

## تجزیه دی آلل به منظور برآورد پارامترهای ژنتیکی در صفات مرتبط با ارتفاع گندم در دو شرایط نرمال و تنش خشکی

مجید طوسی مجرد<sup>\*</sup> و محمدرضا قنادها<sup>۱</sup>

(تاریخ دریافت: ۱۳۸۶/۱/۱۴؛ تاریخ پذیرش: ۱۳۸۶/۷/۴)

### چکیده

به منظور مطالعه نحوه توارث صفات ارتفاع، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، قطر میان گره دوم، قطر میان گره سوم، طول میان گره دوم، طول میان گره سوم، هفت رقم گندم نان، به همراه نتاج آنها براساس طرح آمیزشی دای آلل یک طرفه، در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار، در دو شرایط نرمال و تنش خشکی در سال‌های ۱۳۸۳ و ۱۳۸۴ در مزرعه مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کاشته شد. نتایج تجزیه واریانس نشان داد که در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی بین ژنوتیپ‌ها برای کلیه صفات تفاوت معنی‌داری در سطح احتمال یک درصد وجود دارد. نتایج تجزیه دی آلل نشان داد که در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی قابلیت ترکیب‌پذیری عمومی کلیه صفات در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار است. قابلیت ترکیب‌پذیری خصوصی کلیه صفات به جز طول بیرون آمدگی پدانکل و طول میان گره دوم معنی‌دار نبود. در کنترل تمامی صفات اثر افزایشی از اهمیت بیشتری برخوردار بود. در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی بیشترین مقدار وراثت‌پذیری عمومی و خصوصی مربوط به صفت ارتفاع می‌باشد. در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی افزایش کلیه صفات به جز دو صفت ارتفاع و طول میان گره سوم در شرایط نرمال با آلل‌های غالب کنترل می‌شود. مقایسه میانگین صفات در والدین و نتاج در دو شرایط نرمال و تنش خشکی نشان داد که در اکثر صفات مقدار میانگین نتاج بیشتر از والدین می‌باشد. در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی در اکثر صفات، ارقام سرداری و روش‌بندی بهترین ترکیب شونده عمومی شناخته شدند.

واژه‌های کلیدی: گندم، خشکی، تجزیه دی آلل، پارامترهای ژنتیکی

### مقدمه

دنيا مورد استفاده قرار می‌گيرند. بيشتر پيشرفت‌های حاصل در اصلاح گندم در دهه‌های اخير منسوب به استفاده از اين ژن‌هاي پاکوتاهی است که ارتباط آنها با عملکردن از طريق تغيير در تسهييم كل بيماس به دانه‌ها و افزایش شاخص برداشت است(۷). جهت دستيابي به ارقام مطلوب و با

ارتفاع بوته در زمان رسيدگي گياه به عنوان يک فاكتور در واکنش گياه نسبت به تنش خشکي در نظر گرفته شده است. ژن‌هاي مسبب كاهش ارتفاع (Rht) در ۵۰ سال اخير معرفی شده‌اند و اکنون به‌طور معمول در برنامه‌های اصلاحی در سراسر

۱. به ترتیب کارشناس ارشد و استاد زراعت و اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تهران، کرج.

\*: مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: mt\_mojarrad@yahoo.com

بهبود بخشید. موسوی (۴) گزارش نمود که در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی در کترل صفات تعداد سنبلاچه در سنبله، بیوماس، تعداد دانه در سنبله، عملکرد دانه، وزن هزار دانه، تعداد روزنه در واحد سطح و شاخص برداشت اثر غیر افزایشی دارای اهمیت بیشتری می‌باشد در حالی که در صفات طول پدانکل در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی اثر افزایشی نقش عمده‌ای دارد. طوسی مجرد و قنادها (۳) در بررسی ژنتیپ‌های گندم براساس تلاقی دی آلل  $7 \times 7$  در دو شرایط نرمال و تنش خشکی گزارش نمودند که در هر دو شرایط نرمال و تنش خشکی صفات عملکرد دانه سنبله، تعداد دانه در سنبله، وزن هزار دانه توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی کترل می‌شوند. هدف از این آزمایش مطالعه نحوه کترل ژنتیکی صفات مرتبط با ارتفاع در گندم و تخمین مقدار پارامترهای مختلف ژنتیکی در این صفات در دو شرایط نرمال و تنش خشکی و مقایسه آنها با یکدیگر می‌باشد.

## مواد و روش‌ها

به منظور مطالعه نحوه توارث صفات مرتبط با ارتفاع در گندم نان این آزمایش در طی دو سال زراعی ۸۲ و ۸۳ در در مزرعه چهارصد هکتاری مؤسسه تحقیقات اصلاح و تهیه نهال و بذر کرج با مختصات جغرافیایی ۵۱ طول شرقی و ۳۵ عرض شمالی اجرا گردید.

در سال اول هفت رقم گاسپارد (حساس)، سرداری، روشن، دابل کراس شاهی Monchlo، Walbler ``s`` Ald ( مقاوم ) در سه تاریخ کاشت متفاوت در مزرعه کشت گردید و تلاقی بین والدین براساس تلاقی دی آلل یک طرفه  $7 \times 7$  انجام گرفت. سپس در سال دوم بذور F1 حاصل از تلاقی دی آلل به علاوه والدین (در مجموع ۲۸ ژنتیپ) در آزمایشی در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در دو قطعه زمین مجاور هم، با فاصله ۵۰ متر از همدیگر در دو شرایط نرمال و تنش خشکی کشت گردیدند. در یک آزمایش آبیاری به طور طبیعی براساس شرایط آب و هوایی و نیاز گیاه صورت گرفت در

عملکرد بالا در شرایط نرمال و تنش خشکی دستیابی به اطلاعات جامعی در مورد ساختار ژنتیکی والدین مورد تلاقي و هم‌چنین پارامترهای ژنتیکی مختلف آنها به ویژه نحوه کترل آنها و میزان توارث صفات مرتبط با عملکرد مورد نیاز می‌باشد که این امر از طریق استفاده از روش‌های متفاوت ژنتیک کمی از جمله تلاقي‌های دی آلل میسر می‌گردد.

تئوری و تجزیه تلاقي‌های دی آلل توسط تعداد زیادی از دانشمندان از جمله گریفینگ (۱۰ و ۱۱)، جینکز (۱۴)، هیمن (۱۲)، کمپتون (۱۵)، کوکرهام (۶)، لی و کالتساکر (۱۶)، گاردنر و ابرهارت (۸)، والتر و مورتون (۱۹) شرح و توسعه داده شده است.

