و فرضیات لازم برای به‌کارگیری این روش تردید وجود دارد (۷)، مع‌ذالک این روش امروزه در اغلب گیاهان زراعی با موفقیت استفاده می‌شود. به‌کارگیری تلاقی‌های دای‌آلل در برنج بسیار متداول بوده (۴، ۵، ۸، ۱۱، ۱۸، ۲۰ و ۲۱) و در دهه‌های اخیر در ایران نیز به منظور شناخت ترکیب‌پذیری ژن‌های صفات مطلوب و هم‌چنین اثر ژن‌های کنترل‌کننده این صفات به‌کار رفته است (۱، ۳، ۴، ۵ و ۶).

آزاد (۱) با بررسی ۸ رقم در قالب یک طرح نیمه دای‌آلل نشان داد که اکثر صفات مهم برنج توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها کنترل می‌شوند. برآورد اجزای واریانس ژنتیکی و وراثت‌پذیری خصوصی صفات مورد بررسی نشان داد که صفات ارتفاع بوته، طول خوشه، طول ساقه، روزهای تا شروع گل‌دهی، تعداد سنبلیچه در خوشه، طول برگ پرچم، سطح برگ پرچم و زمان رسیدن عمدتاً تحت کنترل اثر افزایشی ژن‌ها قرار داشته و وراثت‌پذیری خصوصی بالایی داشتند، درحالی‌که صفات وزن صد دانه، تعداد پنجه بارور در بوته و عملکرد دانه در بوته عمدتاً تحت کنترل اثر غیرافزایشی ژن‌ها بودند و وراثت‌پذیری خصوصی کمتری را نشان دادند. در آزمایشی که حسینی (۳) روی ۸ رقم برنج در قالب یک طرح نیمه دای‌آلل انجام داد به این نتیجه رسید که صفات ارتفاع بوته، زمان ظهور  $50\%$  خوشه‌ها، طول دانه و نسبت طول به عرض

پس از انتخاب ده بوته تصادفی در هر کرت، از هر بوته ۵۰ عدد دانه به‌طور تصادفی انتخاب و میانگین اندازه‌ها ثبت گردید. نتایج به‌دست آمده مورد تجزیه واریانس قرار گرفت و با توجه به معنی‌دار بودن واریانس ژنوتیپ‌ها، تجزیه دای‌آلل با روش‌های دوم و چهارم گریفینگ (۹ و ۱۰) انجام شد. برای این منظور، مجموع مربعات ژنوتیپ‌ها در روش‌های دوم و چهارم گریفینگ به دو جزء مجموع مربعات ترکیب‌پذیری عمومی (SSgca) و خصوصی (SSsca) تفکیک شد. علاوه بر آن، اثرات ترکیب‌پذیری عمومی برای والد‌ها (gca<sub>i</sub>) و خصوصی برای هر تلاقی (sca<sub>i</sub>) نیز برآورد گردید (۹ و ۱۰). برای مقایسه نتایج حاصل از دو روش، تفاوت ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی روش دوم از روش چهارم محاسبه و با آزمون t-student مورد آزمون قرار گرفت. از نسبت بیکر (۷) نیز برای برآورد تقریبی اثر ژن‌ها در هر روش استفاده گردید:

$$[1] \quad \text{نسبت بیکر} = \frac{2MS_{GCA}}{2MS_{GCA} + MS_{SCA}}$$

با توجه به صحت پیش‌فرض‌های مدل گریفینگ، واریانس افزایشی از فرمول  $\sigma_A^2 = 2\sigma_{GCA}^2$  و واریانس غالبیت از فرمول  $\sigma_D^2 = \sigma_{SCA}^2$  برآورد شد. وراثت‌پذیری خصوصی نیز با استفاده از رابطه ۲ محاسبه شد:

$$[2] \quad h_n^2 = \frac{\sigma_A^2}{\sigma_A^2 + \sigma_D^2 + \frac{\sigma_e^2}{r}}$$

برای تجزیه دای‌آلل به روش‌های گریفینگ از برنامه ارائه شده توسط کانگ (۱۶) استفاده شد و داده‌ها به کمک نرم‌افزار SAS نسخه ۶/۱۲ مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند.

### نتایج و بحث

نتایج حاصل از تجزیه واریانس صفات در قالب روش‌های دوم و چهارم گریفینگ در جدول‌های ۱ و ۲ نشان داده شده است. چنانچه مشاهده می‌شود اختلاف بین ژنوتیپ‌ها از نظر کلیه صفات در سطح احتمال ۱٪ معنی‌دار بود. به این ترتیب، مجموع

مورد بررسی می‌باشد. در این تحقیق، شش رقم برنج با خصوصیات متنوع انتخاب و تلاقی دای‌آلل بین آنها انجام گرفت تا با ارزیابی ترکیب‌پذیری عمومی ارقام و خصوصی هیبریدها، ارقام با ترکیب‌پذیری خصوصی خوب شناسایی و از آنها جهت تولید ارقام هیبرید پرمحصول استفاده گردد.

### مواد و روش‌ها

به منظور برآورد ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی ارقام برنج و نوع اثر ژن‌های کنترل‌کننده صفات زراعی، تعداد شش رقم برنج به نام‌های هاشمی، بینام، درفک، کادوس، دم‌سفید و IR30 در سال ۱۳۸۴ در مزرعه تحقیقاتی دانشکده کشاورزی دانشگاه گیلان کشت و تلاقی‌های مستقیم بین والدین انجام شد. در سال زراعی بعد (۱۳۸۵) والد‌ها و نتاج حاصل از تلاقی بین آنها در یک طرح دای‌آلل یک‌طرفه در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در کرت‌هایی به ابعاد دو متر مربع و با فاصله بوته ۲۵ × ۲۵ سانتی‌متر کشت شدند. صفات مورد مطالعه شامل دوره رشد رویشی (فاصله بین کاشت بذر در خزانه تا زمان ظهور ۵۰٪ از خوشه‌ها در هر کرت بر حسب روز)، دوره رشد زایشی (فاصله بین ظهور ۵۰٪ از خوشه‌ها تا رسیدگی فیزیولوژیک در هر کرت بر حسب روز)، مساحت برگ پرچم (حاصل ضرب طول در عرض برگ پرچم بر حسب سانتی‌متر مربع)، ارتفاع بوته (فاصله بین سطح خاک تا انتهای خوشه اصلی بدون احتساب ریشک بر حسب سانتی‌متر)، طول خوشه (فاصله بین دم خوشه تا انتهای خوشه بدون احتساب ریشک بر حسب سانتی‌متر)، تعداد خوشه در بوته، تعداد دانه پر خوشه، عملکرد دانه در هکتار و طول و عرض دانه قهوه‌ای (بر حسب میلی‌متر) بودند. برای اندازه‌گیری عملکرد دانه، کل مساحت هر کرت پس از حذف اثر حاشیه برداشت شد و پس از خرم‌کوبی برحسب تن در هکتار بیان گردید. برای اندازه‌گیری سایر صفات از میانگین ارزش ده بوته تصادفی در هر کرت استفاده گردید. در مورد طول و عرض دانه قهوه‌ای نیز

جدول ۱. تجزیه واریانس صفات مختلف و تفکیک SS ژنوتیپ‌ها به GCA و SCA در روش دوم گریفینگ