برآورد پارامترهای ژنتیکی از روش دی آلل بر شش فرضیه: رفتار دیپلوئیدی کرموزوم‌ها در والدین، خالص بودن والدین، فراوانی ژن‌ها برابر  $5\%$  باشد، توزیع مستقل ژن‌ها در والدین، عدم وجود اپیستازی و عدم وجود چند آللی، استوار است. ساکول و بیکر (۱۸) این فرضیات را ارزیابی نموده و اعلام نمودند که اگر فراوانی ژنی برابر  $5\%$  نباشد، آنگاه ترکیب‌پذیری عمومی نشان دهنده اثرات افزایشی نبوده بلکه شامل آثار افزایشی، غالیت و اپیستازی خواهد بود. کمپتون (۱۵) اعلام نمود در صورتی که ژن‌ها به صورت مستقل بین والدین توزیع نشده باشند نتایج حاصل از تجزیه دی آلل قابل اعتماد نیست. گریفینگ (۱۱) اظهار داشت که صفت ارتفاع بوته توسط اثر افزایشی و غیرافزایشی کترل می‌گردد به طوری که نقش اثر افزایشی بیشتر است. تحقیقات گوسینزا (۹) نشان داد که ارتفاع گیاه گندم به وسیله ژن‌های غالب کترل می‌شود. ما (۱۷) گزارش نمود، صفت ارتفاع و طول سنبله به وسیله عمل افزایشی ژن‌ها کترل می‌شود. نیکخواه (۵) در مطالعه‌ای روی تعدادی از تلاقي‌های گندم اظهار داشت با توجه به این که وارث‌پذیری صفاتی مانند ارتفاع بوته، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، طول سنبله نسبتاً بالاست، می‌توان از طریق هر یک از این صفات که با عملکرد، هم‌بستگی بالایی دارند و از طریق روش‌های استاندارد انتخاب، عملکرد بوته را

پدانکل، طول پدانکل، طول میان گره دوم و قطر میان گره اول در سطح یک درصد معنی دار می باشد که بیانگر آن است که میزان تغییرات ژنتیکی های مختلف در شرایط متفاوت رطوبتی برای صفات فوق یکسان نبوده است.

جدول ۳ نشان داد که در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی قدرت ترکیب پذیری عمومی کلیه صفات در سطح یک درصد معنی دار است که بیانگر اهمیت واریانس افزایشی در توارث این صفات است. در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی قدرت ترکیب پذیری خصوصی کلیه صفات به جز طول بیرون آمدگی پدانکل و طول میان گره دوم بدون معنی می باشد، که نشان دهنده آن است که فقط در کنترل دو صفت طول بیرون آمدگی پدانکل و طول میان گره دوم اثر افزایشی و اثر غیر افزایشی نقش دارد. نسبت معنی دار میانگین مربعات قابلیت ترکیب پذیری عمومی به خصوصی بیانگر آن است که کنترل صفات ارتفاع، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، قطر میان گره اول، قطر میان گره دوم، قطر میان گره سوم، طول میان گره دوم، طول میان گره سوم اثر افزایشی از اهمیت بیشتری نسبت به اثر غیر افزایشی برخوردار می باشد. نتایج صفت طول پدانکل با نتیجه تحقیق اطمینان (۱)، نیکخواه (۵) و موسوی (۴)، نتایج صفت ارتفاع با یافته های گریفینگ (۱۱)، ادواردز و همکاران (۷)، طالعی و بیگی (۲)، نیکخواه (۵) و اطمینان (۱)، نتایج صفت طول بیرون آمدگی پدانکل با نتایج نیکخواه (۵) مطابقت دارد.

در جدول ۴ مقادیر قدرت ترکیب پذیری عمومی والدین به روش هیمن (۱۲)، برای صفات مورد مطالعه در دو شرایط نرمال و تنفس خشکی ارائه شده است که مقادیر آن بیانگر بهترین ارقام مورد مطالعه جهت کاهش یا افزایش صفات مختلف در تلاقی می باشد. به عنوان مثال در مورد صفت ارتفاع ارقام گاسپارد، Moncho، Walbler، ``s Ald در جهت منفی (کاهش ارتفاع) و ارقام سرداری، روشن، دابل کراس شاهی در جهت مثبت (افزایش ارتفاع) در سطح یک درصد معنی دار هستند. لذا از ارقام گاسپارد Moncho، Walbler، ``s Ald مقابله ژنتیک در محیط برای صفات طول بیرون آمدگی

حالی که در آزمایش دیگر جهت ایجاد تنفس خشکی بعد از مرحله سنبله دهی، آبیاری دیگری صورت نگرفت. روی هر خط، تعداد ۲۰ عدد بذر ضد عفنونی شده از هر ژنتیک روی ۲ ردیف، با فاصله روی ردیف ۱۰ سانتی متر و فاصله بین دو ردیف ۲۰ سانتی متر کشت گردید. اندازه گیری ها به صورت تصادفی روی ۱۰ بوته هر خط انجام شد. در این آزمایش صفاتی چون ارتفاع، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، قطر میان گره اول تا سوم، طول میان گره دوم و سوم اندازه گیری شدند.

در این تحقیق تجزیه دی آلل به روش دوم گریفینگ (۱۱) و با استفاده از مدل مختلط B (ژنتیک ها ثابت و تکرارها متغیر) انجام گرفت. برای برآورد اثر ژنی و تعدادی از پارامترهای ژنتیکی از روش گرافیکی هیمن - جینکر (۱۳) استفاده شد.

جهت تجزیه و تحلیل داده های به دست آمده از نرم افزارهای Minitab (جهت تجزیه واریانس ساده)، D2 (برای تجزیه و تحلیل های ژنتیکی) و Excel (برای رسم نمودارها) استفاده گردید.

## نتایج و بحث

نتایج تجزیه واریانس ساده (جدول ۱) نشان داد که در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی بین ژنتیک ها از نظر کلیه صفات مورد بررسی تفاوت معنی داری در سطح ۱٪ وجود دارد. وجود تفاوت معنی دار در صفات مختلف نشان دهنده تنوع برای این صفات و امکان انتخاب از بین ژنتیک ها، برای صفات مورد نظر می باشد. نتایج تجزیه مرکب در دو شرایط نرمال و تنفس خشکی به عنوان دو محیط متفاوت (جدول ۲) نشان داد که اثر محیط برای تمامی صفات به جز قطر میان گره سوم در سطح یک درصد معنی دار است بنابراین می توان استنباط نمود که تغییر شرایط محیطی اثر یکسانی روی صفات فوق داشته است. در دو محیط و تکرارهای مختلف بین ژنتیک ها در تمامی صفات تفاوت معنی داری مشاهده گردید که نشان دهنده تنوع در بین ژنتیک های مورد بررسی در این صفات می باشد. اثر متقابل ژنتیک در محیط برای صفات طول بیرون آمدگی

جدول ۱. میانگین مربعات منابع تغییر صفات مورد مطالعه در دو شرایط نرمال و تنش خشکی

										نام صفت
										میانگین مربعات بلوک
										میانگین مربعات خطا
تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	ضریب تغییرات
۸/۴	۵/۸	۵۰/۳	۲۸/۴	۳۵۳/۳**	۳۲۳/۱**	۶۸/۹	۷۷/۴			ارتفاع
۱۲/۶	۸/۴	۱۵/۱	۱۱/۱	۶۶/۶**	۹۸/۱**	۱۷/۱	۶/۴			طول پدانکل
۱۶/۲	۱۰/۰	۹/۶	۳/۸	۳۸/۸**	۵۵/۵**	۲۹/۵	۵/۵			طول بیرون آمدگی پدانکل
۷/۶	۶/۳	۰/۰۸	۰/۰۶	۰/۴۳**	۰/۴۶**	۰/۰۵	۰/۰۴			قطر میان گره اول
۶/۶	۵/۵	۰/۰۸	۰/۰۶	۰/۲۶**	۰/۴۳**	۰/۱۶	۰/۰۲			قطر میان گره دوم
۶/۳	۶/۰	۰/۰۶	۰/۰۶	۰/۳۱**	۰/۲۸**	۰/۱۱	۰/۰۳			قطر میان گره سوم
۱۰/۲	۷/۴	۳/۱	۲/۲	۱۳/۱**	۱۹/۹**	۴/۱	۰/۶			طول میان گره دوم
۱۳/۳	۱۳/۴	۲/۰	۲/۱	۸/۲**	۱۲/۶**	۰/۰۵	۲/۷			طول میان گره سوم