عرض دانه قهوه‌ای	طول دانه	طول دانه	عملکرد دانه	تعداد دانه پر	تعداد خوشه	تعداد خوشه	طول خوشه	ارتفاع بوته	مساحت برگ پرچم	دوره رشد		درجه آزادی	منابع تغییرات
										در هکتار	در خوشه		
۰/۰۹**	۱/۶۶**	۹/۸۴**	۱۱۵/۴۷۹**	۵۲/۸۶**	۱۳/۴۱**	۳۳۴/۰۱**	۲۸۱/۸۷**	۱۸۱/۷۹**	۲۶۸/۵۵**	۲۰	تیمار		
۰/۰۴۹**	۱/۶۴**	۵/۳۷**	۵۳۷/۱۸**	۴۶/۶۹**	۱۲/۱۳**	۲۵۹/۱۶۴**	۱۵۵/۲۱**	۹۰/۷۸**	۲۵۰/۱۶**	۵	GCA		
۰/۰۲۳**	۰/۱۹**	۲/۵۸**	۳۳۴/۱۸**	۷/۹۳**	۱/۹۲**	۱۷۹/۲۳**	۱۳/۵۴**	۵۰/۵۵**	۳۵/۹۷**	۱۵	SCA		
۰/۰۰۳	۰/۰۲	۰/۰۳	۵/۸۹	۰/۸۱	۰/۴۱	۳/۵۱	۵/۹۷	۰/۸۶	۲/۱۲	۴۰	اشتباه		
۲/۶۳	۱/۷۸	۱/۹۵	۱/۳۵	۴/۹۱	۲/۰۹	۱/۴۵	۶/۰۵	۳/۰۳	۱/۸۲		ضریب تغییرات (درصد)		
۲/۱۱	۸/۵۹	۲/۰۸	۱/۶۱	۵/۸۹	۶/۳۲	۱۴/۴۶	۲/۱۱	۱/۷۹	۶/۹۵		MS <sub>GCA</sub> / MS <sub>SCA</sub>		
۰/۸۱	۰/۹۴	۰/۸۱	۰/۷۶	۰/۹۲	۰/۹۳	۰/۹۶	۰/۸۱	۰/۷۸	۰/۹۳		نسبت بیکر		
۰/۲۲	۰/۶۵	۰/۲۱	۰/۱۳	۰/۵۴	۰/۵۷	۰/۸۷	۰/۲۲	۰/۱۷	۰/۵۹		وراثت‌پذیری خصوصی (h <sub>n</sub> <sup>۲</sup> )		

\*\* معنی‌دار در سطح احتمال ۱٪:

جدول ۲. تجزیه واریانس صفات مختلف و تفکیک SS ژنوتیپ‌ها به GCA و SCA در روش چهارم گریفینگ

عرض دانه قهوه‌ای	طول دانه	طول دانه	عملکرد دانه	تعداد دانه پر	تعداد خوشه	تعداد خوشه	طول خوشه	ارتفاع بوته	مساحت برگ پرچم	دوره رشد		درجه آزادی	منابع تغییرات
										در هکتار	در خوشه		
۰/۰۹**	۱/۴۷**	۸/۸۲**	۹۰۸/۴۹**	۳۷/۷۷**	۱۴/۲۶**	۲۰۱/۴/۸۹**	۱۷۵/۵۴**	۲۰۵/۴۶**	۱۸۹/۵۲**	۱۴	تیمار		
۰/۰۳۸**	۰/۸۷**	۳/۷**	۴۴۷/۰۲**	۲۳/۱**	۹/۶۸**	۱۵۰/۱/۱۱**	۶۱/۶۹**	۸۵/۹۹**	۱۳۱/۷۶**	۵	GCA		
۰/۰۲۵**	۰/۲۷**	۲/۵۱**	۲۲۲/۷۳**	۶/۸۵**	۲/۰۲**	۲۱۰/۸۱**	۵۶/۸۴**	۵۸/۷۷**	۲۵/۰۷**	۹	SCA		
۰/۰۰۳	۰/۰۰۷	۰/۰۳	۵/۵۹	۱/۰۳	۰/۵۳	۴/۲۸	۷/۸۴	۰/۹۹	۲/۵۴	۲۸	اشتباه		
۲/۲۹	۱/۱۷	۲/۱۱	۱/۲۹	۵/۵۳	۲/۳۷	۱/۵۸	۶/۹۹	۳/۲۱	۱/۹۶		ضریب تغییرات (درصد)		
۱/۵۱	۳/۱۶	۱/۴۷	۲/۰۰۷	۳/۴۲	۴/۷۹	۷/۱۲	۱/۰۹	۱/۴۶	۵/۲۶		MS <sub>GCA</sub> / MS <sub>SCA</sub>		
۰/۷۵	۰/۸۶	۰/۷۵	۰/۸۰	۰/۸۷	۰/۹۱	۰/۹۳	۰/۶۹	۰/۷۵	۰/۹۱		نسبت بیکر		
۰/۲۰	۰/۵۲	۰/۱۹	۰/۳۳	۰/۵۵	۰/۶۶	۰/۷۵	۰/۰۴	۰/۱۸	۰/۶۸		وراثت‌پذیری خصوصی (h <sub>n</sub> <sup>۲</sup> )		

\*\* معنی‌دار در سطح احتمال ۱٪:

حاکمی از کنترل این صفات توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها بود (جدول‌های ۱ و ۲). بزرگ بودن نسبت واریانس GCA به SCA در هر دو روش حاکمی از این بود که در کنترل این صفات اثر افزایشی ژن‌ها سهم بیشتری از اثر غیرافزایشی ژن‌ها دارند. نسبت بیکر (۷) محاسبه شده نیز برای این صفات در هر دو روش نزدیک به یک بود و نشان داد که نقش اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی این صفات بیشتر از اثر غیرافزایشی ژن‌هاست. نتایج تعدادی از محققین دیگر نیز حاکمی از کنترل ژنتیکی این صفات توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی ولی با سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌هاست و با نتایج این تحقیق در یک راستا می‌باشد (۳، ۱۱ و ۱۸). در مقابل، از محققین دیگری مانند شارما و مانی (۲۰) سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را در کنترل این صفات گزارش نموده‌اند. آزاد (۱) و هنرنژاد (۶) برای ارتفاع بوته و طول خوشه سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها و برای تعداد خوشه در بوته سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را گزارش نمودند. در مقابل، کیانوش (۴) سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها را در کنترل هر دو صفت طول خوشه و تعداد خوشه در بوته گزارش کرد.

با توجه به این‌که گزینش در مورد صفاتی که دارای واریانس افزایشی قابل ملاحظه‌ای هستند، می‌تواند موفقیت‌آمیز باشد، بنابراین و با توجه به سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل صفات دوره رشد رویشی، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد خوشه در بوته و طول دانه قهوه‌ای، بالا بودن نسبی وراثت‌پذیری خصوصی آنها و نزدیک بودن نسبت بیکر به یک برای این صفات از روش‌های اصلاحی مبتنی بر انتخاب می‌توان در برنامه‌های به‌نژادی برای بهبود این صفات استفاده کرد. به علاوه، مقایسه جدول تجزیه واریانس روش‌های دوم و چهارم گریفینگ (جدول‌های ۱ و ۲) نشان داد که اگرچه آزمون F در مورد اثرات GCA و SCA ارقام حاکمی از معنی‌دار بودن این اثرات از نظر کلیه صفات در هر دو روش بود، مع‌ذالک برآورد پارامترهایی مانند نسبت  $MS_{GCA}$  به  $MS_{SCA}$ ، نسبت بیکر و وراثت‌پذیری خصوصی در دو روش بسیار متفاوت بود که به

مربعات بین ژنوتیپ‌ها به ترکیب‌پذیری عمومی (GCA) و خصوصی (SCA) تفکیک و نوع عمل ژن‌ها مورد آزمون قرار گرفت. نتایج حاصل نشان داد که واریانس ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی والدها و هیبریدها از نظر کلیه صفات در سطح احتمال ۱٪ معنی‌دار بود (جدول‌های ۱ و ۲). به این ترتیب وجود اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها در کنترل ژنتیکی صفات مورد مطالعه محرز گردید. نعمت‌زاده و همکاران (۵) نیز وجود اثر افزایشی و غیرافزایشی را در کنترل این صفات نشان دادند. پایین بودن نسبت واریانس GCA به SCA در مورد صفات دوره رشد زایشی، مساحت برگ پرچم، تعداد دانه پر در خوشه، عملکرد دانه و عرض دانه نشان داد که در کنترل ژنتیکی این صفات نقش اثر غیرافزایشی بیشتر از اثر افزایشی ژن‌ها است. به علاوه نسبت بیکر (۷) نیز برای این صفات در هر دو روش دوم و چهارم پایین و حاکمی از کنترل ژنتیکی این صفات توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها، ولی با سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها بود. نتایج محققین دیگر نیز حاکمی از کنترل این صفات توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌هاست، با این تفاوت که تعدادی از محققین، سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها (۱، ۱۱ و ۱۷) و تعدادی نیز سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها (۴ و ۱۸) را گزارش نموده‌اند. دلیل این اختلاف می‌تواند به خاطر تفاوت در والد‌های مورد مطالعه و نحوه توزیع آلل‌ها در آنها، انجام آزمایش در سال‌ها و محیط‌های مختلف و در نتیجه سهم متفاوت اثر متقابل محیط با ژنوتیپ‌ها باشد. با توجه به نتایج این تحقیق که سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را در کنترل این صفات به اثبات رساند و نیز پایین بودن نسبی وراثت‌پذیری خصوصی و نسبت بیکر، برای اصلاح ارزش ژنوتیپی این صفات پیشنهاد می‌شود از روش‌های اصلاحی مبتنی بر دورگ‌گیری در برنامه‌های به‌نژادی استفاده گردد.