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

جدول ۲. میانگین مربعات منابع تغییر تجزیه مرکب صفات مورد مطالعه در دو شرایط نرمال و تنش خشکی

										نام صفت
										محیط
										اشتباه آزمایشی
تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	ضریب تغییرات
۷/۱	۳۹/۳	۶۱/۷	۶۱۴/۷**	۷۳/۴	۲۴۰۷/۷**					ارتفاع
۱۰/۳	۱۳/۱	۳۲/۲**	۱۳۲/۵**	۱۱/۷	۳۰۱۶/۷**					طول پدانکل
۱۶/۵	۶/۷	۱۷/۱**	۱۷/۲**	۱۷/۵**	۲۴۵۰/۶**					طول بیرون آمدگی پدانکل
۷/۰	۰/۰۷	۰/۱۲*	۰/۷۷**	۰/۰۵	۳/۰**					قطر میان گره اول
۶/۱	۰/۰۷	۰/۱۰	۰/۷۰**	۰/۰۹	۱/۱**					قطر میان گره دوم
۶/۱	۰/۰۶	۰/۰۸	۰/۵۱**	۰/۰۷	۰/۰۱					قطر میان گره سوم
۸/۷	۲/۶	۷/۳**	۲۵/۶**	۲/۴	۳۶۹/۰**					طول میان گره دوم
۱۳/۴	۲/۱	۲/۲	۱۸/۶**	۱/۴	۸/۸**					طول میان گره سوم

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

جدول ۳. تجزیه واریانس قدرت ترکیب پذیری عمومی و خصوصی و نسبت آنها به روش گرفینینگ در شرایط نرمال و تنش خشکی

										صفت
										قدرت
										ترکیب پذیری عمومی
تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	تنش	نرمال	به خصوصی
۲۸/۳**	۴۵/۵**	۹/۷	۹/۵	۲۱/۲**	۹/۹	۶۰۱/۲**	۴۴۹/۹**			ارتفاع
۷/۴**	۱۶/۷**	۵/۱	۳/۷	۹/۱	۷/۳	۶۷/۹**	۱۲۱/۶**			طول پدانکل
۵/۳**	۱۷/۰**	۲/۴	۱/۳	۸/۹**	۴/۱**	۴۷/۲**	۶۹/۱**			طول بیرون آمدگی پدانکل
۷/۰**	۱۱/۲**	۰/۰۲	۰/۷۸	۰/۰۶	۰/۱۷	۰/۲۳**	۱/۹**			قطر میان گره اول
۱۰/۷**	۱۱/۴**	۰/۰۳	۰/۰۳	۰/۰۴	۰/۰۳	۰/۴۱**	۰/۴۰**			قطر میان گره دوم
۶/۳**	۱۰/۱**	۰/۰۲	۰/۷۱	۰/۰۵	۱/۴	۰/۲۹**	۱۴/۱**			قطر میان گره سوم
۶/۰**	۱۳/۰**	۱/۱	۰/۷۴	۲/۱*	۱/۷**	۱۲/۳**	۲۳/۷**			طول میان گره دوم
۲۹/۰**	۱۰/۱**	۰/۶۵	۰/۷۱	۰/۳۸	۱/۴	۱۰/۹**	۱۴/۱**			طول میان گره سوم

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

تجزیه دی آلل به منظور برآورد پارامترهای ژنتیکی در صفات مرتبط با ارتفاع ...

	Monchro	Ald	Warbler	روشن	سرداری	کاسپارد	دابل کراس شاهی	نرمال	ارتفاع
۲ / ۰	۰ / ۹۵	۱ / ۲	۰ / ۹۵	-۳ / ۳**	-۵ / ۳**	-۸ / ۷**	۱۰ / ۲**	۳ / ۴**	-۱۲ / ۱**
۲ / ۶	۰ / ۹۶	-۰ / ۵۲	-۲ / ۵*	-۶ / ۶**	۹ / ۰**	۸ / ۴**	۵ / ۳**	-	تشر
۱ / ۶	۰ / ۵۹	-۱ / ۲*	-۳ / ۲**	-۳ / ۱**	۵ / ۶**	۳ / ۸**	۱ / ۴*	-۳ / ۵**	طول پدانکل
۲ / ۸	۰ / ۶۹	۱ / ۵	-۱ / ۹	-۱ / ۱	۳ / ۹**	-۰ / ۱۳	۲ / ۴**	-۴ / ۴**	نرمال
۰ / ۹۴	۰ / ۳۴	۰ / ۰۱	-۳ / ۱**	-۲ / ۴**	۴ / ۱**	۲ / ۷**	۱ / ۱**	-۲ / ۴**	تشر
۱ / ۳	۰ / ۴۸	۱ / ۵**	-۱ / ۵*	-۰ / ۶۲	۲ / ۱**	۱ / ۵**	۲ / ۱**	-۴ / ۱**	طول بیرون آمدگی پدانکل
۰ / ۷۳	۰ / ۵۰	۰ / ۲۷	۰ / ۵۲	۰ / ۲۲	-۰ / ۳۶	-۰ / ۰۵	۴۵ / -۰	-۰ / ۵۰	نرمال
۰ / ۱۳	۰ / ۰۵	۰ / ۰۷	۰ / ۰۱	۰ / ۰۷	-۰ / ۱۵*	-۰ / ۰۴**	۰ / ۱۵**	۰ / ۰۲۶**	تشر
۰ / ۱۴	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۷	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۴**	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۲۰**	نرمال
۰ / ۱۳	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۶	۰ / ۰۵	-۰ / ۱۲*	-۰ / ۰۴**	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۱۹**	نرمال
۰ / ۱۲	۰ / ۰۹	۰ / ۰۴	۰ / ۰۳	۰ / ۰۹	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۴**	۰ / ۰۶	۰ / ۰۲۰**	نرمال
۰ / ۰۹	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۶	۰ / ۰۵	-۰ / ۱۲*	-۰ / ۰۴**	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۱۹**	نرمال
۰ / ۶۷	۰ / ۰۵	۰ / ۰۵*	-۰ / ۵۹*	-۱ / ۱**	۱ / ۵**	۱ / ۵**	۰ / ۱۴	-۰ / ۰۱۷**	نرمال
۰ / ۷۳	۰ / ۰۵	۰ / ۰۷	-۰ / ۰۵*	-۱ / ۷**	۲ / ۹**	۱ / ۱**	-۰ / ۲۰	۰ / ۱۹	نرمال
۰ / ۶۷	۰ / ۰۵	۰ / ۰۵*	-۰ / ۵۹*	-۱ / ۱**	۱ / ۵**	۱ / ۵**	۰ / ۱۴	-۰ / ۰۱۷**	نرمال
۰ / ۷۷	۰ / ۰۵	۰ / ۲۶	-۰ / ۰۷	-۱ / ۵**	-۱ / ۷**	۲ / ۹**	-۰ / ۲۰	۰ / ۱۹	نرمال
۰ / ۶۷	۰ / ۰۵	۰ / ۰۵*	-۰ / ۵۹*	-۱ / ۱**	۱ / ۵**	۱ / ۵**	۰ / ۱۴	-۰ / ۰۱۷**	نرمال
۰ / ۷۷	۰ / ۰۵	۰ / ۲۶	-۰ / ۰۷	-۱ / ۵**	-۱ / ۴**	۲ / ۱**	۱ / ۲**	-۰ / ۰۱	نرمال
۰ / ۸۳	۰ / ۳۱	-۰ / ۰۷	-۰ / ۷۵*	-۰ / ۹۹**	-۰ / ۹۴*	-۱ / ۴**	۲ / ۱**	-۰ / ۰۱	نرمال
CD 1%	CD 5%	SE				۲ / ۳**	-۰ / ۱۵	-۰ / ۰۱	-۱ / ۰**