واریانس ترکیب‌پذیری عمومی (GCA) و خصوصی (SCA) والدها و هیبریدها برای صفات دوره رشد رویشی، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد خوشه در بوته و طول دانه قهوه‌ای در هر دو روش در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار و

دلیل وجود والد‌ها در روش دوم گریفینگ و نقش آنها در برآورد پارامترها می‌باشد.

زودرسی از ویژگی‌های بسیار مطلوب در بسیاری از گیاهان زراعی دانه‌ای به شمار می‌آید. این ویژگی، اغلب گستره سازگاری این گیاهان را افزایش داده و موجب می‌شود که گیاهان در مناطق خشک بتوانند به مرحله‌ی رسیدن دانه دست یابند، درحالی‌که ارقام دیررس ممکن است قادر به رسیدن به این مرحله نباشند. اگرچه بیش از ۸۰٪ سطح زیر کشت برنج در ایران در استان‌های شمالی (گیلان و مازندران) قرار دارد و این مناطق دارای بارندگی سالیانه زیادی (بیش از ۱۲۰۰ میلی‌متر در سال) هستند، اما توزیع بارندگی در اکثر سال‌ها در این مناطق طوری است که در فاصله زمانی بین خردادماه تا اواخر مردادماه که مصادف با مرحله پنجه‌زنی تا اواخر دوره رشد زایشی در بیشتر ارقام برنج است، اتفاق افتاده و در این شرایط گیاه با تنش کم آبی مواجه شده و باعث کاهش عملکرد گیاه می‌شود. استفاده از ارقام زودرس می‌تواند یکی از روش‌های فائق آمدن بر این مشکل باشد. به دلیل طولانی بودن دوره رشد زایشی نسبت به دوره رشد زایشی در برنج، تولید ارقام زودرس به نحو مؤثری می‌تواند با کاهش دوره رشد زایشی صورت گیرد. همچنین ارقام زودرس از نقطه نظر کاهش هزینه‌های مصرف، حشره‌کش‌ها و آب نیز حایز اهمیت هستند. والد‌های هاشمی و دم‌سفید در روش دوم گریفینگ با داشتن ترکیب‌پذیری عمومی منفی و معنی‌دار باعث کاهش طول دوره رشد زایشی در نتاج خود می‌شوند. لذا از آنها می‌توان در برنامه‌های به‌نژادی برای رسیدن به ارقام زودرس استفاده نمود. در مقابل، والد‌های بینام، درفک و IR30 باعث افزایش طول دوره رشد زایشی در نتاج خود می‌شوند (جدول ۳). ترکیب‌پذیری خصوصی در اغلب تلاقی‌ها در جهت منفی تجلی یافت. این امر نمایانگر سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها در کاهش طول دوره رشد زایشی در دورگ‌های حاصل بود. بنابراین شاید بتوان با استفاده از این تلاقی‌ها در نسل‌های پیشرفته‌تر به گیاهان زودرس دست یافت. مقایسه جدول‌های ۳ و ۴ نشان داد که اگرچه ترکیب‌پذیری

عمومی و خصوصی والد‌ها و هیبریدها برای این صفت در دو روش تقریباً مشابه بود، اما در پاره‌ای از موارد تفاوت‌هایی مشاهده گردید که این تفاوت‌ها معنی‌دار نیز بودند (جدول ۵). برای مثال والد درفک دارای GCA منفی و معنی‌دار در روش چهارم بود و باعث کاهش طول دوره رشد زایشی در نتاج خود گردید، در حالی که این والد در روش دوم GCA مثبت و معنی‌داری داشت و اختلاف مقدار GCA حاصل از دو روش نیز در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار بود (جدول ۵).

نتایج حاصل از تجزیه واریانس صفت دوره رشد زایشی در قالب هر دو روش نشان داد که بین GCA والد‌ها و SCA تلاقی‌ها تفاوت بسیار معنی‌داری ( $P < 0/01$ ) وجود دارد (جدول‌های ۱ و ۲). هم‌چنین نسبت بیکر و  $MS_{GCA}/MS_{SCA}$  سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را در کنترل این صفت نشان داد. ورما و سریواستاوا (۲۱) نیز نوع اثر ژن‌ها را در کنترل دوره رشد زایشی در یک طرح دای‌آل  $7 \times 7$  مطالعه نمودند و همانند این تحقیق سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را به اثبات رساندند. برآورد ترکیب‌پذیری عمومی والد‌ها نشان داد که GCA والد‌ها در روش دوم از  $-6/42$  در والد درفک تا  $2/24$  در والد بینام و در روش چهارم از  $-7/89$  در والد درفک تا  $5/19$  در والد کادوس متغیر است (جدول‌های ۳ و ۴). ترکیب‌پذیری عمومی مثبت و معنی‌دار والد‌های بینام، کادوس و IR30 در هر دو روش نمایانگر اهمیت بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها در والد‌های مزبور می‌باشد. بنابراین استفاده از روش‌های اصلاحی مبتنی بر گزینش، مانند انتخاب دوره‌ای در جوامع ترکیبی حاصل از لاین‌های مزبور، به همراه لاین‌های دیگری که دارای چنین خصوصیتی می‌باشند، در جهت افزایش دوره رشد زایشی مؤثر خواهد بود. ترکیب‌پذیری خصوصی تلاقی‌های هاشمی  $\times$  دم‌سفید، بینام  $\times$  درفک، درفک  $\times$  کادوس و درفک  $\times$  IR30 در هر دو روش در جهت مثبت و معنی‌دار بود که دلیلی بر اهمیت اثر غیرافزایشی ژن‌ها در افزایش طول دوره رشد زایشی در نتاج حاصل از این تلاقی‌هاست. با توجه به این که دوره رشد زایشی بیشتر، طول دوره پر شدن دانه را

جدول ۳. ترکیب پذیری عمومی (GCA) والد ها و خصوصی (SCA) هیبریدها به روش دوم گریفینگ