\*  
\*\* به ترتیب معنی دار در سطح احتمال  $\alpha$  و درصد

ژنوتیپ گاسپارد دارای کمترین تعداد آلل‌های غالب می‌باشد. در جداول ۷ و ۸ نتایج پارامترهای ژنتیکی ارائه شده است.

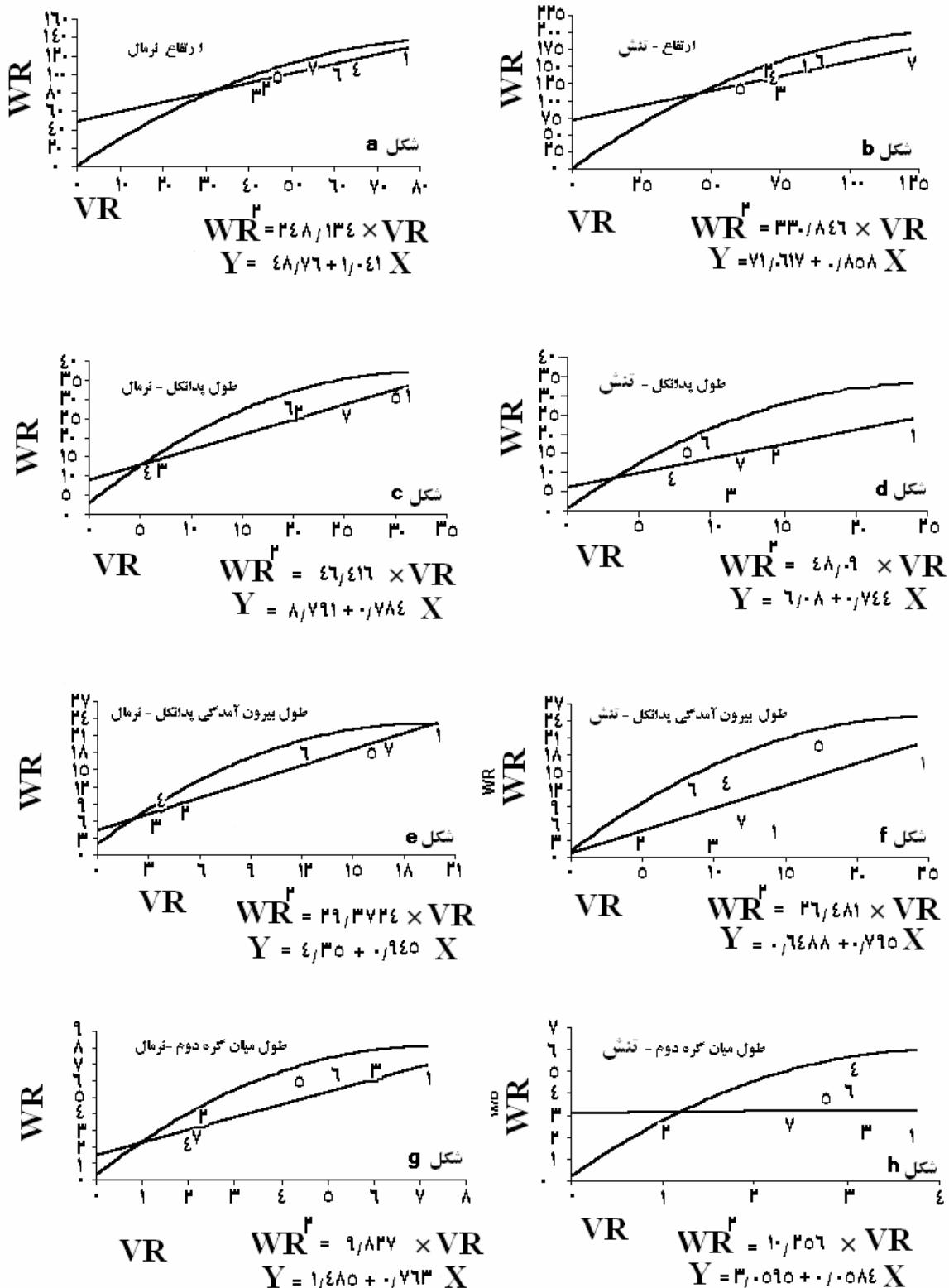
یکی از پارامترهای مورد محاسبه میانگین کروواریانس اثرات افزایشی و غیر افزایشی کلیه ردیف‌هاست که این مقدار در کلیه صفات به جز صفت ارتفاع در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی و قطر میان گره دوم و سوم در شرایط نرمال غیر معنی‌دار می‌باشد. علامت این پارامتر در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی برای دو صفت ارتفاع و طول میان گره سوم مثبت می‌باشد که بیانگر آن است که فراوانی آلل‌های غالب بیشتر از فراوانی آلل‌های مغلوب می‌باشد. هم‌چنین علامت منفی این پارامتر برای صفت قطر میان گره اول در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی نشان دهنده فراوانی بیشتر آلل‌های مغلوب نسبت به فراوانی آلل‌های غالب می‌باشد. بررسی علامت این پارامتر نشان داد که در پنج صفت طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، قطر میان گره دوم، قطر میان گره سوم و طول میان گره دوم علامت این پارامتر در دو شرایط نرمال و تنفس خشکی با هم متفاوت است که این نشان‌دهنده آن است که ژن‌ها در محیط‌های مختلف ظاهر متفاوت از هم نشان داده‌اند.

مقادیر وراثت‌پذیری عمومی و خصوصی صفات مختلف (جدوال ۷ و ۸) نشان می‌دهد که در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی میزان وراثت‌پذیری عمومی کلیه صفات بیشتر از ۷۵ درصد می‌باشد. هم‌چنین میزان وراثت‌پذیری خصوصی کلیه صفات در شرایط نرمال بالای ۴۲ درصد و در شرایط تنفس خشکی بالای ۵۰ درصد است. در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی تفاوت بین واریانس غالیت و واریانس غالیت تصحیح شده در تمامی صفات به جز طول میان گره سوم مثبت است که مقادیر مثبت بیانگر این است که فراوانی آلل‌های غالب و مغلوب در کلیه مکان‌های ژنی یکسان نمی‌باشد. مقدار عددی هرچه ژنوتیپی از مبداء مختصات دورتر باشد بیانگر آن است که آن ژنوتیپ دارای کمترین تعداد آلل غالب برای کترول آن صفت است به عنوان مثال در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی برای صفت طول پدانکل ژنوتیپ روشن دارای بیشترین و

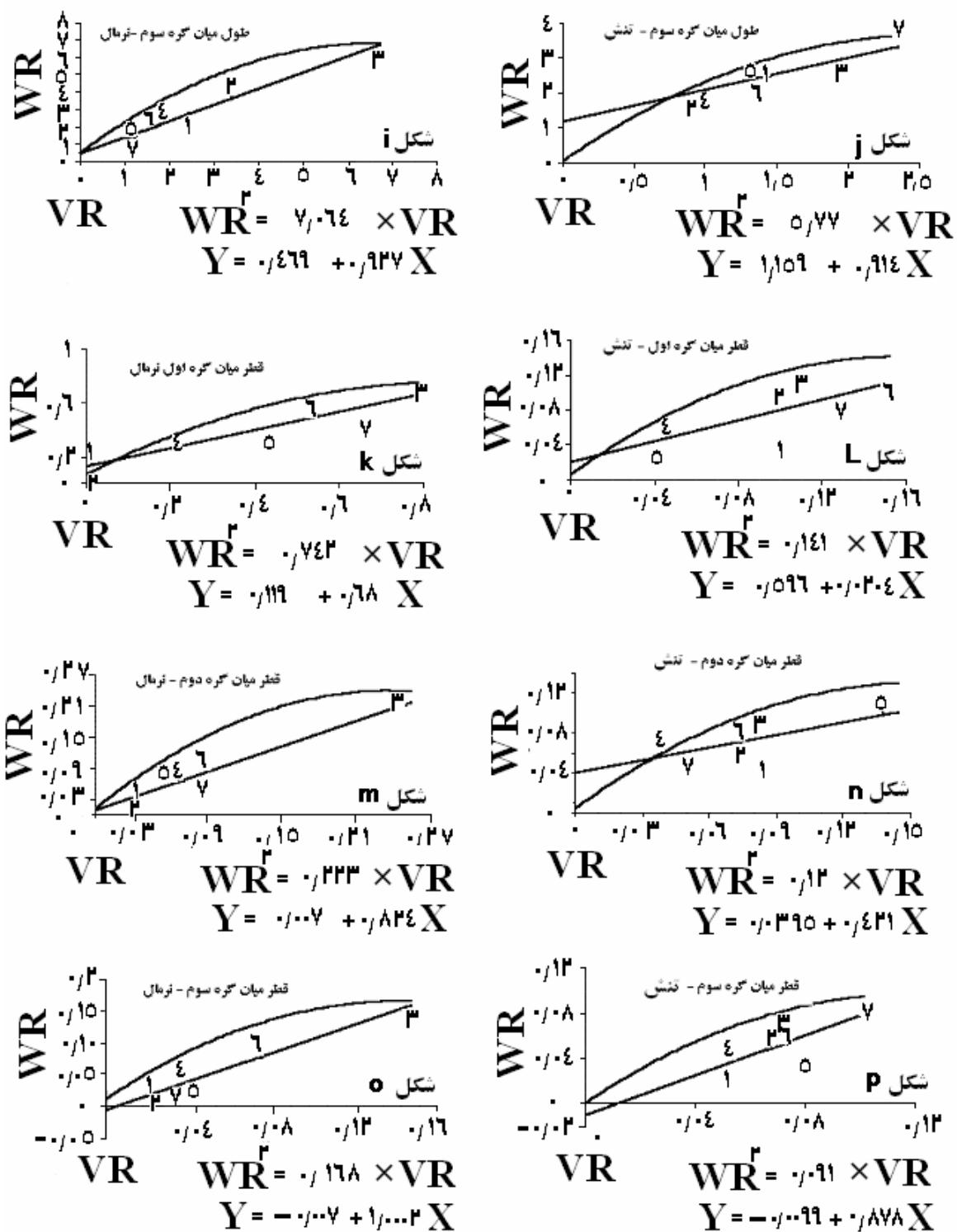
می‌توان برای تولید ارقام با ارتفاع کوتاه‌تر استفاده نمود. بنابراین در جدول ۴، با توجه به هدف می‌توان بهترین ترکیب شونده عمومی را انتخاب نمود.

در جداول ۵ و ۶ قدرت ترکیب پذیری خصوصی صفات مختلف به روش هیمن (۱۲) برای هیبریدهای مختلف ارائه شده است. با توجه به این‌که در برخی از صفات حد پایین و در بعضی از صفات حد بالای یک صفت مطلوب است، بنابراین به‌نژادگر براساس اهداف اصلاحی می‌تواند، هر یک از والدین را انتخاب نماید. به عنوان مثال در مورد صفت ارتفاع در شرایط نرمال، هیبرید (گاسپارد × دابل کراس شاهی) بیشترین مقدار قابلیت ترکیب شوندگی در جهت افزایش ارتفاع و هیبرید (دابل کراس شاهی × ارتفاع) کمترین مقدار ترکیب‌پذیری جهت افزایش ارتفاع را نشان داد که به نژادگر با توجه به هدف (کاهش یا افزایش ارتفاع) هیبریدهای حاصل از تلاقی را انتخاب می‌نماید.

بررسی شکل‌های ۱ و ۲ نشان می‌دهد که در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی صفات ارتفاع، طول پدانکل، طول بیرون آمدگی پدانکل، قطر میان گره اول، قطر میان گره دوم، قطر میان گره سوم، طول میان گره دوم، طول میان گره سوم به صورت غالیت نسبی، هم‌چنین صفت قطر میان گره سوم در هر دو شرایط به صورت فوق غالیت کترول می‌شود. نحوه کترول ژنتیکی صفات مورد مطالعه در دو شرایط نرمال و تنفس خشکی با هم یکسان است که این شاید به دلیل آن است که با توجه به نوع صفات، ژن‌ها در محیط‌های مختلف، ظاهر یکسان نسبت به هم نشان داده‌اند. نتایج حاصل با نتایج میانگین درجه غالیت (جدوال ۷ و ۸) مطابقت دارد. در شکل‌های مذکور هر چه ژنوتیپی به مبداء مختصات نزدیک‌تر باشد، نشان دهنده آن است که آن ژنوتیپ دارای تعداد آلل‌های غالب بیشتری می‌باشد و هرچه ژنوتیپی از مبداء مختصات دورتر باشد بیانگر آن است که آن ژنوتیپ دارای کمترین تعداد آلل غالب برای کترول آن صفت است به عنوان مثال در هر دو شرایط نرمال و تنفس خشکی برای صفت طول پدانکل ژنوتیپ روشن دارای بیشترین و



شکل ۱. (نمودارهای a تا h) : خط رگرسیون WR-VR و سهمی محدود کننده  $WR^2$  با پراکنش والدین در اطراف خط رگرسیون اعداد (۱ تا ۷) به ترتیب والدین: گاسپارد، دابل کراس شاهی، سرداری، روشن، Moncho Ald "s" ، Warbler