عرض دانه	طول دانه	عملد دانه	تعداد دانه	تعداد		طول خوشه (سانتی متر)	ارتفاع بوته (سانتی متر)	مساحت برگ برچم (سانتی متر مربع)	دوره رشد زایشی (روز)	دوره رشد رویشی (روز)	والدین و تلافی ها
				پر در خوشه	خوشه در بوته						
-۰/۰۹**	۰/۰۵۱*	-۱/۱۱**	-۸۸۱**	-۲/۱۹**	-۰/۹۱**	۲/۳۲**	-۶/۲۷**	۰/۰۷ <sup>NS</sup>	-۹/۸۲**	P <sub>۱</sub>	
۰/۰۵*	۰/۳۱۹**	-۰/۸۵**	-۴۸۹**	-۱/۸۷**	-۰/۳۷**	۲۱/۸۴**	۱/۷۶**	۲/۲۴**	۱/۷۶**	P <sub>۲</sub>	
۰/۰۰۵ <sup>NS</sup>	۰/۳۷۶**	۰/۸۹**	۱۴/۶۴**	-۰/۶۶ <sup>NS</sup>	۰/۶۳**	-۱۸/۵۹**	۶/۰۴**	-۶/۴۳**	۲/۴۳**	P <sub>۳</sub>	
-۰/۰۲ <sup>NS</sup>	۰/۵۴۱**	۰/۶۵**	۱/۸۶**	-۱/۲۴**	-۱/۷۱**	-۹/۴۷**	-۳/۹۵**	۱/۴۹**	-۰/۴۹ <sup>NS</sup>	P <sub>۴</sub>	
۰/۱۳**	-۰/۶۹۴**	۰/۴۳**	۱/۱۹*	۴/۱۷**	۱/۶۷**	-۱۶/۶۹**	۰/۰۸ <sup>NS</sup>	۱/۵۷**	۷/۰۶**	P <sub>۵</sub>	
-۰/۰۷**	۰/۰۴۵ <sup>NS</sup>	۰/۰۰۸ <sup>NS</sup>	-۴/۰۸**	۱/۳۸**	۰/۷۱**	۲۰/۵۸**	۲/۳۴**	۱/۳۶**	-۰/۹۴**	P <sub>۶</sub>	
-۰/۰۵ <sup>NS</sup>	-۰/۰۱ <sup>NS</sup>	-۰/۷۶**	۱۵/۱۵**	-۰/۷۷ <sup>NS</sup>	-۱/۰۶**	۲/۳۴**	-۰/۶۵ <sup>NS</sup>	۱/۰۶*	-۰/۵۵**	P <sub>۱×P<sub>۲</sub></sub>	
۰/۰۹۴**	-۰/۹۵۶**	۰/۴۵**	۱۲/۹۵**	۱/۱۵*	۱/۰۹**	۳/۷۹**	۶/۲۹**	-۱۲/۳۲**	۱/۴۵ <sup>NS</sup>	P <sub>۱×P<sub>۳</sub></sub>	
۰/۰۵ <sup>NS</sup>	۰/۲۰۶**	۰/۴۹**	۱۶/۹۹**	-۰/۹۴*	-۱/۰۵**	-۱/۰۸ <sup>NS</sup>	-۱/۰۹**	۴/۱۴**	۸/۷**	P <sub>۱×P<sub>۴</sub></sub>	
-۰/۰۶**	۰/۳۶۹**	-۰/۴۹**	۲۱/۶۳**	۱/۲۲*	۱/۱۲**	-۹/۲۸**	۶/۳۶**	۰/۴۸ <sup>NS</sup>	۴/۴۹**	P <sub>۱×P<sub>۵</sub></sub>	
۰/۰۵ <sup>NS</sup>	۰/۳۵۱**	۰/۶۴**	۳۰/۴۵**	۰/۵۳ <sup>NS</sup>	-۰/۱۶ <sup>NS</sup>	۲/۰۷*	-۷/۵۶**	۶/۴۹**	-۵/۱۴**	P <sub>۱×P<sub>۶</sub></sub>	
۰/۰۹**	۰/۶۶۲**	-۲/۸۹**	۹/۵۸**	۰/۳۴ <sup>NS</sup>	۰/۸۵**	۰/۷۷ <sup>NS</sup>	-۵/۵۱**	۸/۵۲**	۱/۵۴*	P <sub>۱×P<sub>۳</sub></sub>	
-۰/۰۱۲**	-۰/۲۸۴**	۱/۲۷**	-۳/۲۲**	۰/۰۸ <sup>NS</sup>	-۰/۱۳ <sup>NS</sup>	۷/۶۶**	-۱/۰۱ <sup>NS</sup>	۱/۶۴**	۹/۴۵**	P <sub>۱×P<sub>۴</sub></sub>	
۰/۰۹۷**	۰/۰۸۷ <sup>NS</sup>	-۱/۲۲**	-۳/۷۳**	-۱/۲۶**	۱/۰۱**	۱۹/۵۳**	-۲/۴۹*	-۲/۷۷**	-۱/۰۹ <sup>NS</sup>	P <sub>۱×P<sub>۵</sub></sub>	
-۰/۰۹۵**	-۰/۲۰۵**	۲/۰۳**	۲/۸۵*	۲/۸۴**	-۰/۴۴ <sup>NS</sup>	-۱۳/۹۹**	۱۲/۷۵**	-۴/۳۴**	-۰/۵۵ <sup>NS</sup>	P <sub>۱×P<sub>۶</sub></sub>	
-۰/۰۰۷۶*	۰/۳۳۴**	۰/۱۳ <sup>NS</sup>	۱۸/۹**	۱/۰۶*	-۰/۶۵ <sup>NS</sup>	۴/۶۶**	-۳/۵**	۶/۶**	** -۳/۲۱	P <sub>۳×P<sub>۴</sub></sub>	
۰/۲۴**	-۰/۶۲۸**	-۰/۶۳**	۱/۵۵ <sup>NS</sup>	-۷/۱۴**	-۱/۰۱**	۱۳/۲۵**	-۱۵/۸۸**	۸/۱۹**	-۶/۰۹**	P <sub>۳×P<sub>۵</sub></sub>	
-۰/۰۲**	۰/۵۱۲**	۲/۹۶**	۲۸/۰۹**	۲/۴۸**	-۱/۵۶**	-۲۷/۱۱**	۶/۲۴**	-۱۲/۱۳**	۳/۱۱**	P <sub>۳×P<sub>۶</sub></sub>	
۰/۰۳۸ <sup>NS</sup>	-۰/۲۶۸**	-۰/۸۹**	۱۸/۶۸**	۲/۸۷**	-۰/۳۹ <sup>NS</sup>	-۱۴/۳۹**	-۱/۹ <sup>NS</sup>	۱/۳۱**	۸/۴۹**	P <sub>۴×P<sub>۵</sub></sub>	
۰/۲۲**	-۰/۱۹۱**	-۱/۴۶**	۱۲/۴۹**	-۰/۶۵ <sup>NS</sup>	۱/۴۳**	۸/۸۲**	۱۰/۲۲**	-۵/۰۹**	-۱۲/۴۷**	P <sub>۴×P<sub>۶</sub></sub>	
-۰/۰۰۷*	۰/۱۴ <sup>NS</sup>	۰/۸۴**	۴/۲۳**	۲/۸۸**	۰/۹۱*	۰/۲۷ <sup>NS</sup>	۴/۷۴**	-۷/۰۱**	-۱/۷۶*	P <sub>۵×P<sub>۶</sub></sub>	

\*، \*\*، <sup>NS</sup> : به ترتیب غیر معنی دار و معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪.P<sub>۱</sub>, P<sub>۲</sub>, P<sub>۳</sub>, P<sub>۴</sub>, P<sub>۵</sub>, P<sub>۶</sub> : به ترتیب ارقام هاشمی، بینام، کادوس، IR30 و دم سفید هستند.

جدول ۴. ترکیب پذیری عمومی (GCA) والد‌ها و خصوصاً (SCA) هیبریدها به روش چهارم گریفینگ

صفات مورد مطالعه												
عرض دانه قهوه‌ای (میلی متر)	طول دانه قهوه‌ای (میلی متر)	عملکرد دانه (میلی متر)	تعداد دانه در خوشه	تعداد خوشه در خوشه	تعداد خوشه پُر در خوشه	تعداد خوشه در بوته	طول خوشه (سانتی متر)	ارتفاع بوته (سانتی متر)	مساحت برگ پرچم(سانتی مترمربع)	دوره رشد زایشی (روز)	دوره رشد زیایشی (روز)	والدین و تلاقی‌ها
-۰/۱۲۶**	۰/۰۳۵ <sup>ns</sup>	-۰/۰۶۴**	۵/۱۴**	-۱/۵۲**	-۰/۹۳**	-۰/۵۷ <sup>ns</sup>	-۴/۱۶**	-۰/۴۷۲ <sup>ns</sup>	-۹/۵۸**	P <sub>۱</sub>		
۰/۰۲۷ <sup>ns</sup>	-۰/۱۸۹**	-۱/۳۳**	-۱۲/۸۶**	-۱/۱۹**	-۰/۱۸ <sup>ns</sup>	۲۸/۱۷**	۳/۷۶**	۳/۶۹**	۱/۹۲**	P <sub>۲</sub>		
۰/۰۴۵**	۰/۳۸۴**	۱/۱۹**	۱۷/۸**	-۲/۳**	-۰/۰۶ <sup>ns</sup>	-۲۲۷۳**	۰/۳۱ <sup>ns</sup>	-۷/۸۹**	-۰/۹۱۷*	P <sub>۳</sub>		
-۰/۰۰۳ <sup>ns</sup>	۰/۴۸۹**	۰/۷۲**	-۳/۱۸**	-۱/۰۶**	-۲/۰۹**	-۸/۴۵**	-۲/۱۴**	۵/۱۹**	۳/۲۵**	P <sub>۴</sub>		
۰/۱۶۳**	-۰/۸۱۲**	-۰/۴۷**	-۰/۶۱ <sup>ns</sup>	۳/۴۳**	۲/۵**	-۱۳/۸۲**	-۴/۰۶**	۱/۱۹**	۷/۳۳**	P <sub>۵</sub>		
-۰/۰۵۴**	۰/۰۹۲**	۰/۵۲**	-۶/۲۹**	۲/۶۴**	۰/۷۶**	۱۷/۴۱**	۶/۲۹**	-۱/۷۲**	-۲**	P <sub>۶</sub>		
۰/۰۳۹ <sup>ns</sup>	-۰/۱۷۵**	-۰/۵۰۳**	۵/۸۴**	-۲/۰۶**	-۱/۲۲**	-۲/۵۵*	-۴/۴۱**	-۰/۳۳۳ <sup>ns</sup>	-۷/۳۳**	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۲</sub>		
۰/۰۶۸**	-۰/۹۰۸**	-۰/۰۸۳ <sup>ns</sup>	-۷/۴۹**	۲/۵۹**	۱/۷۹**	۹/۳۸**	۱۰/۰۶**	-۱/۱۰۸**	۳/۱۷**	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۳</sub>		
۰/۰۴۵ <sup>ns</sup>	۰/۳۱۳**	۰/۱۹*	۴/۷۶**	-۱/۷۲**	-۰/۶۵ <sup>ns</sup>	-۰/۶۵ <sup>ns</sup>	-۴/۶۶**	۰/۵ <sup>ns</sup>	۳/۳۳**	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۴</sub>		
-۰/۱۸۸**	۰/۵۴۲**	۰/۱۸*	۶/۱۳**	۱/۳۵**	۰/۳۱ <sup>ns</sup>	-۱۰/۷۱**	۸/۷۴**	۱/۱۷*	۲/۵۸**	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۵</sub>		
۰/۰۳۵ <sup>ns</sup>	۰/۲۲۸**	۰/۲۱**	-۹/۲۴**	-۰/۱۶ <sup>ns</sup>	-۰/۲۴ <sup>ns</sup>	۴/۵۳**	-۹/۹۳**	۹/۷۵**	-۱/۷۵*	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۶</sub>		
۰/۰۹۴**	۰/۵۶۵**	-۲/۴۸**	۱۰/۹۶**	۱/۷۵**	۱/۲۵**	-۲/۸۷**	-۱/۴۲ <sup>ns</sup>	۷/۷۵**	۳/۳۳**	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۱</sub>		
-۰/۰۹۶**	-۰/۳۲۳**	۱/۹۳**	-۲/۱۶۶**	-۰/۷۶ <sup>ns</sup>	۰/۰۸ <sup>ns</sup>	-۱/۱۵ <sup>ns</sup>	-۴/۴۵**	-۴**	۴/۱۷**	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۲</sub>		
۰/۱۰۷**	۰/۱۱۴**	۰/۴۰۲**	۲/۶*	-۱/۱۵*	۰/۰۰۳ <sup>ns</sup>	۸/۸۸**	۰/۰۱۶ <sup>ns</sup>	-۴/۳۳**	-۲/۹۲**	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۳</sub>		
-۰/۱۴۵**	-۰/۱۸۲**	۰/۶۵**	۲/۲۴*	۲/۱۸**	-۰/۱۳ <sup>ns</sup>	-۲/۳۱*	۱۰/۲۶**	۰/۹۱۷*	۲/۷۵**	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۴</sub>		
-۰/۱۶۲**	۰/۴۱۸**	-۰/۰۱ <sup>ns</sup>	۱۷/۳۵**	۰/۸۶ <sup>ns</sup>	۰/۴۱ <sup>ns</sup>	۶/۳۴**	۰/۷۸ <sup>ns</sup>	۳/۵۸**	-۵**	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۱</sub>		
۰/۱۳۸**	-۰/۴۸۷**	۰/۱۹۸*	-۳/۲۴**	-۴/۲۹**	-۱/۱۵**	۱۳/۰۶**	-۵/۶۵**	۹/۶۵**	-۴/۴۲**	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۲</sub>		
-۰/۱۳۸**	۰/۴۱۳**	۲/۳۷**	-۱۷/۵۸**	-۰/۹۱ <sup>ns</sup>	-۲/۳۱**	-۲۵/۹**	-۳/۹۸**	-۹/۵**	۲/۹۲**	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۳</sub>		
-۰/۰۴۶*	-۰/۰۵۹ <sup>ns</sup>	۰/۱۶۹*	-۱۵/۲۸**	۳/۳۹**	-۰/۸۴*	-۱۹/۷۳**	۰/۷۹ <sup>ns</sup>	-۲/۵**	۳/۰۸**	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۴</sub>		
۰/۲۵۸**	-۰/۳۴۹**	-۲/۲۹**	۱۴/۸**	-۱/۸۱**	۰/۹۹**	۱۵/۱۹**	۷/۵۴**	۲/۴۲**	-۵/۵۸**	P <sub>۴</sub> ×P <sub>۱</sub>		
-۰/۰۱۰۲ <sup>ns</sup>	-۰/۱۱**	-۰/۹۴۴**	۹/۷۸**	۰/۶۹ <sup>ns</sup>	۱/۶۷**	۸/۴۹**	-۳/۸۹**	-۳/۵۸**	۱/۶۷*	P <sub>۴</sub> ×P <sub>۲</sub>		

ns، \* و \*\*: به ترتیب غیرمعنی دار و معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪.  
P<sub>۱</sub>، P<sub>۲</sub>، P<sub>۳</sub>، P<sub>۴</sub>، P<sub>۵</sub> و P<sub>۶</sub> به ترتیب ارقام هاشمی، بینام، کادوس، IR30 و دم سفید هستند.



جدول ۵. آزمون اختلاف ترکیب پذیری عمومی (GCA) و خصوصی (SCA) حاصل از روش های دوم و چهارم گریفینگ با استفاده از t-student