شکل ۲. (نمودارهای i تا p): خط رگرسیون WR-VR و سهمی محدود کننده WR2 با پراکنش والدین در اطراف خط رگرسیون

اعداد (۱ تا ۷) به ترتیب والدین: گاسپارد، دابل کراس شاهی، سرداری، روشن، Moncho ، Ald " s " ، Warbler

جدول ۵. مقادیر قدرت ترکیب پذیری خصوصی (SCA) هیبریدهای هفت رقم گندم برای صفات مختلف در شرایط نرمال

هیبرید	طول میان	گره سوم	طول میان	گره دوم	قطر میان	قطر میان	قطر میان	قطر میان	طول بیرون	طول پدانکل	ارتفاع
	گره سوم	گره دوم	گره سوم	گره دوم	گره اول	آمدگی پدانکل	پدانکل	طول	طول	هیبرید	
-۳ / ۹*	-۴ / ۱**	-۰ / ۰۵	۰ / ۴۲	۰ / ۲۲**	-۰ / ۰۷	-۲ / ۲**	-۱ / ۱**	۱ × ۲	-۰ / ۰۵	۰ / ۹۰	-۳ / ۹*
۳ / ۰*	۳ / ۹**	۳ / ۳**	-۰ / ۱۲	۰ / ۱۴	۰ / ۱۵*	۱ / ۸**	۰ / ۷۸	۱ × ۳	-۰ / ۰۶	۰ / ۹۰	۳ / ۰*
۴ / ۲**	۲ / ۱*	۱ / ۴*	۰ / ۱۵	-۰ / ۰۸	-۰ / ۰۸	۲ / ۱**	۰ / ۹۴**	۱ × ۴	-۰ / ۰۷	۰ / ۹۰	۴ / ۲**
۱ / ۸	۱ / ۱	-۰ / ۲۶	-۰ / ۰۴	-۰ / ۰۹	۰ / ۰۸	۰ / ۳۸	۰ / ۳۲	۱ × ۵	-۰ / ۰۸	۰ / ۹۰	۱ / ۸
-۲ / ۶	۰ / ۱۴	-۰ / ۰۷	-۰ / ۲۷	۰ / ۴۱**	۰ / ۲۶**	۰ / ۸۳*	۰ / ۳۱	۱ × ۶	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۲ / ۶
۲ / ۳	۳ / ۴**	۲ / ۲**	-۰ / ۵۵	۰ / ۱۲	۰ / ۰۳	۰ / ۵۳	-۰ / ۸۲*	۱ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۲ / ۳
-۵ / ۲**	۱ / ۲	۰ / ۷۳	-۰ / ۰۷	۰ / ۰۴	۰ / ۳۵**	۰ / ۰۵	-۰ / ۴۱	۲ × ۳	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۵ / ۲**
-۱ / ۶	۰ / ۳۹	۰ / ۸۸	۰ / ۳۵	۰ / ۰۱	۰ / ۱۴	-۱ / ۱**	-۰ / ۳۰	۲ × ۴	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۱ / ۶
۰ / ۶۵	۳ / ۷**	۲ / ۸**	-۰ / ۳۳	۰ / ۱۱	۰ / ۲۸**	۱ / ۲**	-۱ / ۱**	۲ × ۵	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۰ / ۶۵
۱ / ۵	۲ / ۵**	۲ / ۵**	-۰ / ۴۶	۰ / ۱۱	-۰ / ۰۱	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	۲ × ۶	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۱ / ۵
۱ / ۵	-۲ / ۸**	-۰ / ۹۶	-۰ / ۴۴	۰ / ۰۵	۰ / ۰۴	-۰ / ۴۵	-۱ / ۱**	۲ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۲ / ۸**
-۴ / ۷**	-۰ / ۷۵	۱ / ۴*	-۰ / ۲۵	۰ / ۰۱	۰ / ۱۳	۱ / ۱**	۰ / ۵۸	۳ × ۴	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۴ / ۷**
۲ / ۲	۲ / ۱*	۱ / ۳*	۰ / ۷۴	۰ / ۱۸*	۰ / ۱۹**	-۰ / ۰۲	-۱ / ۳**	۳ × ۵	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۲ / ۲
-۳ / ۲*	-۰ / ۰۱	۰ / ۴۴	۰ / ۰۴	-۰ / ۰۹	-۰ / ۰۸	-۰ / ۳۳	-۰ / ۷۳	۳ × ۶	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۳ / ۲*
۱ / ۷	۱ / ۰۳	۰ / ۷۰	۰ / ۸۴*	-۰ / ۰۹	۰ / ۲۵**	-۱ / ۸**	-۲ / ۲**	۳ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۱ / ۷
-۴ / ۵**	۱ / ۸	۱ / ۴*	-۰ / ۳۱	-۰ / ۱۱	۰ / ۲۱**	۰ / ۳۶	۰ / ۰۲	۴ × ۵	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۴ / ۵**
۲ / ۴	۰ / ۳۹	۰ / ۶۳	۰ / ۱۲	-۰ / ۰۹	۰ / ۱۳	۱ / ۵**	۰ / ۰۵	۴ × ۶	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۲ / ۴
-۱ / ۶	۳ / ۳**	۲ / ۹**	۰ / ۰۸	۰ / ۰۹	۰ / ۰۳	۰ / ۱۰	-۰ / ۵۸	۴ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۱ / ۶
-۱ / ۳	-۲ / ۰*	-۰ / ۱۳	۰ / ۲۱	۰ / ۱۱	۰ / ۰۹	-۰ / ۳۹	-۰ / ۳۷	۵ × ۶	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۱ / ۳
-۱ / ۱	۲ / ۱*	۱ / ۷**	-۰ / ۲۸	۰ / ۱۳	۰ / ۲۸**	۱ / ۶**	۰ / ۶۶	۵ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	-۱ / ۱
۰ / ۸۳	-۱ / ۱	-۱ / ۸**	۰ / ۵۵	۰ / ۱۲	۰ / ۱۹*	۰ / ۲۵	۱ / ۲**	۶ × ۷	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۰ / ۸۳
۱ / ۴	۰ / ۹۱	۰ / ۵۳	۰ / ۴۳	۰ / ۰۸	۰ / ۶۸	۰ / ۴۱	۰ / ۴۰	S. E(gi)	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۱ / ۴
۲ / ۹	۱ / ۸	۱ / ۱	۰ / ۸۳	۰ / ۱۵	۰ / ۱۳	۰ / ۸۱	۰ / ۸۰	CD(0.05)	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۲ / ۹
۴ / ۰	۲ / ۵	۱ / ۵	۱ / ۱	۰ / ۲۱	۰ / ۱۹	۱ / ۱	۱ / ۱	CD(0.01)	-۰ / ۰۹	۰ / ۹۰	۴ / ۰

اعداد (۱ تا ۷) به ترتیب والدین: گاسپارد، دابل کراس شاهی، سرداری، روشن، Moncho «Ald " s " »، Warbler

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

ارتفاع نتایج این تحقیق با یافته های گریفینگ (۱۱)، ادواردز و همکاران (۷)، طالعی و بیگی (۲)، نیکخواه (۵) و اطمینان (۱) مطابقت دارد. نتایج به دست آمده درباره صفت بیرون آمدگی پدانکل را آزمایش های نیکخواه (۵) تأیید می کند.