عرض دانه	طول دانه	عملکرد دانه در	هکتار (تن)	قهوه ای (میلی متر)	صفات مورد مطالعه										والدین و تلافی ها
					تعداد دانه در	تعداد خوشه	تعداد خوشه	طول خوشه	ارتفاع بوته	مساحت برگ برچم	دوره رشد	دوره رشد	زایشی (روز)	زایشی (روز)	
۰/۰۳۶	۰/۰۱۶	۰/۰۴۷**	۰/۰۳۸	۰/۰۱۶	۰/۰۵۲	۲/۸۹	۰/۵۴۲	۰/۲۱۱	۰/۵۴۲	۰/۲۱۱	۰/۵۴۲	۰/۲۱۱	۰/۲۱۱	۰/۲۱۱	P <sub>۱</sub>
۰/۰۲۳	۰/۰۵۰۸**	۰/۰۴۸**	۰/۰۳۸	۰/۰۱۶	۰/۰۱۹	۰/۰۳۳**	۰/۰۶۸	۰/۰۳۳**	۰/۰۱۹	۰/۰۳۳**	۰/۰۶۸	۰/۰۳۳**	۰/۰۱۹	۰/۰۳۳**	P <sub>۲</sub>
۰/۰۰۴	۰/۰۰۰۸	۰/۰۰۳	۰/۰۳۱	۰/۰۱۶	۰/۰۶۸	۰/۰۱۴*	۰/۰۳۳**	۰/۰۳۳**	۰/۰۶۸	۰/۰۱۴*	۰/۰۳۳**	۰/۰۳۳**	۰/۰۳۳**	۰/۰۳۳**	P <sub>۳</sub>
۰/۰۰۱۸	۰/۰۰۵۲	۰/۰۰۷	۰/۰۰۴*	۰/۰۱۸	۰/۰۳۸	۰/۰۰۲	۰/۰۳۸	۰/۰۰۲	۰/۰۳۸	۰/۰۰۲	۰/۰۳۸	۰/۰۰۲	۰/۰۳۸	۰/۰۰۲	P <sub>۴</sub>
۰/۰۰۳۳	۰/۰۱۱۸	۰/۰۰۹**	۰/۰۰۹	۰/۰۱۸	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	۰/۰۰۸۳	P <sub>۵</sub>
۰/۰۰۱۶	۰/۰۰۴۷	۰/۰۰۵۱۲**	۰/۰۰۵۱۲**	۰/۰۰۴۷	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	P <sub>۶</sub>
۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۷۵	۰/۰۰۶۵۷	۰/۰۰۳۱**	۰/۰۰۷۵	۰/۰۱۶	۰/۰۸۹*	۰/۰۱۶	۰/۰۸۹*	۰/۰۱۶	۰/۰۸۹*	۰/۰۱۶	۰/۰۸۹*	۰/۰۱۶	۰/۰۸۹*	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۲</sub>
۰/۰۰۲۶	۰/۰۰۴۸	۰/۰۰۵۳۳**	۰/۰۰۴۴**	۰/۰۰۴۸	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	۰/۰۰۷	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۳</sub>
۰/۰۰۰۵	۰/۰۱۰۷	۰/۰۰۳	۰/۰۰۳	۰/۰۱۰۷	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	۰/۰۰۴	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۴</sub>
۰/۰۰۲۸	۰/۰۱۷۳	۰/۰۰۶۷**	۰/۰۰۶۷**	۰/۰۱۷۳	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	۰/۰۰۸۱	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۵</sub>
۰/۰۰۱۵	۰/۰۱۲۳	۰/۰۰۴۳*	۰/۰۰۴۳*	۰/۰۱۲۳	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	۰/۰۰۸	P <sub>۱</sub> ×P <sub>۶</sub>
۰/۰۰۰۴	۰/۰۰۹۷	۰/۰۰۴۱*	۰/۰۰۴۱*	۰/۰۰۹۷	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۳</sub>
۰/۰۰۲۴	۰/۰۰۳۹	۰/۰۰۶۶**	۰/۰۰۶۶**	۰/۰۰۳۹	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۴</sub>
۰/۰۰۱	۰/۰۰۲۷	۰/۰۰۶۲**	۰/۰۰۶۲**	۰/۰۰۲۷	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	۰/۰۰۱۱	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۵</sub>
۰/۰۰۵	۰/۰۰۲۳	۰/۰۰۳۸**	۰/۰۰۳۸**	۰/۰۰۲۳	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	۰/۰۰۶	P <sub>۲</sub> ×P <sub>۶</sub>
۰/۰۰۸۶	۰/۰۰۸۴	۰/۰۰۳۱**	۰/۰۰۳۱**	۰/۰۰۸۴	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	۰/۰۰۲	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۳</sub>
۰/۰۱۰۲	۰/۰۱۵۱	۰/۰۰۲۸**	۰/۰۰۲۸**	۰/۰۱۵۱	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	۰/۰۱۴	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۴</sub>
۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۹۹	۰/۰۰۵۹**	۰/۰۰۵۹**	۰/۰۰۹۹	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	۰/۰۰۵	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۵</sub>
۰/۰۰۸۴*	۰/۰۰۲۰۹	۰/۰۰۵۹**	۰/۰۰۵۹**	۰/۰۰۲۰۹	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	۰/۰۰۶۲	P <sub>۳</sub> ×P <sub>۶</sub>
۰/۰۰۳۸	۰/۰۱۵۸	۰/۰۰۸۳**	۰/۰۰۸۳**	۰/۰۱۵۸	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	۰/۰۱۶	P <sub>۴</sub> ×P <sub>۳</sub>
۰/۰۰۰۶	۰/۰۲۲۴	۰/۰۰۸۴**	۰/۰۰۸۴**	۰/۰۲۲۴	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	۰/۰۰۹*	P <sub>۴</sub> ×P <sub>۴</sub>
					۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	۰/۰۰۷۶	P <sub>۵</sub> ×P <sub>۶</sub>

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵٪ و ۱٪.

P<sub>۱</sub>, P<sub>۲</sub>, P<sub>۳</sub>, P<sub>۴</sub>, P<sub>۵</sub> و P<sub>۶</sub>: به ترتیب ارقام هاشمی، بنام، کادوس، IR30 و دم سفید هستند.

طولانی کرده و جذب بیشتر مواد پرورده را امکان پذیر می‌سازد، بنابراین از این دورگ‌ها و گزینش نتاج در حال تفکیک آنها می‌توان برای بهبود این صفت و افزایش غیرمستقیم عملکرد دانه در برنامه‌های به‌نژادی استفاده نمود. مقایسه برآوردهای حاصل از دو روش برای دوره رشد زایشی نشان داد که بین مقدار GCA و SCA حاصل از دو روش در مورد بسیاری از والد‌ها و تلاقی‌ها تفاوت معنی‌داری ( $P < 0/01$ ) وجود دارد (جدول ۵)، که دلیل این تفاوت همان طوری که برای دوره رشد رویشی نیز بیان شد به خاطر وارد نشدن ارزش والد‌ها در برآوردهای مربوطه در روش چهارم می‌باشد.

اثرات GCA والد‌ها و SCA تلاقی‌ها برای سطح برگ پرچم در جدول‌های ۳ و ۴ نشان داده شده است. ارقام بینام و دم‌سفید دارای GCA مثبت و معنی‌دار در هر دو روش بودند و می‌توانند برای افزایش سطح برگ پرچم نتاج در برنامه‌های به‌نژادی مورد استفاده قرار گیرند. از آنجایی که برگ پرچم به عنوان یک عضو فعال فتوسنتز کننده در مرحله پر شدن دانه در برنج می‌باشد، بنابراین افزایش مساحت آن کارایی استفاده از منابع را افزایش داده و به طور غیر مستقیم می‌تواند موجب افزایش عملکرد دانه گردد. تلاقی بینام × درفک دارای SCA منفی و معنی‌دار در روش دوم بود، درحالی‌که والد‌های این تلاقی دارای GCA مثبت و معنی‌دار بودند. دلیل این تفاوت می‌تواند به خاطر کنترل ژنتیکی این صفت توسط اثر غیرافزایشی ژن‌ها باشد، به طوری که وراثت‌پذیری خصوصی و نسبت بیکر (۷) نیز سهم بیشتر اثر غیرافزایشی ژن‌ها را در کنترل این صفت به اثبات رساند (جدول‌های ۱ و ۲). مقایسه نتایج حاصل از روش‌های دوم و چهارم گریفینگ نشان داد که اگر چه تفاوت قابل ملاحظه‌ای در برآورد پارامترها در دو روش وجود دارد، اما به جز چند مورد این تفاوت‌ها معنی‌دار نبودند (جدول ۵).

نتایج حاصل از تجزیه واریانس صفت ارتفاع بوته بر مبنای هر دو روش نشان داد که بین GCA والد‌ها و SCA تلاقی‌ها تفاوت بسیار معنی‌داری ( $P < 0/01$ ) وجود دارد (جدول‌های ۱ و ۲). هم‌چنین نسبت بیکر نزدیک به یک و  $MS_{GCA}/MS_{SCA}$

بالاتر از تمامی صفات مورد مطالعه بود که نشان دهنده سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها در کنترل این صفت می‌باشد. نعمت‌زاده و همکاران (۵) نیز همانند نتایج این تحقیق نشان داد که ارتفاع بوته تحت تأثیر اثر افزایشی و غیرافزایشی ژن‌ها قرار دارد و محمود و همکاران (۱۸) نیز سهم بیشتر اثر افزایشی ژن‌ها را در کنترل ارتفاع بوته گزارش نمودند که با نتایج تحقیق حاضر در یک راستا بود. برآورد ترکیب‌پذیری عمومی والد‌ها نشان داد که ارقام درفک، کادوس و IR30 دارای GCA منفی و معنی‌دار در هر دو روش بودند (جدول‌های ۳ و ۴) که مبین پتانسیل بالای آنها برای استفاده در برنامه‌های به‌نژادی برای دستیابی به گیاهان پا کوتاه است. در مقابل، ارقام بینام و دم‌سفید دارای GCA مثبت و معنی‌دار بودند و باعث افزایش ارتفاع بوته در نتاج حاصل، خواهند شد. از آنجایی که پاکوتاهی در برنج صفت مطلوبی به شمار می‌رود و برای برداشت مکانیزه و مقاومت به خوابیدگی ارقام پاکوتاه بسیار مناسب هستند، به این ترتیب شاید بتوان با استفاده از این تلاقی‌ها در نسل‌های پیشرفته‌تر به گیاهانی با ارتفاع کمتر دست یافت. صفت ارتفاع بوته همانند دوره رشد رویشی و زایشی از جمله صفاتی بود که برآورد پارامترهای آن تحت تأثیر نوع روش مورد استفاده قرار گرفت، به طوری که تفاوت برآوردهای حاصل از روش‌های دوم و چهارم گریفینگ در مورد بسیاری از والد‌ها و تلاقی‌ها، بسیار زیاد و کاملاً معنی‌دار بود (جدول ۵).

در مورد طول خوشه، نتایج روش دوم و چهارم بسیار مشابه و تفاوت برآوردهای حاصل در مورد هیچ یک از والد‌ها و تلاقی‌ها معنی‌دار نبود (جدول ۵). در هر دو روش ارقام هاشمی و کادوس دارای GCA منفی و معنی‌دار و ارقام IR30 و دم‌سفید دارای GCA مثبت و معنی‌دار بودند (جدول‌های ۳ و ۴). هم‌چنین تلاقی‌های هاشمی × درفک، بینام × درفک، کادوس × دم‌سفید و IR30 × دم‌سفید در هر دو روش دارای SCA مثبت و معنی‌دار بودند، به طوری که می‌توان در نسل‌های پیشرفته از این تلاقی‌ها گیاهانی با طول خوشه مناسب را انتخاب و این صفت را در نتاج حاصل تثبیت نمود.

موارد معنی‌دار بود. در حالی که در روش دوم گریفینگ، GCA رقم هاشمی منفی و معنی‌دار و رقم کادوس مثبت و معنی‌دار و در روش چهارم GCA رقم هاشمی مثبت و معنی‌دار و رقم کادوس منفی و معنی‌دار بود. هم‌چنین در بعضی از موارد علامت GCA یا SCA در دو روش یکسان، اما اختلاف بین مقادیر حاصل از دو روش بسیار زیاد و کاملاً معنی‌دار بود (جدول ۵).

نتایج تجزیه واریانس عملکرد دانه تفاوت بسیار معنی‌دار بین والد‌ها و تلاقی‌ها را از نظر ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی نشان داد (جدول‌های ۱ و ۲). به علاوه، هر دو اثر افزایشی و غیر افزایشی ژن‌ها اما سهم بیشتر اثر غیر افزایشی در کنترل این صفت به اثبات رسید. کایوشیک و شارما (۱۷) نیز همانند این تحقیق سهم بیشتر اثر غیر افزایشی ژن‌ها را گزارش نمودند و روش‌های مبتنی بر دورگ‌گیری را برای اصلاح این صفت پیشنهاد دادند. در مقابل، هاکيو و همکاران (۱۱) با انجام یک تلاقی دای‌آل بین ۵ رقم برنج و ارزیابی ترکیب‌پذیری ارقام، بر خلاف تحقیق حاضر سهم بیشتر اثر افزایشی را در کنترل عملکرد نشان دادند. نتایج حاصل از این مطالعه نشان داد که ارقام هاشمی و بینام در هر دو روش دارای GCA منفی و معنی‌دار و ارقام درفک و کادوس دارای GCA مثبت و معنی‌داری بودند و به این ترتیب این والد‌ها قابلیت انتقال افزایش عملکرد دانه به نتاج خود را دارند (جدول ۳ و ۴). با توجه به این که کشاورزان به دنبال افزایش محصول هستند، هم‌چنین با توجه به محدودیت در منابع کشاورزی و رشد روز افزون جمعیت، تأمین غذای مورد نیاز آنها می‌تواند از طریق افزایش محصول در واحد سطح انجام گیرد. بنابراین از این والد‌ها می‌توان در برنامه‌های به‌نژادی برای تولید هیبریدهای با عملکرد بالا استفاده نمود و گام مؤثری در افزایش تولید برنج برداشت. هم‌چنین، تلاقی‌های بینام × دم‌سفید و درفک × دم‌سفید در هر دو روش دارای SCA مثبت و معنی‌دار بودند که شاید بتوان در نسل‌های پیشرفته از این تلاقی‌ها، گیاهانی با عملکرد بالا را انتخاب و این صفت را در نتاج حاصل تثبیت

اثرات GCA و SCA برای صفت تعداد خوشه در بوته در جدول‌های ۳ و ۴ نشان داده شده است. ارقام IR30 و دم‌سفید دارای GCA مثبت و معنی‌دار در هر دو روش بودند، به این مفهوم که این والد‌ها پتانسیل انتقال افزایش تعداد خوشه در بوته را به نتاج خود دارا هستند. با توجه به این که هرچه تعداد خوشه در بوته بیشتر باشد، تعداد دانه‌ها در بوته بیشتر شده و بنابراین عملکرد در واحد بوته و به دنبال آن در واحد سطح افزایش خواهد یافت، لذا از این والد‌ها می‌توان در برنامه‌های به‌نژادی برای رسیدن به دورگ‌های با عملکرد بالا استفاده نمود. تلاقی‌های هاشمی × درفک، هاشمی × IR30، بینام × دم‌سفید و کادوس × IR30 نیز در هر دو روش دارای SCA مثبت و معنی‌دار بودند. در مقایسه روش‌های دوم و چهارم گریفینگ از نظر تعداد خوشه در بوته، نتایج حاصل به جز چند مورد کاملاً مشابه بود. تنها تفاوت‌های معنی‌دار موجود در GCA والد درفک و در SCA تلاقی‌های درفک × IR30، درفک × دم‌سفید و IR30 × دم‌سفید بود.

نتایج حاصل از تجزیه واریانس تعداد دانه پر در خوشه بر مبنای هر دو روش نشان داد که بین GCA والد‌ها و SCA تلاقی‌ها تفاوت بسیار معنی‌داری ( $p < 0/01$ ) وجود دارد (جدول‌های ۱ و ۲). هم‌چنین وراثت‌پذیری،  $MS_{GCA}/MS_{SCA}$  و نسبت بیکر نشان داد که این صفت تحت تأثیر هر دو نوع اثر افزایشی و غیر افزایشی ژن‌ها قرار دارد. از آنجایی که صفت تعداد دانه پر در خوشه به عنوان یکی از اجزای اصلی عملکرد دانه بوده و با افزایش آن عملکرد دانه هم افزایش می‌یابد، لذا هرگونه اقدام اصلاحی در مورد افزایش این صفت تأثیر به‌سزایی بر افزایش عملکرد خواهد داشت. با توجه به این که رقم درفک در هر دو روش دارای GCA مثبت و معنی‌دار بود، بنابراین می‌توان از این رقم به عنوان والد بهبود دهنده تعداد دانه پر در خوشه در برنامه‌های به‌نژادی استفاده نمود. بر خلاف تعداد خوشه در بوته، تعداد دانه پر در خوشه همانند دوره رشد رویشی و زایشی و ارتفاع بوته، یکی دیگر از صفاتی بود که تفاوت برآوردهای حاصل از آن در دو روش در بسیاری از

### نتیجه گیری

نتایج حاصل از تجزیه دای آلل ۶×۶ در برنج به روش‌های دوم و چهارم گریفینگ نشان داد که صفات دوره رشد رویشی، ارتفاع بوته، طول خوشه، تعداد خوشه در بوته و طول دانه قهوه‌ای بیشتر تحت تأثیر اثر افزایشی ژن‌ها قرار دارند، در حالی که صفات دوره رشد زایشی، مساحت برگ پرچم، تعداد دانه در خوشه، عملکرد دانه و عرض دانه قهوه‌ای بیشتر تحت کنترل اثر غیرافزایشی ژن‌ها می‌باشند. مقایسه روش‌های دوم و چهارم گریفینگ نشان داد که نسبت واریانس GCA به واریانس SCA و نسبت بیکر در مورد بسیاری از صفات در روش دوم بیشتر از روش چهارم می‌باشد. برآورد ترکیب‌پذیری عمومی والد‌ها و خصوصی تلاقی‌ها با استفاده از دو روش نیز در مورد بسیاری از صفات مانند دوره رشد رویشی و زایشی، ارتفاع بوته، تعداد دانه پر در خوشه و عملکرد دانه کاملاً متفاوت و معنی‌دار بود. به نظر می‌رسد که برای برآورد ترکیب‌پذیری‌ها، استفاده از ارزش فنوتیپی والد‌ها معیار چندان درستی نباشد، زیرا ترکیب‌پذیری به مفهوم توانایی ترکیب ژن‌های یک رقم با یک یا تعدادی از ارقام دیگر است که پس از انجام تلاقی و مشاهده صفات نتاج می‌توان به آن پی برد و استفاده از ارزش والد‌ها قبل از انجام هر گونه تلاقی و ترکیب جدید ژن‌ها روش چندان صحیحی نیست. به عقیده گریفینگ (۱۰) نیز روش‌های یک و دو که شامل والد‌ها هستند، شرایطی را فراهم می‌آورند که برآورد ترکیب‌پذیری‌ها و واریانس آنها دارای اریب باشند. بنابراین می‌توان گفت که اگر بخواهیم برآورد صحیح و تقریباً دقیقی از میزان ترکیب‌پذیری‌ها و واریانس آنها و نیز نوع عمل ژن‌های کنترل‌کننده صفات داشته باشیم، احتمالاً روش ربع دای آلل (روش چهارم گریفینگ) بر سایر روش‌ها ارجحیت دارد. از طرفی از نظر صرفه جویی در زمان و هزینه‌ها و مراحل محاسباتی ساده‌تر نیز روش ربع دای آلل مناسب‌تر از سایر روش‌هاست.