در پایان پیشنهاد می شود برای انتخاب روش اصلاحی، اگر

والدین و نتاج در جدول ۷ و ۸ نشان می دهد که در تمامی صفات به جز دو صفت ارتفاع و طول میان گره سوم در شرایط نرمال، مقدار میانگین نتاج بیشتر از والدین می باشد. نتایج به دست آمده در مورد طول پدانکل با نتیجه تحقیق اطمینان (۱)، نیکخواه (۵) و موسوی (۴) مطابقت دارد. در مورد

جدول ۶. مقادیر قدرت ترکیب پذیری خصوصی (SCA) هیبریدهای هفت رقم گندم برای صفات مختلف در شرایط تنفس خشکی

هیبرید	طول میان گره سوم	طول میان گره دوم	طول میان گره سوم	قطر میان گره سوم	قطر میان گره دوم	قطر میان گره اول	طول بیرون آمدگی پدانکل	طول پدانکل	ارتفاع
۱×۲	-۰/۱۴	-۰/۷۳	۰/۲۴**	۰/۲۴**	۰/۱۵*	۰/۱۲	۲/۵**	۲/۵	۲/۵
۱×۳	-۰/۱۶	۳/۱**	۰/۱۴*	۰/۱۵*	۰/۱۲	۲/۵**	۵/۲**	۱/۷	۱/۷
۱×۴	۰/۱۷	-۱/۶**	-۰/۰۱	-۰/۰۱	-۰/۱۳	-۲/۸**	-۳/۹**	-۴/۲**	-۴/۲**
۱×۵	۰/۲۶	۱/۲*	۰/۰۹	۰/۰۹	۰/۱۴*	-۲/۵**	-۲/۵**	۰/۱۲	۰/۱۲
۱×۶	-۰/۵۷	۰/۰۷	۰/۰۷	۰/۲۳**	۰/۴۲**	۰/۳۷**	۱/۶*	۰/۹۴	۲/۹*
۱×۷	-۰/۷۳	۰/۹۷*	۰/۹۷*	۰/۲۱**	۰/۱۰	۰/۴۱**	۴/۳**	۳/۳**	۳/۹**
۲×۳	-۱/۲**	-۰/۰۹	۰/۰۹	۰/۱۱	۰/۱۱	-۰/۱۱	-۵/۳**	-۵/۳**	-۲/۹*
۲×۴	-۰/۶۱	-۰/۰۳	۰/۰۳	۰/۱۱	۰/۰۳	۰/۱۶*	-۰/۳۷	۱/۳	-۲/۸
۲×۵	-۰/۳۵	۰/۴۸	۰/۴۸	۰/۲۷**	۰/۱۱	۰/۱۵*	۰/۸۹	-۱/۳	-۴/۵**
۲×۶	۰/۸۷*	۰/۰۱	۰/۰۱	-۰/۰۲	۰/۱۱	۰/۰۸	۰/۶۰	۱/۶*	-۲/۳
۲×۷	-۰/۳۱	-۰/۰۱	۰/۰۱	-۰/۰۹	۰/۰۵	۰/۲۱**	۲/۴**	۳/۱**	۰/۳۴
۳×۴	-۰/۳۳	۱/۲*	۰/۱۲	۰/۰۷	۰/۰۴	-۲/۵**	-۰/۸۷	-۰/۱**	۷/۱**
۳×۵	۰/۳۷	۰/۰۷	۰/۰۷	۰/۰۷	۰/۲۴**	۰/۱۷*	۳/۸**	۴/۲**	-۶/۱**
۳×۶	-۰/۸۸*	-۱/۴**	-۰/۰۱	-۰/۰۱	-۰/۰۳	۰/۸۹	-۰/۰۳	۵/۱**	۵/۱**
۳×۷	۰/۵۳	۲/۱**	۰/۱۷*	۰/۰۹	-۰/۰۹	۴/۸**	۴/۸**	۳/۶**	۸/۱**
۴×۵	-۰/۱۲	۰/۴۷	۰/۴۷	-۰/۳۲**	-۰/۱۰	-۰/۰۷	۲/۷**	-۰/۳۴	۴/۱**
۴×۶	۰/۱۶	۰/۵۱	۰/۵۱	-۰/۰۱	-۰/۰۷	-۰/۰۷	۳/۱**	۰/۱۶	۱/۹
۴×۷	۰/۷۵	۰/۱۸	۰/۱۸	۰/۰۸	۰/۰۰	-۰/۰۱	-۰/۰۳	-۰/۰۳	۳/۳*
۵×۶	۰/۲۴	۰/۱۶	۰/۱۶	۰/۱۲	۰/۲۷**	۰/۰۷	-۱/۴	۰/۳۷	۱/۲
۵×۷	۰/۲۵	۰/۱۵	۰/۱۵	۰/۱۴	-۰/۰۷	-۱/۲	-۱/۷*	-۰/۴۰	-۰/۴۰
۶×۷	-۰/۳۲	-۰/۴۷	-۰/۴۷	-۰/۱۹**	۰/۱۰	۰/۱۰	-۱/۴	-۰/۰۶	-۸/۹**
S.E(gi)	۰/۳۸	۰/۴۷	۰/۴۷	۰/۰۷	۰/۰۸	۰/۰۸	۰/۷۴	۱/۰۶	۱/۰
CD(0.05)	۰/۷۷	۰/۹۵	۰/۹۵	۰/۱۴	۰/۱۵	۰/۱۳	۱/۵	۱/۴	۲/۹
CD(0.01)	۱/۱	۱/۳	۱/۳	۰/۱۹	۰/۲۱	۰/۲۱	۰/۰	۱/۹	۳/۹

اعداد (۱ تا ۷) به ترتیب والدین: گاسپارد، دابل کراس شاهی، سرداری، روشن، Warbler ، Ald " s " ,Moncho

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

بالایی دارا بود روش دورگ گیری، می تواند کارایی بهتری داشته باشد. با توجه به این که بیشتر پیشرفت های حاصل در اصلاح گندم در دهه های اخیر منسوب به استفاده

در صفتی بخش عمده واریانس زنگیکی به اثر افزایشی زن ها تعلق داشت، انتخاب یکی از مهم ترین روش های اصلاحی برای آن صفت در نظر گرفته شود ولی اگر آن صفت میزان هتروزیس

تجزیه دی آلل به منظور برآورد پارامترهای ژنتیکی در صفات مرتبط با ارتفاع ...