نمود. عملکرد دانه نیز یکی دیگر از صفاتی بود که تحت تأثیر نوع روش مورد استفاده در برآورد ترکیب‌پذیری‌ها قرار گرفت (جدول ۵). هم‌چنین بعضی از ارقام نظیر IR30 دارای GCA مثبت و معنی‌دار در روش دوم بودند (جدول ۳)، در حالی که GCA این رقم در روش چهارم منفی و معنی‌دار بود (جدول ۴). به علاوه، تلاقی‌های هاشمی × IR30، بینام × IR30، درفک × IR30 و کادوس × IR30 دارای SCA منفی و معنی‌دار در روش دوم بودند که بر خلاف آن SCA این تلاقی‌ها در روش چهارم مثبت و معنی‌دار بود.

ترکیب‌پذیری عمومی والد‌ها برای صفت طول دانه قهوه‌ای در روش دوم گریفینگ از ۰/۶۹۴- در رقم IR30 تا ۰/۵۴۱- در رقم کادوس، و در روش چهارم گریفینگ از ۰/۸۱۲- در رقم IR30 تا ۰/۴۸۹- در رقم کادوس متغیر بود. ترکیب‌پذیری خصوصی دورگ‌ها نیز در روش دوم از ۰/۹۵۶- در تلاقی هاشمی × درفک تا ۰/۶۶۲- در تلاقی بینام × درفک و در روش چهارم از ۰/۹۰۸- در تلاقی هاشمی × درفک تا ۰/۵۶۵- در تلاقی بینام × درفک نوسان داشت (جدول‌های ۳ و ۴). ارقام درفک و کادوس و دورگ‌های درفک × کادوس و درفک × دم‌سفید در روش دوم گریفینگ به ترتیب از ترکیب‌پذیری عمومی و خصوصی مثبت و معنی‌دار برای این صفت بهره‌مند بودند (جدول ۳). از آنجایی که طول دانه مهم‌ترین خصوصیت کیفیت ظاهری دانه‌ها در برنج بوده و دانه بلندی از صفات مهم در بازارپسندی برنج و افزایش قیمت تجاری آن است، لذا این ارقام دارای پتانسیل بهبود این صفت در بهره‌گیری از اثر افزایشی ژن‌ها می‌باشند. اختلاف اثرات GCA و SCA حاصل از روش‌های دوم و چهارم برای این صفت در اکثر موارد معنی‌دار نبوده و تقریباً در یک راستا بودند (جدول ۵). اکثر تلاقی‌ها دارای SCA منفی و معنی‌دار بودند که نمایانگر نقش اثر غیرافزایشی ژن‌ها در جهت کاهش طول دانه قهوه‌ای می‌باشد.

برنج کشور مستقر در دانشکده کشاورزی دانشگاه گیلان به خاطر مساعدت های فراوان قدردانی می گردد.

این مقاله از پایان نامه کارشناسی ارشد استخراج شده و با کمک مالی دانشگاه گیلان انجام شده است. هم چنین از قطب علمی

### منابع مورد استفاده

- آزاد، ر. ۱۳۷۷. برآورد ترکیب پذیری و توارث پذیری صفات کمی و کیفی در ارقام برنج به روش دای آلل. پایان نامه کارشناسی ارشد، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان.
- امام، ی. ۱۳۸۲. زراعت غلات. مرکز نشر دانشگاه شیراز. شیراز.
- حسینی چالستری، م. ۱۳۸۰. برآورد اثر ژن ها و قابلیت ترکیب پذیری صفات کمی و تعیین کننده کیفیت در برنج. پایان نامه کارشناسی ارشد، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان.
- کیانوش، غ.ع. ۱۳۷۹. بررسی قابلیت ترکیب پذیری، برآورد هتروزیس و همبستگی بعضی از صفات مهم در برنج. چکیده مقالات ششمین کنگره زراعت و اصلاح نباتات ایران، ۱۶-۱۳ شهریور، دانشگاه مازندران، بابلسر.
- نعمت زاده، ق.ع.، ح. عباسخانی دوانلو، ر. مانی و م.ع. یزدانی. ۱۳۷۹. تعیین تنوع و قابلیت ترکیب پذیری برای صفات کمی در برنج. چکیده مقالات ششمین کنگره زراعت و اصلاح نباتات ایران، ۱۶-۱۳ شهریور، دانشگاه مازندران، بابلسر.
- هنرزاد، ر. ۱۳۷۴. ژنتیک و برآورد قابلیت ترکیب پذیری برخی از خصوصیات کمی برنج (*Oryza sativa* L.). مجله زیتون، ۱۲۵: ۱۵-۱۳ و ۶۰ تا ۶۳.

- Baker, R.J. 1978. Issues in diallel analysis. *Crop. Sci.* 18: 533-536.
- Caraus, V. 1970. Studies on the combining ability of some varieties and lines of rice. *Lucrari Stiintifice Institutul Agronomic Timisoara Agronomie, (English Abstract).* 13: 559-567.
- Griffing, B. 1956a. A generalized treatment of the use of diallel crosses in quantitative inheritance. *Heredity* 10: 31-50.
- Griffing, B. 1956b. Concept of general and specific combining ability in relation to diallel crossing systems. *Aust. J. Biol. Sci.* 9: 463-493.
- Haque, M.M., M.N. Faridi, C.A. Razzaque and M.A. Newaz. 1981. Combining ability for yield and component characters in rice. *Indian J. Agric. Sci.* 51 (10): 711-714.
- Hayman, B.I. 1954. The analysis of variance of diallel tables. *Biomet.* 10: 235-244.
- Hayman, B.I. 1954. The theory and analysis of diallel crosses. *Genet.* 39: 789-809.
- Jinks, J.E. 1954. The analysis of continuous variation in a diallel cross of *Nicotiana rustica* varieties. *Genet.* 39: 767-788.
- Jinks, J.L. and B.I. Hayman. 1953. The analysis of diallel crosses. *Maize Genet. Coop. News* 27: 864-881.
- Kang, M.S. 2003. *Handbook of Formulas and Software for Plant Geneticists and Breeders.* Food Products Press and The Haworth Reference Press Inc., New York.
- Kaushik, R.P. and K.D. Sharma. 1988. Gene action and combining ability for yield and its component characters in rice under cold stress conditions. *Oryza* 25 (1): 1-9.
- Mahmood, T., G. Shabbir, M. Sarfraz, M. Sadiq, M. K. Bhatti, S. M. Mehdi, M. Jamil and G. Hassan. 2002. Combining ability studies in rice (*Oryza sativa* L.) under salinized soil conditions. *Asian J. Plant Sci.* 1 (2): 88-90.
- Pooni, S., J.L. Jinks and R.K. Singh. 1984. Methods of analysis and the estimation of genetic parameters from a diallel set of crosses. *Heredity* 52 (2): 243-253.
- Sharma, R.K. and S.C. Mani. 2001. Combining ability studies for grain yield and other associated characters in basmati rice (*Oryza sativa* L.). *Crop Improv.* 28 (2): 236-243.
- Verma, O.P. and H.K. Srivastava. 2004. Genetic component and combining ability analysis in relation to heterosis for yield and associated traits using three diverse rice-growing ecosystems. *Field Crops Res.* 88: 91-102.
- Wright, A.J. 1985. Diallel designs, analysis and reference populations. *Heredity* 54: 307-311.