جدول ۴. مقادیر قدرت ترکیب پذیری عمومی والدین برای صفات مختلف در دو شرایط نرمال و تنش خنکی

				کاسپاراد	دابل کراس شاهی	سرداری	روشن	* ۳ / ۲*	* ۴ / ۳*	نرمال	ارتفاع	صفت
۲ / ۵	۱ / ۲	۰ / ۹۵	-۳ / ۳**	-۵ / ۳**	-۸ / ۷**	-۰ / ۰*	-۰ / ۰*	-۰ / ۰*	-۰ / ۰*	-	-	-
۲ / ۶	۱ / ۹	۰ / ۹۶	-۰ / ۰*	-۵ / ۵**	-۲ / ۵**	-۹ / ۵**	-۹ / ۰**	-۸ / ۴**	-۵ / ۳**	-۱ / ۱۳**	-۱ / ۱۳**	تشن
۱ / ۶	۱ / ۲	۰ / ۵۹	-۱ / ۲*	-۳ / ۲**	-۱ / ۱**	-۳ / ۱**	-۵ / ۲**	-۳ / ۸**	-۳ / ۳**	-۳ / ۳**	-۳ / ۳**	تشن
۲ / ۸	۲ / ۱	۰ / ۹۹	۱ / ۵	-۱ / ۹	-۱ / ۱	-۳ / ۱**	-۳ / ۶**	-۰ / ۱۳	-۰ / ۴**	-۰ / ۴**	-۰ / ۴**	تشن
۰ / ۹۴	۰ / ۶۹	۰ / ۳۴	۰ / ۰۱	-۳ / ۱**	-۲ / ۴**	-۳ / ۱**	-۴ / ۱**	-۲ / ۷**	-۱ / ۱**	-۲ / ۲**	-۲ / ۲**	تشن
۱ / ۳	۰ / ۹۷	۰ / ۴۸	۱ / ۵**	-۱ / ۵**	-۰ / ۶۲	-۰ / ۱**	-۰ / ۵۲	-۰ / ۱**	-۰ / ۱**	-۰ / ۱**	-۰ / ۱**	تشن
۰ / ۷۳	۰ / ۵۵	۰ / ۲۷	۰ / ۶۲	۰ / ۵۵	۰ / ۲۲	-۰ / ۳۶	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	تشن
۰ / ۱۳	۰ / ۱۰	۰ / ۰۵	۰ / ۰۷	۰ / ۰۱	۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	تشن
۰ / ۱۴	۰ / ۱۰	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۷	۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۱۲*	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	تشن
۰ / ۱۳	۰ / ۱۰	۰ / ۰۵	۰ / ۱۲*	۰ / ۰۵	۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	-۰ / ۰۵	تشن
۰ / ۱۲	۰ / ۰۹	۰ / ۰۴	۰ / ۰۳	۰ / ۰۹	۰ / ۰۷	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	-۰ / ۰۳	تشن
۰ / ۹۷	۰ / ۵۰	۰ / ۲۵	۰ / ۵۶*	-۰ / ۵۹*	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱۲*	-۱ / ۱۲*	تشن
۰ / ۷۳	۰ / ۵۷	۰ / ۲۶	-۰ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۰ / ۰۶	-۰ / ۰۶	تشن
۰ / ۹۷	۰ / ۵۰	۰ / ۲۵	۰ / ۵۶*	-۰ / ۵۹*	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۱ / ۱**	-۰ / ۰۶	-۰ / ۰۶	تشن
۰ / ۷۲	۰ / ۵۷	۰ / ۲۶	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۱ / ۰۷	-۰ / ۰۱	-۰ / ۰۱	تشن
۰ / ۸۳	۰ / ۶۲	۰ / ۳۱	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	-۰ / ۰۷	تشن
CD 1%	CD 5%	SE										

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

## جدول ۸. آمارهای شنیک، صفات مختلف در شم ابط نش، خشکی

\* و \*\*: به ترتیب معنی دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

توالید ارقام پاکوتاه از ارقام گاسپارد Moncho, Walbler ``s`` Ald استفاده گردد.

ژن‌های پا کوتاهی می‌باشد که ارتباط آن با عملکرد از طریق تغییر در تسهیم کل بیوماس به دانه‌ها و افزایش شاخص برداشت مشخص شده است بنابراین پیشنهاد می‌گردد جهت

#### منابع مورد استفاده

۱. اطمینان، ع. ر. ۱۳۸۳. بررسی نحوه توارث برخی از صفات کمی و کیفی در گندم نان به روش دورگ‌گیری دی آلل. پایان نامه کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تهران.
۲. طالعی، ع. و. ا. بیگی. ۱۳۷۴. بررسی میزان ترکیب‌پذیری و هتروزیس در ارقام گندم نان به روش دورگ‌گیری دی آلل. مجله علوم کشاورزی ایران ۲۷(۲): ۱۴۰ - ۱۵۳.
۳. طوسی مجرد، م. و. م. ر. قنادها. ۱۳۸۵. بررسی پارامترهای ژنتیکی در ارقام گندم نان با استفاده از روش تلاقی دی آلل در دو شرایط نرمال و تنفس خشکی. علوم کشاورزی ایران. ۴۲(۲): ۲۳۶ - ۲۵۰.
۴. موسوی، س. ۱۳۸۰. مطالعه ژنتیکی مقاومت به خشکی در گندم به وسیله روش دی آلل. پایان نامه کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تهران.
۵. نیکخواه، ح. ر. ۱۳۷۸. ارزیابی و مطالعه نحوه توارث‌پذیری مقاومت به خشکی در گندم نان. پایان نامه کارشناسی ارشد اصلاح نباتات، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تهران.
6. Cokerham, C. C. 1963. Estimation of genetic variances. PP.53 – 94. In: W. D. Hanson and H. F. Robinson(Eds.), Ststistical Genetics and Plant Breeding. NASNRC Pub., USA.
7. Edwards , L. H. H. Ketata and E. L. Smith, 1976. Gene action of heading date, plant height, and other characters in two winter wheat crosses . Crop Sci. 16: 275- 277.
8. Gardner, C. O. and S. A. Eberhart. 1966. Analysis and interpretation of the variety cross diallel and related populations. Biometeri. 22: 439 – 459.
9. Guscinora, V. M. 1987. Genetic analysis of plant height in winter wheat varieties. Referativnyi j. 40: 65 – 200.
10. Griffing, B. 1956 a. Concept of general and specific combining ability in relation to diallel crossing system. Aust. J. Biol. Sci. 9: 463 – 493.
11. Griffing, B. 1953. Concept of general and specific combining ability in relation diallel. Crossing systems. Aust. J. Boil. Sci. 9 (16): 443-446.
12. Hayman, B. 1954. The theory of analysis of diallel crosses. Genet. 39-78.
13. Jinks, J. L. and B. I. Hayman. 1953. The analysis of diallel crosses. Maize genet. Cooperative Genetic News letter 27: 48 - 54.
14. Jinks, J. L. 1954. The analysis of continouse variation in a diallel cross of nicotiana rustica varieties. Genet. 39: 67 - 788.
15. Kempthorne, O. 1956. The theory of diallel cross. Genet. 41: 451 – 459.
16. Lee, J. and P .J. Kaltsikes. 1972. Supplemental information on the use of computer program for the Jinks- Hayman diallel analysis of data from F1, F2 and F3 generations. Crop Sci. 12: pp.633 .
17. Ma, S. F. 1988. An analysis of combining ability and heritability for agronomic characters in spring wheat parents. Ningxia J. 61: 22 –27.
18. Sokol, M. J. and R . J. Baker. 1977. Evaluation of the assumptions required for the genetic interpretation of diallel experiments in self pollinating crops. Can. J. Plant Sci. 57 :1185-1191.
19. Walter, D. E. and J. R. Morton. 1978. On the analysis of variance of half diallel table. Biometer. 34: 91 – 94.